

**Y-specific primers in regions of high XY-homology**

<b>STS name</b>	<b>Primer A</b>	<b>Primer B</b>	<b>Size/bp</b>	<b>Y-specific Ta/°C</b>
<b>sY870Y</b>	ATCTTCCTCTGATGTGTTACC	CACAATGTAAGAACTATATAAAC	303	57
<b>Y690K</b>	CCCAATCAAATGTAGCCAG	GCAATGGACACAGTGAGTC	303	64
<b>TGIF2LY</b>	GACCAATTGTCTTGTGCG	AACAGGTTTACCAACAGTACAC	516	63
<b>sY872Y</b>	GGAAAGTGGTGGGTGTTTC	CTGTTAGCATACATACCCAG	415	60
<b>sY874Y</b>	TTGCTGAAC TGATAGGTAAAC	TCAGCTACACCATTACTAAC	276	61
<b>sY29Y</b>	AGCACACTAACATACACATG	CTTGCAGCATT CATAACTTC	234	58
<b>sY42Y</b>	TGCATAGACCAAAATTGAATC	TGTTGAGGTGGTGAATCAG	374	58
<b>sY50Y</b>	ACAAGAATAGAAAAATCACCG	GTATACTGAAAGTCATCAAAG	334	55
<b>sY73Y</b>	CAGCTGCC TTGATAGAATGT	AGCCCAAATTAGCTAGGTGGC	326	59

Jobling et al. Supplementary Table 2

sample	19	385	388	390	391	392	393	425	426	434	435	436	437	438	439	447	448	460	461	462	389I	389II	H4	YCAII	hg
N5	13	11,18	12	25	11	12	13	12	11	11	11	12	14	10	13	26,2	21	10	12	12	12	26	12	16,19	D
710/01	16	13,14	13	22	11	11	14	12	11	10	11	12	16	10	11	23	21	11	12	12	14	30	12	18,19	G
N9	14	15,17	12	24	10	11	14	12	11	12	11	12	14	10	11	23	19	12	12	12	13	31	12	17,19	H(xH2)
MD54	14	15,17	12	24	10	11	14	12	11	12	11	12	14	10	11	23	19	11	12	12	13	31	12	17,19	H(xH2)
HE4	14	14,18	12	24	10	11	14	12	11	12	11	12	14	10	11	23	19	11	12	12	13	31	12	17,19	H(xH2)
CM2	15	15,15	13	23	10	12	13	12	11	11	11	12	14	10	11	25	20	11	12	12	13	31	11	17,19	I
A532	15	13,16	15	25	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	13	24	19	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
WA06	14	13,13	15	24	11	11	12	12	11	11	11	12	15	7	11	27	18	11	9	11	12	29	11	17,18	J2e1*
WA23	15	13,16	15	24	9	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	25	19	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
N1	15	13,17	15	25	10	11	12	null	11	11	11	12	15	9	11	26	18	10	9	11	12	29	12	17,18	J2e1*
N3	15	14,17	15	25	11	11	12	12	11	11	11	12	14	9	12	26	18	12	9	12	12	28	11	17,18	J2e1*
N7	15	13,16	14	23	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	23	19	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
N8	15	14,17	15	24	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	25	19	10	9	12	11	28	11	17,18	J2e1*
N10	15	14,17	15	23	11	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	26	18	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
N11	16	13,17	15	25	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	11	26	18	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
N12	15	13,18	17	24	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	26	17	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
N15	16	13,17	15	24	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	26	21	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
N2	16	13,17	15	24	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	13	25	18	10	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
N4	17	14,17	14	23	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	13	24	19	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
VIC-E	15	14,17	15	24	11	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	26	18	10	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
N13	17	13,18	16	25	10	12	12	12	11	11	11	12	15	9	12	24	18	11	9	11	12	29	11	17,18	J2e1*
N14	15	13,17	15	24	10	11	12	12	11	11	11	12	14	9	13	26	18	11	9	11	12	28	10	17,18	J2e1*
MD91	15	14,18	16	24	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	24	19	12	9	12	13	30	11	17,18	J2e1*
37114	15	13,17	15	24	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	26	19	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
H95	15	12,16	15	23	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	26	19	11	9	12	12	28	11	17,18	J2e1*
H108	15	12,16	15	23	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	13	26	19	11	9	12	12	28	11	17,18	J2e1*
H620	16	13,17	16	23	10	11	12	12	11	11	11	12	14	9	12	26	18	10	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
H857	15	13,17	15	25	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	26	19	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
H859	15	13,18	15	25	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	26	19	11	9	11	12	28	12	17,18	J2e1*
H867	15	13,18	15	26	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	26	19	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
H869	15	13,18	15	25	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	26	19	11	9	11	12	28	12	17,18	J2e1*
H91	16	12,16	15	23	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	13	26	19	11	9	12	12	28	11	17,18	J2e1*
m632	15	18,18	15	24	10	11	13	12	11	11	11	12	15	9	12	27	19	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
m640	15	13,17	15	22	10	11	12	12	11	11	11	12	15	9	13	25	19	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
WA22	14	11,14	12	24	10	13	13	12	12	11	11	12	15	12	12	26	19	10	12	11	13	29	12	17,17	R1b3
WA25	14	11,14	12	24	10	13	13	12	12	11	11	12	15	12	12	26	19	10	12	11	13	29	12	17,17	R1b3
WA39	14	11,14	12	24	10	13	13	12	12	11	11	12	15	12	12	26	19	10	12	11	13	29	12	17,17	R1b3
WA49	14	11,14	12	24	10	13	13	12	12	11	11	12	15	12	12	26	19	10	12	11	13	29	12	17,17	R1b3
IP517	17	12,16	13	25	10	11	13	12	11	11	11	12	15	10	12	25	18	10	12	12	12	29	10	16,17	I
VIC-C	15	14,18	15	24	11	11	12	12	11	11	11	12	15	9	12	25	18	11	9	11	12	28	12	17,17	J2e1*
H401	15	13,16	16	24	11	11	12	12	11	11	11	12	15	7	12	27	18	11	9	11	12	28	11	17,18	J2e1*
VIC-B	13	11,14	12	24	10	13	13	12	11	11	11	12	15	12	12	25	19	11	12	11	13	29	10	17,21	R1b3
121/04	13	12,14	12	24	11	13	13	12	12	11	11	12	15	12	12	25	19	11	13	11	13	29	8	17,21	R1b3
CM1	14	11,14	12	23	11	13	13	12	12	11	11	12	15	12	12	24	19	11	12	11	13	29	12	17,21	R1b3
HGDP644	14	13,17	17	22	11	11	12	12	11	11	11	12	14	10	11	27	20	11	11	11	13	29	11	20,20	J(xJ2)