

Additional file 5 - Alignment of 11 nuclear loci of 18 genotypes found in *G. intraradices*.

Alignment position 60

Genotypes	Loci (shaded in black/grey)	Alignment position
	Bg32	60
I	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
II	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
III	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
IV	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
V	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
VI	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
VII	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
VIII	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
IX	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
X	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
XI	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
XII	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
XIII	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
XIV	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
XV	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
XVI	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
XVII	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
XVIII	CA ACCATTGGCTTCAGAAACAGCATTATAATCTCTAAGCCAAGCAACAGGATCTTGCTGA	
Conservation	*****	

Genotypes	Loci (shaded in black/grey)	Alignment position
	Bg32	120
I	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
II	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
III	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
IV	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
V	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
VI	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
VII	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
VIII	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
IX	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
X	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
XI	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
XII	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
XIII	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
XIV	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
XV	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
XVI	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
XVII	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
XVIII	TTTTCTCCACTAAAAGTTGGTAAAAATGCTCCCCAACTTTGCTGATTCTGCTGGTTTTGT	
Conservation	*****	

Genotypes	Loci (shaded in black/grey)	Alignment position
	Bg32	180
I	TGATTTAAAA - TTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
II	TGATTTAAAAATTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
III	TGATTTAAAA - TTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
IV	TGATTTAAAA - TTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
V	TGATTTAAAA - TTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
VI	TGATTTAAAA - TTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
VII	TGATTTAAAAATTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
VIII	TGATTTAAAAATTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
IX	TGATTTAAAA - TTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
X	TGATTTAAAA - TTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
XI	TGATTTAAAAATTGTTGGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
XII	TGATTTAAAAATTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
XIII	TGATTTAAAAATTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
XIV	TGATTTAAAA - TTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
XV	TGATTTAAAAATTGTTGGG - - - - - AGGAACTGGGCGATCTGCAACATATTATTTT	
XVI	TGATTTAAAAATTGTTGGG - - - - - AGGAACTGGGCGATCTGCAACATATTATTTT	
XVII	TGATTTAAAAATTGTTGGATAAACTGGGAGTAAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
XVIII	TGATTTAAAAATTGTTGG - - - - - ATGAACTGGGCCATCTGCAACATATTATTTT	
Conservation	*****	

Genotypes	Loci (shaded in black/grey)	Alignment position
	Bq32	240
I	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
II	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
III	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
IV	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
V	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
VI	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
VII	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
VIII	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
IX	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
X	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
XI	CTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTTATTCTGATTGTTGCTATTATTTCTGAAA	
XII	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
XIII	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
XIV	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
XV	TTTCCAAAAAGTTACCAATTTT - - - - - CATTCTGATTGTTGTT - - - - - GGAA	
XVI	TTTCCAAAAAGTTACCATTTTT - - - - - CATTCTGATTGTTGTT - - - - - GGAA	
XVII	CTTCCAAAAAGTTACCATTATTAATATTATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
XVIII	TTTCCAAAAAGTTACCATTATTAACATTGTCATTCTGATTGTTGTTATTATCTCATGGAA	
Conservation	*****	

