

			D135		E167																																																																																					
			*		*																																																																																					
Swt1	131	A	F	V	V	D	T	N	F	I	S	H	I	N	T	L	E	K	I	R	S	L	S	S	T	--	Y	H	H	L	I	V	P	T	V	I	O	E	L	D	G	L	K	K	S	P	--	D	I	A	R	N	D	D	T	T	N	O	E	H	D	R	T	I	G	T	L	A	R	W	G	N	D	W	I	Y	K	N	L	A	N	L	D	S	G	I	G	O	K	
SpSwt1	68	L	F	V	L	D	T	N	F	L	S	H	I	S	L	C	O	N	I	E	F	L	T	A	R	C	P	R	L	V	V	V	L	P	W	T	V	I	O	E	L	D	G	L	K	--	--	S	E	S	S	T	C	G	Y	L	A	R	O	A	H	N	F	L	L	O	C	F	R	S	N	V	S	L	R	G	O	K												
DmSwt1	254	Y	F	V	L	D	T	N	V	L	H	N	H	K	F	V	E	R	L	T	D	V	V	L	P	G	T	V	G	S	M	L	P	Y	I	V	I	K	E	L	D	R	L	K	S	--	--	K	Y	Q	S	D	C	L	O	R	V	I	A	M	R	A	T	R	F	L	N	T	K	F	D	E	S	F	O	I	O	A	O	S	A									
HsSwt1	389	L	I	V	I	D	T	N	I	L	M	N	I	K	F	V	R	I	L	K	T	T	E	V	P	G	F	D	K	L	V	L	I	P	W	V	V	M	O	E	L	D	R	M	K	E	--	--	G	K	L	K	R	A	Q	H	K	A	I	P	A	V	H	F	I	N	D	S	L	K	N	O	D	R	K	L	W	G	O	S										
DmSmg6	773	Y	L	L	P	D	T	N	C	F	I	D	C	L	E	D	F	E	K	L	S	T	E	F	K	--	--	R	Y	T	L	I	I	P	L	V	V	K	E	L	D	G	L	S	K	G	V	K	L	D	S	Y	R	S	S	K	Q	T	Q	R	I	H	F	D	E	V	S	S	R	A	K	K	S	L	E	F	I	K	S	A	K	G	N	--	--	V	K	C	A	T
HsSmg6	1242	F	L	V	P	D	T	N	G	F	I	D	E	L	A	S	L	A	R	L	--	--	L	E	S	R	--	--	K	Y	I	L	V	V	P	L	I	V	I	N	E	L	D	G	L	A	K	G	O	E	T	D	H	R	A	G	G	--	--	Y	A	R	V	V	O	E	K	A	R	K	S	I	E	F	L	E	Q	R	F	E	S	R	D	S	C	I	R	A	L	T
			D238		D257																																																																																					
			*		*																																																																																					
Swt1	223	L	K	Q	S	L	N	--	--	--	--	P	G	S	L	K	D	D	S	I	L	D	C	C	I	Y	F	K	E	I	L	--	--	--	--	--	--	N	C	F	V	I	L	L	S	N	D	K	N	L	C	T	K	A	L	T	E	D	L	T	V	S	F	R	K	N	M	D	A	K	I	A																		
SpSwt1	148	V	H	E	H	C	S	--	--	--	--	S	T	E	K	G	D	D	A	I	L	D	C	C	I	Y	Q	E	E	K	--	--	--	--	--	--	L	I	P	A	V	L	L	S	D	D	K	N	L	S	I	K	A	A	V	H	H	T	Q	S	L	S	F	S	K	G	L	E	A	A	S	I	V																	
DmSwt1	336	L	E	E	A	D	H	--	--	--	--	L	I	K	I	D	C	P	D	D	S	I	L	N	C	C	I	Q	L	O	A	Q	V	P	--	--	--	--	H	M	I	L	L	T	N	D	A	N	L	R	L	K	A	N	A	S	N	I	O	V	S	C	R	S	D	L	M	S	T	Y	V	D																		
HsSwt1	470	I	Q	L	A	S	Q	K	H	Y	G	L	--	--	--	S	D	E	N	N	D	R	V	L	K	C	C	L	O	H	Q	E	L	F	P	--	--	--	C	S	F	V	I	L	C	T	D	D	R	N	L	R	N	K	G	I	S	G	V	K	S	L	S	K	E	--	--	S	A	E	L	H																		
DmSmg6	861	T	K	G	S	F	V	N	A	S	V	F	A	--	--	L	V	E	E	E	Y	L	S	N	D	D	K	I	L	A	T	A	M	A	V	S	K	T	A	K	T	E	Q	C	T	D	G	K	--	--	C	F	I	Q	T	E	L	V	L	I	T	D	R	N	L	R	V	K	A	L	S	R	N	L	A	V	S	A	L	D	E	F	L	O	W	A	K	D	C	
HsSmg6	1326	S	R	G	N	E	L	E	S	I	A	F	R	S	E	D	I	T	G	Q	L	G	N	N	D	D	L	I	L	S	C	C	L	H	Y	C	K	D	K	A	K	D	F	M	P	A	S	K	E	E	P	I	R	L	L	R	E	V	L	L	T	D	D	R	N	L	R	V	K	A	L	T	R	N	V	P	V	R	D	I	P	A	F	L	T	W	A	O	V	G