

Table S1a. Haplotypes and substitution sites in the D-loop region (between 1-613 bp) of mtDNA of indigenous Chicken. Horizontal dotted lines separate haplogroups A-F, respectively.

		Sequence Position (according to GenBank Accession NC_001323)																																																		
Haplotype	92	94	95	96	164	196	207	209	214	218	219	221	222	238	239	240	241	243	246	253	258	278	280	288	293	299	303	306	307	312	319	327	339	341	352	360	364	388	396	443	451	518	567	595								
GenBank	A	C	A	C	C	T	T	G	T	C	A	T	T	A	G	T	T	C	A	T	C	A	A	A	C	C	T	T	C	C	T	C	T	C	A	A	T	C	T	C	G	C	T	A	C	T						
SLvtHap1	T	.	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	T				
SLvtHap2	C	T	.	.	T	.	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	T				
SLvtHap3	C	T	.	T	T	.	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	T				
SLvtHap4	.	T	.	.	T	.	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	T				
SLvtHap5	T	.	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	.	.	C	.	.	.	T	T	.	G	.	.					
SLvtHap6	.	.	T	T	T	.	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	T	.	G	.	.					
SLvtHap7	.	.	.	T	T	.	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	T					
SLvtHap8	T	C	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	T					
SLvtHap9	.	.	T	.	T	C	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	T					
SLvtHap10	T	.	C	.	C	.	.	C	C	.	.	C	.	T	.	C	T	T	T	A					
SLvtHap11	T	.	C	.	C	.	.	C	C	.	.	C	.	T	.	C	T	T	T					
SLvtHap12	T	.	C	.	C	.	.	C	C	.	.	C	.	T	.	C	T	T	T	.	.	.	C	.				
SLvtHap13	T	.	C	.	C	.	G	.	C	.	.	C	.	.	G	C	T	T	C	T				
SLvtHap14	.	.	.	T	T	.	C	.	C	.	G	.	C	.	.	C	.	.	G	C	T	T	C	T				
SLvtHap15	.	.	T	.	T	.	C	.	C	.	G	.	C	.	.	C	.	.	G	C	T	T	C	.	.	T	.	T				
SLvtHap16	T	.	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	T	T				
SLvtHap17	T	.	C	.	C	.	G	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	T	T				
SLvtHap18	T	.	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	G	T				
SLvtHap19	T	.	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	G	T					
SLvtHap20	T	.	C	.	C	.	.	.	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T				
SLvtHap21	T	.	C	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T				
SLvtHap22	T	.	C	A	C	.	.	C	.	.	.	C	T	G	.	A	T	.	.	.	T	C	T	.	T	.	.	T	.	.					
SLvtHap23	T	.	C	A	C	.	.	C	.	.	.	C	T	G	.	A	T	.	.	.	T	C	T	.	T				
SLvtHap24	T	.	C	A	C	.	.	C	.	.	.	C	T	T	C	T	.	T			
SLvtHap25	.	.	T	.	T	.	C	A	C	.	.	C	.	.	.	C	T	A	T	T	.	T			
SLvtHap26	T	.	C	A	C	.	.	C	.	.	.	C	T	A	T	.	T	T	C	T	.	T			
SLvtHap27	T	.	C	A	C	.	.	C	.	.	.	C	T	A	T	.	T	T	C	T	A	T			
SLvtHap28	C	T	.	.	T	.	C	A	C	.	.	C	.	.	.	C	T	A	T	.	T	T	C	T	.	T			
SLvtHap29	C	.	.	.	T	.	C	A	C	.	.	C	.	.	.	C	T	A	T	T	.	T			
SLvtHap30	T	.	C	A	C	.	.	C	.	.	.	C	T	A	T	G	T			
SLvtHap31	T	.	C	A	C	.	.	C	.	.	.	C	T	A	T	T			
SLvtHap32	T	.	C	A	C	G	.	.	.	T		
SLvtHap33	T	.	C	A	C	T	
SLvtHap34	T	.	C	A	C	
SLvtHap35	
SLvtHap36	C	
SLvtHap37	T	.	C	C	.	.	C	C	.	.	C	T	G	C	C	T		
SLvtHap38	.	.	T	.	T	.	C	C	.	.	C	.	.	.	C	T	G	C	T	
SLvtHap39	T	.	C	.	.	T	.	.	C	.	.	C	.	T	.	C	T	G	C	T	G	
SLvtHap40	T	.	C	A	C	.	.	C	.	.	.	C	T	G	C	T
SLvtHap41	T	.	C	C	.	.	C	.	.	.	C	T	
SLvtHap42	T	.	C	A	C	.	A	C	.	.	.	C	.	G	

Table S1b. Haplotypes and substitution sites in the D-loop region (between 1-675 bp) of mtDNA of Ceylon Junglefowl

Haplotype	Sequence position (according to GenBank Accession NC_007239)																				
	72	224	225	233	234	239	240	243	246	247	264	290	292	295	298	353	368	369	380	401	423
GenBank	C	C	T	C	C	A	T	T	T	T	C	C	T	A	C	T	C	T	G	T	T
SLvtCJFHap1	T	•	C	•	•	•	C	C	•	•	•	•	C	•	T	•	•	C	•	C	C
SLvtCJFHap2	•	•	•	•	•	G	C	•	•	•	T	•	•	•	T	C	•	C	•	C	C
SLvtCJFHap3	T	•	•	•	•	•	•	•	C	•	T	•	C	•	T	•	•	•	•	•	C
SLvtCJFHap4	•	•	•	T	•	•	•	•	C	•	T	T	C	G	T	•	T	C	•	•	C
SLvtCJFHap5	T	T	•	•	•	•	•	•	•	C	T	•	•	•	•	•	•	C	A	•	•
SLvtCJFHap6	•	T	•	•	T	•	•	•	•	•	T	•	•	•	T	•	•	C	A	•	•