

Table S5. Putative mRNA metabolism mutants identified by deviations from their expression signatures. Note presence of already described RNA metabolism mutants *pac*, *hcf145*, and *atprfB1*

Name	Group	Genes showing a deviated expression
<i>ins20</i>	A	<i>psbD</i> , <i>psbC</i> , <i>ndhC</i> , <i>ndhK</i> , <i>rpoC1</i> , <i>rpoC2</i> , <i>ndhG</i> , <i>ndhI</i> , <i>ndhD</i>
<i>ins24</i>	A	<i>psbD</i> , <i>psbC</i> , <i>ndhI</i> , <i>ndhG</i> , <i>ndhE</i>
<i>ins25</i>	A	<i>psbD</i> , <i>psbC</i>
<i>ins26</i>	A	<i>psbD</i> , <i>psbC</i>
<i>pac</i>	A	<i>psbD</i> , <i>psbC</i>
<i>ins15</i>	A	<i>rpl16</i> , <i>rps8</i>
<i>ins36</i>	A	<i>ndhK</i> , <i>ndhC</i>
<i>ins21</i>	A	<i>psaJ</i> , <i>psaC</i> , <i>psbA</i> , <i>rbcL</i> , <i>rpl15</i> , <i>rps8</i>
<i>ins34</i>	B	<i>rrn4.5S</i> , <i>rrn5S</i>
<i>hcf145</i>	B	<i>psaA</i> , <i>psaB</i>
<i>crp102</i>	B	<i>ndhI</i> , <i>ndhG</i> , <i>ndhE</i> , <i>atpH</i> , <i>atpI</i> , <i>atpF</i> , <i>atpA</i>
<i>crp135</i>	B	<i>psbB</i> , <i>psbT_c</i> , <i>rpoC1</i> , <i>rpoC2</i> , <i>accD</i> , <i>ycf10</i> , <i>petA</i> , <i>clpP</i>
<i>atprfB1</i>	B	<i>psbB</i> , <i>psbT_c</i>
<i>ins33</i>	B	<i>ndhA</i> , <i>rpoA</i>