

Study	ID	histology	stage	stage 2	survtime	survstat	dfstime	dfstat	Ras	STX1A	HIF1A	CCT3	MAFK	HLADPB1	RNF5	mSD
UHN	B007	AD	1B	I	6.153	0	6.153	0	NA	-2.376	-0.909	0.340	0.895	-0.578	0.272	1
UHN	B013	AD	2B	II	3.970	0	3.970	0	NA	2.166	1.524	0.130	-0.081	0.390	0.769	0
UHN	B019	SQ	2B	II	4.233	0	4.233	0	NA	-1.021	0.249	0.160	0.555	-1.203	0.273	1
UHN	B033	AD	1B	I	3.838	0	3.838	0	NA	-1.342	-2.516	1.141	NA	-0.013	0.346	1
UHN	B048	AD	1B	I	3.781	0	3.781	0	NA	0.205	-0.931	1.061	NA	-0.135	0.117	1
UHN	B067	AD	1B	I	3.625	0	3.625	0	NA	-2.509	NA	1.037	-0.452	-0.760	0.563	1
UHN	B084	AD	2B	II	4.044	0	4.044	0	NA	0.378	-0.439	0.892	0.519	0.126	0.033	1
UHN	L005	AD	1A	I	7.227	0	7.227	0	NA	0.089	0.104	0.081	0.156	0.186	1.176	1
UHN	L009	AD	1B	I	7.381	0	7.381	0	NA	-1.498	0.745	0.620	-0.372	1.696	0.477	1
UHN	L012	AD	2B	II	6.726	0	6.726	0	NA	-0.318	1.191	0.831	1.645	-0.428	1.333	0
UHN	L018	AD	1B	I	7.236	0	7.236	0	NA	-0.695	-1.248	0.444	0.163	0.538	0.243	1
UHN	L023	SQ	2B	II	4.197	1	1.112	1	NA	-0.513	0.369	0.257	-0.650	-0.490	0.373	1
UHN	L027	SQ	1B	I	8.241	0	8.241	0	NA	-1.316	-0.018	0.036	0.546	0.118	0.684	1
UHN	L028	SQ	1B	I	3.770	1	3.241	1	NA	-0.132	1.119	0.807	-0.707	-2.090	0.243	0
UHN	L030	AD	2B	II	2.222	1	1.534	1	NA	0.744	1.030	0.440	0.571	-0.455	0.260	0
UHN	L047	AD	3A	III+	3.395	1	2.496	1	NA	0.730	0.330	1.009	-0.116	-4.254	0.984	0
UHN	L049	AD	3A	III+	6.277	1	6.230	1	NA	1.480	0.476	1.522	0.263	-1.186	1.036	0
UHN	L051	SQ	2B	II	3.438	0	3.438	0	NA	-1.603	-0.233	0.277	-0.696	-1.390	0.419	1
UHN	L052	AD	3A	III+	4.175	1	3.948	1	NA	0.754	0.605	0.351	-0.665	-0.965	1.228	0
UHN	L056	SQ	1B	I	5.995	0	5.995	0	NA	-1.777	0.750	0.746	NA	0.565	0.205	1
UHN	L058	AD	2B	II	7.915	0	7.915	0	NA	1.503	0.000	0.282	0.270	0.061	1.850	0
UHN	L059	AD	2A	II	6.151	0	6.151	0	NA	0.087	NA	0.271	1.355	0.893	0.502	1
UHN	L061	SQ	1B	I	8.414	0	8.414	0	NA	1.401	-0.141	1.507	1.119	0.157	0.063	0

UHN	L062	SQ	1A	I	7.403	0	7.403	0	NA	-2.038	0.027	0.754	0.731	-1.056	0.618	1
UHN	L066	SQ	2B	II	7.479	0	7.181	1	NA	-1.744	-8.024	0.147	1.149	0.582	0.065	1
UHN	L078	SQ	2B	II	8.123	0	8.123	0	NA	-0.484	0.958	0.287	-1.143	-3.552	0.601	0
UHN	L083	AD	1B	I	3.077	1	0.603	1	NA	1.108	-0.622	0.172	-2.221	-0.032	0.078	1
UHN	L086	AD	2A	II	5.668	0	5.668	0	NA	0.046	-0.083	0.132	0.007	0.163	0.833	1
UHN	L093	AD	1B	I	8.419	0	8.419	0	NA	0.057	-0.493	0.676	1.244	-1.833	0.202	1
UHN	L095	SQ	3A	III+	5.159	0	5.159	0	NA	-0.304	NA	0.012	0.384	-1.914	0.158	0
UHN	L098	AD	2B	II	1.578	1	1.005	1	NA	2.050	1.589	0.686	0.835	-2.131	0.674	0
UHN	L105	AD	1A	I	4.666	1	1.444	1	NA	0.983	0.866	0.733	-0.057	0.944	0.847	0
UHN	L106	SQ	2B	II	5.386	0	5.386	0	NA	0.174	-1.251	0.194	-5.661	0.525	0.391	1
UHN	L112	SQ	2B	II	5.082	0	5.082	0	NA	-2.295	-1.256	0.477	-0.864	-2.690	0.046	1
UHN	L115	SQ	2B	II	5.214	0	5.214	0	NA	-0.025	0.642	0.285	-0.804	-0.077	0.189	1
UHN	L116	AD	2B	II	6.573	0	6.573	0	NA	-0.447	0.253	0.347	0.354	0.309	0.622	1
UHN	L120	AD	2A	II	3.764	1	2.627	1	NA	-0.707	-0.099	0.542	NA	0.164	2.362	1
UHN	L123	SQ	2B	II	6.244	0	6.244	0	NA	-1.372	0.338	0.604	-0.035	-0.471	0.543	1
UHN	L127	SQ	3A	III+	4.814	0	2.685	1	NA	0.960	1.181	0.171	0.316	-1.289	4.817	0
UHN	L133	AD	1A	I	4.975	0	4.036	1	NA	1.160	2.165	0.607	NA	-0.934	5.498	0
UHN	L148	SQ	1A	I	4.885	0	4.885	0	NA	-0.303	-0.341	0.166	1.296	-1.097	0.341	1
UHN	L164	AD	1A	I	6.181	0	6.181	0	NA	0.639	0.281	0.352	-0.323	2.178	1.637	1
UHN	L174	AD	1A	I	4.088	1	0.975	1	NA	1.193	-0.361	1.294	NA	-2.207	0.390	0
UHN	L175	AD	1B	I	5.699	0	5.699	0	NA	0.472	-1.783	0.259	-0.625	0.672	0.768	1
UHN	L182	SQ	2A	II	5.181	0	5.181	0	NA	-1.234	-0.723	1.297	-1.921	-1.379	1.055	1
UHN	L191	AD	2A	II	5.364	0	5.364	0	NA	0.555	0.660	1.624	-0.169	-1.574	1.041	0
UHN	L195	AD	2B	II	4.003	0	4.003	0	NA	-0.713	0.537	0.204	-1.200	-1.851	0.235	1

UHN	L197	AD	2A	II	3.764	NA	3.764	0	NA	-0.100	-0.056	0.181	-1.103	-0.097	0.639	1
UHN	L201	SQ	3A	III+	6.082	0	6.082	0	NA	1.965	1.431	1.462	NA	-1.188	2.179	0
UHN	L212	AD	1B	I	4.082	0	3.658	1	NA	0.095	-0.163	0.010	-2.586	0.415	0.165	1
UHN	L214	AD	1B	I	5.762	0	5.762	0	NA	-0.159	-0.128	0.490	0.205	-1.942	0.292	1
UHN	L218	SQ	3A	III+	4.153	0	4.153	0	NA	-0.115	1.362	0.241	-1.079	-1.584	0.785	0
UHN	L222	AD	3A	III+	3.260	0	2.112	1	NA	1.747	-2.963	0.233	NA	0.090	0.061	1
UHN	P001	AD	1A	I	7.005	0	6.252	1	NA	0.681	-1.282	1.075	-0.205	-0.053	0.118	1
UHN	P002	AD	2B	II	3.858	1	3.025	1	NA	-1.497	-1.171	1.093	-0.552	-0.287	0.260	1
UHN	P004	SQ	2B	II	10.679	0	10.679	0	NA	-0.495	-9.886	0.785	0.229	-0.184	0.102	1
UHN	P006	AD	2B	II	3.066	1	2.981	1	NA	1.549	-0.279	0.000	-0.462	-0.152	0.000	0
UHN	P009	SQ	2A	II	6.074	0	6.074	0	NA	0.007	1.096	0.611	0.784	0.525	0.886	0
UHN	P010	AD	1B	I	6.967	0	6.967	0	NA	-1.163	5.562	1.343	0.717	0.070	0.467	0
UHN	P017	SQ	1B	I	5.282	0	5.282	0	NA	0.033	-0.503	0.608	-5.755	0.401	0.006	1
UHN	P020	SQ	3A	III+	1.485	1	1.359	1	NA	0.728	0.698	2.274	NA	-0.341	0.015	0
UHN	P026	AD	1A	I	5.389	0	5.389	0	NA	-1.145	-0.421	0.015	1.138	0.421	0.603	1
UHN	P030	AD	1A	I	4.984	0	4.984	0	NA	-0.771	-1.949	1.120	0.395	1.191	0.041	1
UHN	P031	AD	1B	I	0.622	1	0.444	1	NA	3.165	1.920	2.160	0.621	0.095	0.015	0
UHN	P042	SQ	1B	I	5.362	0	5.362	0	NA	-1.323	0.135	0.097	0.527	0.557	0.684	1
UHN	P043	AD	2A	II	2.101	1	0.986	1	NA	0.338	1.036	0.305	0.299	0.426	0.433	0
UHN	P046	AD	3A	III+	3.860	1	2.197	1	NA	1.945	1.304	0.458	1.047	1.231	0.241	0
UHN	P080	AD	1B	I	8.904	1	1.663	1	NA	-0.239	-0.467	0.118	-0.485	-0.334	0.918	1
UHN	P081	AD	2B	II	9.953	0	4.430	1	NA	1.370	-0.291	0.363	1.053	0.933	0.436	0
UHN	P085	AD	1B	I	4.989	0	4.989	0	NA	-0.179	-1.347	0.079	NA	1.515	0.744	1
UHN	P086	AD	1A	I	6.268	0	4.216	1	NA	1.360	NA	0.988	1.166	1.012	1.308	0

UHN	P089	SQ	1B	I	3.992	0	3.992	0	NA	2.796	2.044	2.092	1.663	-1.347	0.263	0
UHN	P091	SQ	1B	I	5.885	0	5.885	0	NA	1.175	1.018	0.129	NA	0.844	0.096	0
UHN	P092	SQ	1A	I	6.219	0	6.219	0	NA	-0.525	0.254	0.336	0.716	0.482	0.502	1
UHN	P093	SQ	1B	I	1.375	1	1.014	1	NA	-0.626	1.085	0.023	-0.879	-2.366	0.192	0
UHN	P100	AD	1A	I	5.203	0	5.203	0	NA	-0.061	0.014	0.147	0.559	0.206	0.771	1
UHN	P106	SQ	2B	II	3.156	1	1.068	1	NA	0.057	0.950	0.486	-0.244	-1.378	0.477	0
UHN	P108	AD	3A	III+	1.353	1	0.852	1	NA	0.964	3.410	1.595	2.524	1.482	0.172	0
UHN	P114	AD	3A	III+	0.918	1	0.110	1	NA	0.112	-1.341	0.484	-1.059	0.095	0.012	1
UHN	P118	AD	3A	III+	8.447	0	8.447	0	NA	0.764	NA	0.312	0.332	1.862	0.793	1
UHN	P119	AD	2B	II	3.422	0	3.422	0	NA	0.098	-0.866	0.556	1.778	2.299	0.757	1
UHN	P123	AD	1B	I	0.685	1	0.575	1	NA	0.344	-0.368	1.059	0.058	0.725	1.121	1
UHN	P124	AD	3A	III+	3.173	1	3.132	1	NA	-2.434	-1.405	0.784	0.622	0.430	0.626	1
UHN	P130	AD	1A	I	8.921	0	8.921	0	NA	-0.398	-0.452	0.138	NA	0.901	0.347	1
UHN	P131	AD	1A	I	3.877	1	3.230	1	NA	-0.844	0.741	0.549	0.014	-0.143	0.146	1
UHN	P132	AD	1B	I	2.208	1	1.258	1	NA	2.610	-0.005	0.006	1.300	-0.136	0.788	0
UHN	P133	SQ	1B	I	3.501	1	0.748	1	NA	0.000	1.443	0.436	1.685	0.950	1.935	0
UHN	P135	AD	1B	I	0.879	1	0.400	1	NA	0.232	0.415	0.145	0.142	-0.141	0.125	0
UHN	P136	AD	3A	III+	4.449	0	4.449	0	NA	0.619	0.254	0.247	-0.162	1.151	1.101	1
UHN	P140	SQ	1A	I	3.874	0	3.874	0	NA	-0.992	-0.317	0.751	-1.092	0.660	0.370	1
UHN	P143	AD	1B	I	5.490	0	5.490	0	NA	1.041	0.815	1.551	NA	0.565	0.809	0
UHN	P147	AD	1B	I	2.063	1	1.767	1	NA	0.981	0.085	0.796	NA	1.777	0.154	0
UHN	P149	SQ	1A	I	5.197	0	5.197	0	NA	-1.224	-0.634	0.359	-0.330	1.533	0.778	1
UHN	P152	SQ	1B	I	0.953	1	0.953	1	NA	1.029	-0.844	1.359	-0.797	-0.271	1.082	0
UHN	P158	AD	1B	I	2.411	1	1.416	1	NA	4.673	0.629	2.918	NA	-2.021	0.581	0
UHN	P159	SQ	1B	I	3.082	1	1.186	1	NA	-0.272	1.874	0.801	-0.689	-0.937	0.315	0

UHN	P163	AD	1B	I	5.542	0	5.542	0	NA	-0.702	-0.838	0.940	0.138	1.743	0.243	1
UHN	P164	AD	1A	I	6.066	0	6.066	0	NA	-0.201	-0.459	0.213	-0.681	0.823	0.174	1
UHN	P166	AD	2B	II	0.978	1	0.616	1	NA	1.905	2.020	0.427	0.102	-1.087	1.289	0
UHN	P167	AD	1B	I	8.441	0	8.441	0	NA	1.485	NA	1.345	NA	1.873	1.185	0
UHN	P168	SQ	1B	I	3.775	0	1.570	1	NA	1.907	1.300	1.424	2.181	-2.148	0.772	0
UHN	P169	AD	1B	I	0.586	1	0.381	1	NA	0.566	-1.234	1.763	-0.347	-1.540	1.385	0
UHN	P171	AD	2B	II	1.666	1	1.534	1	NA	0.717	0.450	2.661	1.299	-0.951	0.965	0
UHN	P173	AD	1B	I	3.575	0	3.575	0	NA	-0.003	-0.143	1.654	0.703	-0.545	0.736	0
UHN	P174	SQ	1B	I	7.693	0	7.693	0	NA	0.150	-0.826	0.357	-0.890	0.053	0.079	1
UHN	P177	SQ	1A	I	2.663	0	1.211	1	NA	-1.499	0.429	0.345	-1.740	-0.841	0.950	1
UHN	P181	SQ	1B	I	2.707	0	2.707	0	NA	-1.376	1.065	0.400	-0.062	-0.772	0.863	1
UHN	P185	AD	1A	I	8.419	0	8.419	0	NA	-1.095	-0.655	0.007	-0.810	-0.257	0.074	1
UHN	P186	AD	2B	II	0.490	1	0.321	1	NA	0.412	0.524	0.034	2.139	-1.400	0.772	0
UHN	P188	AD	1A	I	5.951	0	5.951	0	NA	-0.952	-0.509	0.287	-0.204	1.710	0.781	1
UHN	P189	SQ	2B	II	2.937	0	2.463	1	NA	-0.900	-0.011	0.231	-0.027	-0.905	0.699	1
UHN	P191	AD	1B	I	7.400	1	5.537	1	NA	0.436	-0.378	0.575	-0.991	-0.166	1.059	1
UHN	P196	SQ	1A	I	5.951	0	5.951	0	NA	-1.065	-0.749	0.099	NA	0.567	0.373	1
UHN	P201	AD	1A	I	7.753	0	7.600	1	NA	-1.518	-0.469	0.664	0.799	0.205	0.270	1
UHN	P204	SQ	1A	I	4.395	0	4.395	0	NA	-1.147	0.464	0.388	NA	1.166	0.520	1
UHN	P205	AD	1B	I	7.784	0	7.784	0	NA	0.800	0.870	0.482	0.667	0.091	0.374	0
UHN	P209	SQ	1A	I	6.405	0	6.405	0	NA	1.129	1.195	1.722	NA	-0.131	0.290	0
UHN	P210	AD	2B	II	1.570	1	1.332	1	NA	1.772	2.622	1.125	-0.025	1.039	0.015	0
UHN	P214	AD	1B	I	5.649	0	3.696	1	NA	-0.527	0.383	0.962	NA	0.689	0.410	1
UHN	P215	AD	2B	II	1.337	1	1.074	1	NA	2.324	2.139	0.298	NA	0.756	0.170	0
UHN	P218	SQ	1B	I	2.241	1	1.997	1	NA	0.953	0.901	1.750	0.122	-1.328	0.296	0
UHN	P221	AD	1A	I	5.049	0	5.049	0	NA	2.257	0.923	0.003	-0.216	0.482	0.018	0

UHN	P223	AD	1B	I	4.455	1	2.170	1	NA	-1.407	-1.758	0.303	1.031	-0.013	0.936	1
UHN	P224	AD	1A	I	6.888	0	6.888	0	NA	-0.760	-2.922	0.255	-0.007	0.064	1.078	1
UHN	P226	AD	1B	I	1.921	0	1.921	0	NA	-0.026	-0.109	0.950	-0.719	0.573	0.380	1
UHN	P227	AD	3A	III+	3.099	0	3.099	0	NA	-1.064	-1.306	0.591	-0.906	-2.344	0.683	1
UHN	P228	SQ	1A	I	4.970	0	4.970	0	NA	-0.733	1.427	0.143	-0.294	-0.502	0.443	1
UHN	P230	AD	1B	I	6.145	0	6.145	0	NA	0.389	-0.968	0.932	NA	-0.310	1.403	1
UHN	P238	SQ	1A	I	0.778	0	0.778	0	NA	-1.056	-0.703	0.281	-1.328	0.904	0.167	1
UHN	P239	SQ	1A	I	7.364	0	7.364	0	NA	-1.095	0.747	0.575	-2.191	-0.542	1.279	1
UHN	P240	SQ	1B	I	7.647	0	7.647	0	NA	0.377	0.285	0.366	-0.137	1.497	0.287	1
UHN	P241	AD	1B	I	5.800	0	5.800	0	NA	-2.140	-1.483	0.882	-0.292	0.000	0.064	1
UHN	P243	SQ	2B	II	6.340	0	4.145	1	NA	-0.943	-1.047	0.274	1.446	1.914	0.285	1
UHN	P245	AD	1A	I	6.433	0	6.433	0	NA	-0.021	-0.478	0.407	1.210	1.472	1.029	1
UHN	P248	AD	1A	I	0.726	0	0.726	0	NA	-1.575	-0.857	0.449	-0.153	-0.370	0.214	1
UHN	P250	AD	1B	I	6.362	0	2.101	1	NA	-1.487	-3.205	0.547	0.844	1.808	0.234	1
UHN	P253	AD	1A	I	6.104	0	6.104	0	NA	2.219	-2.739	0.079	NA	-0.672	0.134	1
UHN	P254	AD	1B	I	4.468	0	2.342	1	NA	-2.930	-0.211	1.192	-0.812	0.218	0.640	1
UHN	P257	SQ	1B	I	2.488	0	2.488	0	NA	-0.660	-0.426	0.962	-0.142	-0.433	0.886	1
UHN	P274	AD	1A	I	4.307	0	4.307	0	NA	-1.301	-1.506	1.105	-0.424	1.323	0.418	1
UHN	P275	AD	1B	I	6.564	0	6.564	0	NA	0.936	-0.351	0.005	-0.945	0.905	0.543	1
UHN	P278	SQ	1B	I	3.444	1	3.362	1	NA	-1.630	1.186	1.258	-0.604	0.044	1.287	1
UHN	P284	AD	3A	III+	0.781	0	0.353	1	NA	0.015	0.338	0.036	0.225	0.567	0.186	1
UHN	P287	SQ	1B	I	4.748	0	4.748	0	NA	-1.582	1.107	0.664	NA	-0.360	1.099	1
UHN	P295	SQ	1B	I	1.997	0	1.997	0	NA	2.093	0.703	1.588	2.053	-0.980	0.134	0
UHN	P302	SQ	1B	I	4.997	0	4.997	0	NA	-0.307	-0.656	1.781	NA	-0.980	0.045	1
UHN	P313	SQ	1B	I	5.644	0	5.644	0	NA	0.251	-0.778	-	0.421	-1.116	0.126	1

													0.305			
MI02	AD10	AD	1A	I	7.008	1	NA	NA	NA	0.022	-0.462	0.284	NA	0.601	0.000	NA
MI02	AD2	AD	1A	I	7.650	0	NA	NA	0	-0.103	0.088	0.144	NA	-0.662	0.001	NA
MI02	AD3	AD	1B	I	7.808	0	NA	NA	0	-0.503	0.446	0.307	NA	-0.332	0.025	NA
MI02	AD5	AD	1B	I	9.017	0	NA	NA	1	-0.340	-0.035	0.096	NA	0.947	0.053	NA
MI02	AD6	AD	1B	I	2.883	1	NA	NA	1	0.221	-0.477	0.524	NA	-0.293	0.165	NA
MI02	AD7	AD	1A	I	5.675	0	NA	NA	0	-0.347	0.198	0.498	NA	0.468	0.140	NA
MI02	AD8	AD	1B	I	2.850	0	NA	NA	0	0.030	-0.301	0.675	NA	-0.268	0.239	NA
MI02	L01	AD	1B	I	3.917	0	NA	NA	0	0.046	0.178	0.299	NA	-1.490	0.026	NA
MI02	L02	AD	1A	I	3.258	0	NA	NA	0	0.234	0.996	0.375	NA	1.013	0.176	NA
MI02	L04	AD	1B	I	3.817	1	NA	NA	0	0.264	0.277	0.261	NA	-0.603	0.096	NA
MI02	L05	AD	1A	I	9.217	0	NA	NA	0	-0.276	-0.316	0.093	NA	0.048	0.375	NA
MI02	L06	AD	1A	I	7.658	0	NA	NA	1	0.314	0.579	0.712	NA	-0.537	0.104	NA
MI02	L08	AD	1A	I	8.992	0	NA	NA	1	-0.147	-0.096	0.170	NA	0.390	0.084	NA
MI02	L09	AD	1A	I	8.225	0	NA	NA	1	0.001	0.794	0.135	NA	0.521	0.258	NA
MI02	L100	AD	1A	I	3.650	0	NA	NA	0	-0.001	0.190	1.103	NA	0.810	0.291	NA
MI02	L101	AD	1A	I	3.333	0	NA	NA	0	0.027	-0.431	0.812	NA	0.565	0.192	NA
MI02	L102	AD	1A	I	3.333	0	NA	NA	0	1.059	0.449	0.384	NA	-0.310	1.019	NA
MI02	L103	AD	1A	I	2.567	0	NA	NA	0	-0.079	-0.409	0.566	NA	-0.256	0.146	NA
MI02	L104	AD	1A	I	2.033	0	NA	NA	0	0.364	-0.254	0.396	NA	0.216	0.269	NA
MI02	L105	AD	1A	I	2.358	0	NA	NA	1	-0.235	-0.362	0.678	NA	0.773	0.280	NA
MI02	L106	AD	1A	I	2.108	0	NA	NA	0	-0.405	-0.073	0.052	NA	0.950	0.215	NA
MI02	L107	AD	1A	I	1.083	0	NA	NA	1	0.372	-0.115	0.864	NA	-0.007	0.111	NA
MI02	L108	AD	1A	I	1.625	0	NA	NA	1	0.370	0.140	0.173	NA	-1.244	0.444	NA
MI02	L11	AD	1B	I	2.892	1	NA	NA	1	0.211	-0.536	-	NA	-0.544	0.166	NA

													0.475			
MI02	L111	AD	1A	I	0.125	0	NA	NA	1	0.156	-0.191	0.060	NA	-0.134	0.170	NA
MI02	L12	AD	1A	I	7.100	0	NA	NA	0	-0.124	-0.493	0.222	NA	-0.366	0.231	NA
MI02	L13	AD	1A	I	6.625	1	NA	NA	1	0.003	-0.104	0.463	NA	0.308	0.000	NA
MI02	L17	AD	1B	I	6.975	0	NA	NA	1	-0.171	0.386	0.209	NA	-1.176	0.120	NA
MI02	L18	AD	1A	I	4.017	0	NA	NA	0	-0.269	-0.683	0.280	NA	0.049	0.053	NA
MI02	L19	AD	3A	III+	0.800	1	NA	NA	1	-0.056	-0.233	0.001	NA	0.426	0.341	NA
MI02	L20	AD	1B	I	1.658	1	NA	NA	0	0.141	-0.181	1.006	NA	-0.359	0.283	NA
MI02	L22	AD	1A	I	1.042	0	NA	NA	0	0.011	-0.087	1.085	NA	-0.429	0.485	NA
MI02	L23	AD	3A	III+	1.258	0	NA	NA	1	0.177	0.322	0.849	NA	0.468	0.278	NA
MI02	L24	AD	1A	I	0.133	0	NA	NA	0	-0.053	0.319	0.283	NA	0.303	0.082	NA
MI02	L25	AD	1B	I	1.208	0	NA	NA	1	-0.013	-0.042	0.295	NA	0.215	0.466	NA
MI02	L26	AD	1B	I	1.475	0	NA	NA	1	-0.219	0.387	1.136	NA	-0.740	0.020	NA
MI02	L27	AD	1A	I	1.758	0	NA	NA	0	0.200	-0.267	1.667	NA	-1.621	0.600	NA
MI02	L30	AD	1A	I	1.683	0	NA	NA	0	0.059	-0.461	0.788	NA	0.323	0.332	NA
MI02	L31	AD	1A	I	2.100	0	NA	NA	0	0.149	0.472	0.314	NA	0.284	0.032	NA
MI02	L33	AD	3B	III+	2.450	0	NA	NA	0	0.251	0.048	1.428	NA	-1.156	0.386	NA
MI02	L34	AD	3A	III+	1.242	1	NA	NA	0	-0.362	-0.123	0.495	NA	0.666	0.102	NA
MI02	L35	AD	3A	III+	2.350	1	NA	NA	1	-0.406	1.124	0.268	NA	-0.156	0.479	NA
MI02	L36	AD	3A	III+	0.600	1	NA	NA	1	-0.004	0.337	0.929	NA	-0.458	0.321	NA
MI02	L37	AD	3A	III+	0.217	1	NA	NA	1	-0.510	0.127	1.172	NA	-0.825	0.206	NA
MI02	L38	AD	3B	III+	0.833	0	NA	NA	1	-0.127	0.322	0.239	NA	0.403	0.371	NA
MI02	L40	AD	3A	III+	1.675	1	NA	NA	0	-0.140	0.002	1.185	NA	-1.570	0.198	NA
MI02	L41	AD	1B	I	0.700	1	NA	NA	1	0.030	-0.096	0.835	NA	-0.484	0.175	NA
MI02	L42	AD	1A	I	5.283	0	NA	NA	0	0.184	-0.255	0.536	NA	-0.069	0.264	NA

MI02	L43	AD	1B	I	6.542	0	NA	NA	0	-0.644	-0.196	0.528	NA	-0.555	0.007	NA
MI02	L45	AD	1A	I	2.467	1	NA	NA	1	0.114	0.014	0.839	NA	0.350	0.285	NA
MI02	L46	AD	1B	I	6.867	0	NA	NA	1	-0.200	-0.133	0.008	NA	-0.239	0.073	NA
MI02	L47	AD	1B	I	5.042	0	NA	NA	1	-0.100	0.180	0.733	NA	-0.313	0.181	NA
MI02	L48	AD	1A	I	6.483	0	NA	NA	0	-0.039	0.044	0.013	NA	-0.525	0.250	NA
MI02	L49	AD	1A	I	5.892	0	NA	NA	1	-0.285	0.178	0.300	NA	0.019	0.058	NA
MI02	L50	AD	1A	I	1.583	1	NA	NA	1	0.083	-0.101	0.225	NA	-0.266	0.129	NA
MI02	L52	AD	1A	I	5.450	0	NA	NA	0	0.392	-0.386	0.459	NA	-0.810	0.290	NA
MI02	L53	AD	3A	III+	1.383	1	NA	NA	0	0.324	-0.083	1.016	NA	0.007	0.067	NA
MI02	L54	AD	3A	III+	0.333	1	NA	NA	1	1.008	0.825	0.007	NA	-0.789	0.453	NA
MI02	L56	AD	1A	I	5.150	0	NA	NA	0	-0.064	-0.049	0.731	NA	-0.152	0.303	NA
MI02	L57	AD	1B	I	4.567	0	NA	NA	1	-0.083	1.366	0.788	NA	0.202	0.086	NA
MI02	L59	AD	3A	III+	4.550	0	NA	NA	1	-0.020	0.218	1.698	NA	-0.682	0.065	NA
MI02	L61	AD	1B	I	1.717	1	NA	NA	0	0.238	0.078	0.031	NA	-1.232	0.468	NA
MI02	L62	AD	3A	III+	4.367	0	NA	NA	0	0.015	-0.002	0.138	NA	-0.132	0.223	NA
MI02	L64	AD	1B	I	4.008	0	NA	NA	0	-0.051	0.339	0.106	NA	-0.566	0.308	NA
MI02	L65	AD	1A	I	4.408	0	NA	NA	0	-0.074	-0.024	0.809	NA	0.450	0.103	NA
MI02	L76	AD	1A	I	7.308	0	NA	NA	1	-0.108	-0.253	0.721	NA	-2.462	0.839	NA
MI02	L78	AD	1A	I	3.042	0	NA	NA	1	0.083	-0.097	0.266	NA	0.017	0.021	NA
MI02	L79	AD	1B	I	0.725	1	NA	NA	0	0.185	0.094	1.250	NA	-0.417	0.269	NA
MI02	L80	AD	1B	I	0.842	1	NA	NA	1	0.539	0.116	1.187	NA	-1.652	0.292	NA
MI02	L81	AD	1A	I	3.000	0	NA	NA	0	1.636	1.093	0.107	NA	0.174	1.678	NA
MI02	L82	AD	1A	I	2.842	0	NA	NA	0	-0.199	-0.015	0.340	NA	0.271	0.234	NA
MI02	L83	AD	1B	I	2.550	0	NA	NA	0	0.143	0.297	0.109	NA	-0.916	0.014	NA
MI02	L84	AD	1B	I	2.683	0	NA	NA	0	0.148	-0.224	-	NA	0.923	0.031	NA

													0.221				
MI02	L85	AD	1A	I	2.233	0	NA	NA	1	0.118	-0.008	0.896	NA	-1.333	0.159	NA	
MI02	L86	AD	1A	I	0.842	0	NA	NA	0	-0.068	-0.273	0.285	NA	0.527	0.011	NA	
MI02	L87	AD	1A	I	0.867	0	NA	NA	0	-0.297	0.136	0.367	NA	0.274	0.061	NA	
MI02	L88	AD	1A	I	0.692	0	NA	NA	1	0.561	1.111	0.349	NA	0.932	1.018	NA	
MI02	L89	AD	3A	III+	1.017	0	NA	NA	1	0.892	0.732	0.153	NA	0.291	1.649	NA	
MI02	L90	AD	1A	I	0.483	1	NA	NA	0	1.021	0.913	0.247	NA	0.608	0.090	NA	
MI02	L91	AD	3A	III+	0.508	0	NA	NA	0	-0.231	0.236	0.370	NA	-0.930	0.215	NA	
MI02	L92	AD	3B	III+	0.708	0	NA	NA	0	0.411	0.038	0.382	NA	-1.412	0.423	NA	
MI02	L94	AD	3A	III+	0.200	1	NA	NA	0	0.187	0.070	0.988	NA	-0.513	0.127	NA	
MI02	L95	AD	3A	III+	0.450	1	NA	NA	1	0.183	-0.029	0.420	NA	-0.271	0.180	NA	
MI02	L96	AD	3A	III+	1.767	1	NA	NA	1	0.201	-0.004	0.583	NA	0.233	0.204	NA	
MI02	L97	AD	1A	I	0.408	0	NA	NA	1	-0.405	-0.394	0.001	NA	0.319	0.055	NA	
MI02	L99	AD	1B	I	0.375	0	NA	NA	1	0.525	0.062	0.449	NA	-0.851	0.771	NA	
MIT	AD111	AD	1A	I	6.033	0	NA	NA	NA	0.057	-0.39	0.115	0.029	0.193942	-0.23	NA	
MIT	AD114	AD	1A	I	5.517	0	NA	NA	NA	0.326	0.271	0.314	-0.07	0.563618	-0.13	NA	
MIT	AD119	AD	1B	I	6.383	0	NA	NA	NA	0.017	-0.34	-0.56	-0.01	0.85794	-0.35	NA	
MIT	AD123	AD	2B	II	6.167	0	NA	NA	NA	-0.014	0.111	-0.16	-0.17	0.682795	-0.18	NA	
MIT	AD131	AD	1A	I	6.333	0	NA	NA	NA	-0.065	-0.12	0.574	-0.22	-1.44481	0.025	NA	
MIT	AD136	AD	1B	I	2.617	0	NA	NA	NA	0.098	0.221	-0.21	-0.05	0.422367	0.075	NA	
MIT	AD162	AD	1B	I	3.475	0	NA	NA	NA	-0.339	0.223	0	-0.15	0.242173	-0.27	NA	
MIT	AD167	AD	1B	I	3.475	0	NA	NA	NA	0.082	-0.36	0.422	0.202	-0.00429	0.021	NA	
MIT	AD170	AD	1A	I	6.533	0	NA	NA	NA	-0.139	-0.2	0.579	-0.06	-0.72557	-0.04	NA	
MIT	AD172	AD	2B	II	5.558	0	NA	NA	NA	0.605	-0.03	0.13	0.377	0.204315	0.337	NA	
MIT	AD183	AD	1A	I	3.517	0	NA	NA	NA	-0.082	-0.21	0.605	-0.03	-0.08333	-0.07	NA	
MIT	AD186	AD	1A	I	7.033	0	NA	NA	NA	0.436	-0.31	1.493	0.729	-1.29805	0.137	NA	
MIT	AD202	AD	4	III+	4.917	0	NA	NA	NA	0.129	-0.42	-0.81	0.319	-0.11378	0.152	NA	

MIT	AD203	AD	1A	I	8.842	0	NA	NA	NA	0.395	-0.38	-0.04	0.445	0.390427	0.25	NA
MIT	AD210	AD	1A	I	4.942	0	NA	NA	NA	0.223	-0.1	-0.05	0.46	0.131801	-0.03	NA
MIT	AD212	AD	1B	I	4.917	0	NA	NA	NA	-0.417	0.669	-0.29	-0.12	0.663692	-0.26	NA
MIT	AD218	AD	2B	II	5.150	0	NA	NA	NA	0.126	-0.56	-0.72	0.329	-0.9192	0.18	NA
MIT	AD221	AD	4	III+	1.275	0	NA	NA	NA	0.279	-0.64	-0.55	0.273	-0.45563	0.01	NA
MIT	AD224	AD	1A	I	4.542	0	NA	NA	NA	0.218	-0.01	0.205	0.341	0.204124	0.309	NA
MIT	AD226	AD	1A	I	5.042	0	NA	NA	NA	0.358	-0.45	-0.81	0.297	0.712732	0.542	NA
MIT	AD230	AD	1A	I	4.725	0	NA	NA	NA	-0.344	-0.55	0.121	-0.28	-0.28401	-0.28	NA
MIT	AD232	AD	1A	I	4.692	0	NA	NA	NA	0.092	-0.55	-0.67	0.189	0.450015	0.335	NA
MIT	AD234	AD	2B	II	2.842	0	NA	NA	NA	0.136	0.152	-0.56	0.125	-1.08505	0.084	NA
MIT	AD239	AD	1B	I	4.875	0	NA	NA	NA	0.08	-0.14	-0.11	0.578	-0.65691	0.039	NA
MIT	AD240	AD	1A	I	3.625	0	NA	NA	NA	0.07	-0.41	-0.56	0.143	0.87961	0.154	NA
MIT	AD243	AD	1A	I	4.175	0	NA	NA	NA	0.039	-0.19	-1.06	0.101	1.409709	0.052	NA
MIT	AD247	AD	1A	I	5.925	0	NA	NA	NA	-0.256	0.287	-0.45	-0.34	0.842517	-0.07	NA
MIT	AD250	AD	1A	I	7.583	0	NA	NA	NA	-0.116	0.314	-0.28	0.012	0.099629	-0.1	NA
MIT	AD253	AD	4	III+	4.933	0	NA	NA	NA	0.071	0.218	0.195	0.044	0.663907	-0.07	NA
MIT	AD255	AD	1B	I	3.733	0	NA	NA	NA	-0.403	0.278	0.033	-0.34	0.450156	-0.31	NA
MIT	AD261	AD	1A	I	4.800	0	NA	NA	NA	-0.187	0.928	-0.4	-0.23	0.134347	-0.18	NA
MIT	AD267	AD	1B	I	4.667	0	NA	NA	NA	-0.527	-0.77	-0.6	-0.4	1.706393	-0.25	NA
MIT	AD268	AD	1B	I	4.175	0	NA	NA	NA	-0.07	0.242	0.929	0.074	-0.52087	0.039	NA
MIT	AD294	AD	1A	I	3.375	0	NA	NA	NA	0.018	0.091	-0.85	-0.14	1.241865	9E-04	NA
MIT	AD295	AD	1A	I	3.792	0	NA	NA	NA	-0.567	0.554	0.002	-0.26	-0.27159	-0.5	NA
MIT	AD305	AD	2A	II	7.400	0	NA	NA	NA	-0.243	0.55	-0.01	-0.55	0.590131	0.107	NA
MIT	AD308	AD	1B	I	6.583	0	NA	NA	NA	-0.218	0.671	0.217	0.037	0.632728	-0.04	NA
MIT	AD311	AD	1B	I	4.208	0	NA	NA	NA	-0.096	0.854	-0.26	0.151	0.328915	0.12	NA
MIT	AD315	AD	2B	II	4.725	0	NA	NA	NA	0.45	0.961	0.325	0.062	0.022571	0.006	NA
MIT	AD317	AD	1B	I	8.258	0	NA	NA	NA	0	-0.13	-0.39	0.138	2.051241	-0.01	NA
MIT	AD318	AD	1B	I	6.917	0	NA	NA	NA	0.052	-0.24	-0.22	0.218	0.177935	0.303	NA
MIT	AD320	AD	1A	I	7.158	0	NA	NA	NA	0.374	-0.4	0.165	0.153	-1.62951	0.213	NA
MIT	AD327	AD	1B	I	6.825	0	NA	NA	NA	0.574	-0.12	0.174	0.366	-0.19861	0.102	NA

MIT	AD331	AD	1A	I	4.408	0	NA	NA	NA	0.015	0.356	0.527	0.56	-1.52274	-0.11	NA
MIT	AD335	AD	2B	II	3.908	0	NA	NA	NA	-0.21	0.297	0.096	-0.27	-1.50253	-0.24	NA
MIT	AD337	AD	4	III+	2.442	0	NA	NA	NA	-0.098	0.688	-0.02	-0.2	0.579281	-0.14	NA
MIT	AD338	AD	1B	I	6.283	0	NA	NA	NA	0.426	-0.04	-0.79	0.347	0.758845	0.482	NA
MIT	AD346	AD	1A	I	1.442	0	NA	NA	NA	-0.321	0.189	-0.88	0.009	0.570113	-0.16	NA
MIT	AD347	AD	1B	I	0.042	0	NA	NA	NA	-0.166	-0.52	-0.43	0.128	0.9021	0.063	NA
MIT	AD353	AD	1B	I	1.142	0	NA	NA	NA	-0.308	-0.46	0.242	0.035	1.20298	-0.12	NA
MIT	AD356	AD	1B	I	4.100	0	NA	NA	NA	-0.422	0.086	-0.29	-0.44	1.713857	-0.07	NA
MIT	AD367	AD	1B	I	6.342	0	NA	NA	NA	-0.204	0.25	0.476	-0.07	-0.98474	-0.02	NA
MIT	AD368	AD	1B	I	5.217	0	NA	NA	NA	-0.025	-0.21	0.583	0.737	-0.25694	0.025	NA
MIT	AD379	AD	2B	II	2.950	0	NA	NA	NA	-0.197	-0.39	-0.21	0.478	-0.62942	-0.29	NA
MIT	AD043	AD	4	III+	1.175	1	NA	NA	NA	0.054	-0.79	-0.22	-0.28	-0.65403	-0.02	NA
MIT	AD115	AD	2B	II	1.825	1	NA	NA	NA	-0.004	0.176	0.229	0.083	-0.0796	-0.04	NA
MIT	AD118	AD	1A	I	4.133	1	NA	NA	NA	-0.119	0.739	0.027	-0.42	0.004901	-0.37	NA
MIT	AD120	AD	1B	I	3.242	1	NA	NA	NA	-0.108	0.515	-0.48	0.484	-0.87317	-0.16	NA
MIT	AD122	AD	2B	II	2.825	1	NA	NA	NA	0.055	-0.52	-0.48	0.025	0.470954	-0.15	NA
MIT	AD127	AD	3A	III+	0.683	1	NA	NA	NA	-0.005	0.319	-0.35	-0.24	0.631518	0.074	NA
MIT	AD130	AD	2B	II	0.592	1	NA	NA	NA	0.056	-0.46	0.192	0.068	-0.81572	0.257	NA
MIT	AD157	AD	4	III+	0.342	1	NA	NA	NA	0.103	-0.34	-0.07	-0.2	0.357903	-0.3	NA
MIT	AD158	AD	1B	I	3.392	1	NA	NA	NA	0.183	0.786	0.177	0.194	-1.01954	0.177	NA
MIT	AD159	AD	2B	II	1.642	1	NA	NA	NA	0.569	0.827	0.812	0.205	-0.24666	0.087	NA
MIT	AD163	AD	2B	II	7.225	1	NA	NA	NA	0.254	-0.54	0.655	0.426	-0.63086	-0.02	NA
MIT	AD164	AD	2B	II	1.250	1	NA	NA	NA	0.192	1.194	-0.09	-0.31	0.669098	-0.2	NA
MIT	AD169	AD	1B	I	1.667	1	NA	NA	NA	0.003	-0.2	-0.34	0.276	0.110231	0.125	NA
MIT	AD173	AD	2B	II	1.858	1	NA	NA	NA	0.355	-0.1	0.511	0.344	-0.39972	0.282	NA
MIT	AD177	AD	3A	III+	0.233	1	NA	NA	NA	-0.207	-0.15	0.069	-0.08	0.392346	-0.18	NA
MIT	AD178	AD	1A	I	2.417	1	NA	NA	NA	-0.029	-0.53	0.378	0.417	-1.26796	-0.01	NA
MIT	AD179	AD	1B	I	2.025	1	NA	NA	NA	0.105	0.256	0.328	0.371	-0.29943	0.094	NA
MIT	AD185	AD	2B	II	1.750	1	NA	NA	NA	0.279	0.253	0.538	0.108	-1.82272	0.039	NA
MIT	AD187	AD	1A	I	7.192	1	NA	NA	NA	0.701	0.37	0.209	-0.07	0.495898	0.069	NA

MIT	AD188	AD	1B	I	1.800	1	NA	NA	NA	0.225	-0.46	0.59	0.182	0.120879	0.424	NA
MIT	AD201	AD	3A	III+	1.025	1	NA	NA	NA	0.445	0.507	0.791	0.374	-0.74763	-0.16	NA
MIT	AD207	AD	1B	I	5.567	1	NA	NA	NA	-0.051	-0.28	-0.39	0.297	0.650388	0.101	NA
MIT	AD208	AD	4	III+	1.250	1	NA	NA	NA	0.353	-0.16	-0.06	0.453	-0.22581	0.359	NA
MIT	AD213	AD	1A	I	4.067	1	NA	NA	NA	-0.278	-0.48	-0.3	-0.17	0.97115	0.08	NA
MIT	AD225	AD	1B	I	0.217	1	NA	NA	NA	-0.281	0.141	-0.39	-0.25	0.674158	-0.24	NA
MIT	AD228	AD	1B	I	3.433	1	NA	NA	NA	0.13	-0.37	0.135	0.317	-0.55952	0.028	NA
MIT	AD236	AD	1B	I	1.183	1	NA	NA	NA	-0.262	0.709	0.435	-0.18	-0.47393	-0.08	NA
MIT	AD238	AD	1A	I	2.092	1	NA	NA	NA	0.356	0.009	-0.06	0.006	1.017882	0.272	NA
MIT	AD241	AD	4	III+	2.225	1	NA	NA	NA	-0.29	-0.31	0.276	-0.16	0.504429	0.009	NA
MIT	AD249	AD	1A	I	2.583	1	NA	NA	NA	0.093	0.495	0.594	-0.08	-0.3981	0.133	NA
MIT	AD252	AD	1A	I	1.375	1	NA	NA	NA	0.057	0.474	0.441	-0.05	0	0.096	NA
MIT	AD258	AD	1B	I	1.025	1	NA	NA	NA	0.158	0.383	-0.05	0.039	0.010844	-0.1	NA
MIT	AD259	AD	2B	II	1.708	1	NA	NA	NA	-0.242	0.592	-0.78	-0.23	0.589045	-0.1	NA
MIT	AD260	AD	1B	I	1.750	1	NA	NA	NA	-0.296	0.499	-0.09	-0.44	0.826039	-0.13	NA
MIT	AD262	AD	3B	III+	1.383	1	NA	NA	NA	-0.182	-0.07	-0.82	0	1.00825	-0.13	NA
MIT	AD266	AD	1A	I	3.492	1	NA	NA	NA	-0.307	-0.17	-0.75	-0.25	0.660582	0.01	NA
MIT	AD269	AD	1A	I	4.025	1	NA	NA	NA	-0.185	0.02	-0.59	-0.08	1.307848	-0.22	NA
MIT	AD275	AD	2B	II	1.125	1	NA	NA	NA	-0.04	1.036	0.099	-0.34	-0.92995	-0.48	NA
MIT	AD276	AD	3A	III+	0.375	1	NA	NA	NA	0.152	0.279	0.707	0.135	0.196825	0.025	NA
MIT	AD277	AD	1A	I	0.683	1	NA	NA	NA	-0.202	0.053	1.024	0.479	-0.30603	0.134	NA
MIT	AD283	AD	1A	I	3.933	1	NA	NA	NA	-0.423	-0.09	-0.6	-0.24	-0.13893	-0.39	NA
MIT	AD285	AD	4	III+	2.450	1	NA	NA	NA	0.119	-0.6	-0.45	-0.02	0.523891	0.008	NA
MIT	AD287	AD	3B	III+	0.617	1	NA	NA	NA	-0.572	-0.13	-0.17	-0.87	-0.17785	-0.63	NA
MIT	AD296	AD	2A	II	0.775	1	NA	NA	NA	0.044	0.021	0.49	0.05	0.201074	-0.13	NA
MIT	AD299	AD	1A	I	3.158	1	NA	NA	NA	0.414	0.541	0.549	-0.23	0.230953	-0	NA
MIT	AD301	AD	1B	I	0.650	1	NA	NA	NA	0.406	-0.13	0.539	-0.01	-0.47023	0.023	NA
MIT	AD302	AD	3B	III+	4.817	1	NA	NA	NA	0.16	0.27	-0.41	-0.04	-0.01817	-0.13	NA
MIT	AD304	AD	1B	I	0.683	1	NA	NA	NA	0.328	0.011	0.031	-0.12	-0.19546	0.02	NA
MIT	AD309	AD	1B	I	3.133	1	NA	NA	NA	0.937	0.383	-0.28	1.088	1.584946	0.639	NA

MIT	AD313	AD	1A	I	2.108	1	NA	NA	NA	-0.046	-0.19	0.201	0.328	0.41138	0.076	NA
MIT	AD314	AD	4	III+	2.467	1	NA	NA	NA	-0.063	-0.25	-0.17	-0.16	0.150089	0.225	NA
MIT	AD323	AD	2B	II	0.567	1	NA	NA	NA	0.041	0.627	-0.07	-0.09	0.749414	-0.16	NA
MIT	AD330	AD	2A	II	0.608	1	NA	NA	NA	0.054	-0.19	0.383	0.129	0.576575	-0.11	NA
MIT	AD332	AD	I	I	0.500	1	NA	NA	NA	0.406	0.259	0.285	-0.05	-1.06261	0.069	NA
MIT	AD334	AD	4	III+	0.008	1	NA	NA	NA	0.83	0.857	-0.12	0.152	-0.17162	0.12	NA
MIT	AD336	AD	1B	I	1.758	1	NA	NA	NA	0.182	0.145	0.232	0.079	0.059264	-0.07	NA
MIT	AD340	AD	4	III+	1.558	1	NA	NA	NA	-0.087	-0.59	-0.53	0.169	-0.40728	-0.09	NA
MIT	AD341	AD	2B	II	4.675	1	NA	NA	NA	-0.091	-0.18	0.006	0.083	-1.52525	-0.23	NA
MIT	AD350	AD	4	III+	2.925	1	NA	NA	NA	0.178	-0.14	-1.12	0.046	0.154608	-0.16	NA
MIT	AD351	AD	2A	II	2.025	1	NA	NA	NA	1.707	-0.32	0.648	0.606	-1.98549	0.417	NA
MIT	AD352	AD	4	III+	0.350	1	NA	NA	NA	-0.554	-0.58	-0.27	-0.45	-0.14107	-0.26	NA
MIT	AD361	AD	1B	I	0.533	1	NA	NA	NA	-0.173	0.252	0.228	-0.24	-0.12945	-0.1	NA
MIT	AD362	AD	1B	I	5.958	1	NA	NA	NA	0.103	-0.32	-0.28	0.169	-0.80414	0.116	NA
MIT	AD363	AD	1B	I	0.875	1	NA	NA	NA	-0.409	-0.18	-0.71	-0.37	0.668135	-0.29	NA
MIT	AD366	AD	3A	III+	0.783	1	NA	NA	NA	0.223	0.107	0.29	0.56	-1.22572	-0.05	NA
MIT	AD370	AD	2B	II	2.167	1	NA	NA	NA	-0.391	0.87	-0.14	-0.33	-0.19477	-0.3	NA
MIT	AD374	AD	1B	I	0.733	1	NA	NA	NA	-0.248	0.908	-0.15	-0.2	-0.11601	-0.17	NA
MIT	AD375	AD	1B	I	1.950	1	NA	NA	NA	-0.192	-0.17	-1.11	-0.16	-1.46582	-0.18	NA
MIT	AD382	AD	3A	III+	2.508	1	NA	NA	NA	0.126	-0.24	0.662	0.153	-0.32596	0.122	NA
MIT	AD383	AD	3A	III+	2.717	1	NA	NA	NA	0.225	0.997	-0.5	-0.18	-0.11731	-0.18	NA
MIT	AD384	AD	4	III+	1.267	1	NA	NA	NA	-0.039	-0.49	-0.3	0.033	-1.05374	0.138	NA
Duke	97-949	NA	1A	I	4.819	0	NA	NA	NA	-0.517	-0.6	-1.29	-0.44	1.837807	-0.74	NA
Duke	98-292	NA	1A	I	5.503	0	NA	NA	NA	-0.217	-0.82	-0.35	-0.9	0.291761	-0.2	NA
Duke	98-679	NA	1A	I	4.986	0	NA	NA	NA	0.488	-1.34	-1.08	-0.91	0.903295	-0.58	NA
Duke	99-77	NA	2B	II	1.164	0	NA	NA	NA	0.119	0.312	0.3	0.456	-1.38028	-0.78	NA
Duke	99-55	NA	3A	III+	0.967	1	NA	NA	NA	0.856	0.523	0.641	1.677	-2.86746	-0.38	NA
Duke	98-985	NA	1A	I	2.900	0	NA	NA	NA	0.513	-0.74	-1.43	0.785	1.149627	0.03	NA
Duke	98-821	NA	3A	III+	2.973	0	NA	NA	NA	0.31	0.474	-0.79	-0.01	0.993017	-0.17	NA
Duke	98-853	NA	1A	I	0.431	0	NA	NA	NA	0.202	0.65	0.378	0.471	-2.15327	0.197	NA

Duke	99-927	NA	1B	I	2.925	0	NA	NA	NA	-0.129	0.67	0.012	0.064	-1.50339	-0.28	NA
Duke	00-10	NA	2A	II	1.206	1	NA	NA	NA	0.75	-0.02	-0.17	0.442	-0.44538	0.09	NA
Duke	98-506	NA	2B	II	5.925	0	NA	NA	NA	-0.359	0.628	0.479	0.201	-0.74527	-0.57	NA
Duke	99-1033	NA	1A	I	3.614	0	NA	NA	NA	0.653	-1.26	-1.5	-0.13	2.260116	-0.23	NA
Duke	98-320	NA	1B	I	1.417	1	NA	NA	NA	0.14	0.647	0.559	-0.91	-2.32832	0.419	NA
Duke	98-711	NA	1B	I	5.064	0	NA	NA	NA	0.129	0.021	0.752	0.606	-0.57036	-0.17	NA
Duke	98-401	NA	2A	II	5.698	0	NA	NA	NA	-0.525	0.386	-0.53	-0.13	0.787941	-0.99	NA
Duke	96-3	NA	1B	I	2.817	1	NA	NA	NA	-0.296	-1.31	-0.59	0.779	-0.30914	-0.07	NA
Duke	97-1026	NA	2B	II	1.092	1	NA	NA	NA	-0.259	-0.18	-0.96	-0.89	1.47251	0.117	NA
Duke	98-933	NA	1B	I	2.342	1	NA	NA	NA	0.41	-0.11	0.679	0.831	-0.61133	-0.26	NA
Duke	96-475	NA	1B	I	7.273	0	NA	NA	NA	0.162	0.1	0.806	-0.18	1.026085	-0.74	NA
Duke	99-671	NA	1A	I	4.878	0	NA	NA	NA	-0.316	-0.52	-0.24	0.059	-0.05234	0.132	NA
Duke	98-683	NA	1A	I	2.798	1	NA	NA	NA	0.913	-0.51	-0.48	0.861	-0.73058	-0.84	NA
Duke	97-403	NA	1B	I	0.723	1	NA	NA	NA	0.069	0.22	-0.26	1.355	0.116961	-0.28	NA
Duke	97-587	NA	1B	I	3.273	1	NA	NA	NA	0.633	-0.6	0.694	0.394	0.923019	0.032	NA
Duke	98-543	NA	1A	I	2.008	0	NA	NA	NA	-0.257	0.177	0.289	-0.45	-1.04054	-0.21	NA
Duke	99-692	NA	1A	I	2.658	1	NA	NA	NA	-0.305	-0.44	-1	0.309	2.268985	0.033	NA
Duke	98-657	NA	1A	I	3.300	1	NA	NA	NA	1.07	0.09	-0.79	-0.25	0.418497	-0.14	NA
Duke	99-440	NA	1A	I	2.933	0	NA	NA	NA	0.194	0.002	0.375	-0.97	-1.77929	-0.08	NA
Duke	99-728	NA	1A	I	4.053	0	NA	NA	NA	0.653	-0.71	0.397	1.298	-1.0632	0.49	NA
Duke	98-1146	NA	2B	II	3.567	1	NA	NA	NA	-0.437	-0.6	-0.16	-0.23	0.628469	0.025	NA
Duke	98-771	NA	1A	I	5.694	0	NA	NA	NA	0.499	-0.57	-1.63	-0.4	1.076996	-0.87	NA
Duke	98-1216	NA	2A	II	1.411	1	NA	NA	NA	1.629	0.125	-0.13	0.473	1.038565	0	NA
Duke	98-1014	NA	1B	I	1.692	1	NA	NA	NA	0.195	0.675	-0.13	0.848	-3.08602	-0.38	NA
Duke	99-830	NA	2A	II	1.875	1	NA	NA	NA	-0.295	-0.62	1.021	-2.08	-2.9008	0.679	NA
Duke	00-11	NA	4	III+	0.442	1	NA	NA	NA	0.056	-0.59	0.387	-0.15	-1.5186	0.464	NA
Duke	98-152	NA	2B	II	6.111	0	NA	NA	NA	-0.251	-0.29	0.172	-0.58	-1.23578	-0.15	NA
Duke	98-1293	NA	1A	I	4.950	0	NA	NA	NA	-0.233	-0.56	0.084	-0.55	-0.19295	-0.59	NA
Duke	98-1296	NA	1A	I	5.294	0	NA	NA	NA	-0.163	0.707	0.213	-0.56	-0.73828	-0.04	NA
Duke	98-375	NA	2B	II	1.178	1	NA	NA	NA	0.314	-0.59	-0.52	0.208	0.32386	-0.66	NA

Duke	98-967	NA	2B	II	1.778	1	NA	NA	NA	0.065	-1.1	-1.55	0.376	0.409321	-0.77	NA
Duke	99-1017	NA	1B	I	4.525	0	NA	NA	NA	-0.493	-0.9	-0.89	-0.6	1.164087	-1.08	NA
Duke	00-315	NA	1A	I	3.767	0	NA	NA	NA	0.414	0.575	0.103	0.661	-1.00921	-0.62	NA
Duke	00-151	NA	1B	I	0.528	1	NA	NA	NA	-0.446	-0.24	-1.11	0.261	-0.05388	-0.18	NA
Duke	99-1067	NA	2B	II	3.773	1	NA	NA	NA	-0.245	0.011	0.166	-0.18	-1.21294	0.371	NA
Duke	99-301	NA	3A	III+	0.794	1	NA	NA	NA	1.045	0.036	-0.76	-0.3	0.619684	-0.77	NA
Duke	99-137	NA	3A	III+	1.881	1	NA	NA	NA	0.33	0.615	0.134	2.151	0	0.178	NA
Duke	98-1063	NA	2B	II	1.598	1	NA	NA	NA	-0.24	0.004	0.235	-0.31	-0.43837	-0.05	NA
Duke	98-343	NA	1A	I	4.125	0	NA	NA	NA	-0.118	-0.29	-0.12	0.268	0.910324	-0.24	NA
Duke	98-186	NA	1A	I	4.119	1	NA	NA	NA	-0.73	-1.14	-0.3	-0.42	-2.09628	0.332	NA
Duke	98-691	NA	1A	I	0.408	1	NA	NA	NA	0.407	-0.38	0.462	1.377	-1.03896	-0.25	NA
Duke	98-723	NA	1A	I	1.039	1	NA	NA	NA	-0.338	0.763	0.369	-0.65	-1.04263	-0.12	NA
Duke	98-197	NA	1B	I	5.906	0	NA	NA	NA	0	-0.13	-0.81	0.226	1.377702	0.758	NA
Duke	98-828	NA	1A	I	3.650	0	NA	NA	NA	-0.325	0.379	0.078	-0.37	-2.29122	0.596	NA
Duke	97-1027	NA	3A	III+	0.089	1	NA	NA	NA	0.081	0.587	0.117	-0.47	0.26364	-0.37	NA
Duke	00-327	NA	1B	I	0.811	1	NA	NA	NA	-0.621	0.039	-1.09	-0.4	1.075552	-0.05	NA
Duke	98-438	NA	1B	I	4.614	1	NA	NA	NA	-0.3	0.086	-0.45	0.196	1.770386	0.458	NA
Duke	98-1277	NA	1A	I	4.661	0	NA	NA	NA	-0.41	0.202	0.742	-0.91	-0.4672	0.065	NA
Duke	00-703	NA	1A	I	3.553	0	NA	NA	NA	-0.602	-0.22	-0.7	0.45	1.347204	0.189	NA
Duke	00-440	NA	1B	I	2.406	1	NA	NA	NA	0.046	0.094	0.399	-1.22	-1.85514	0.327	NA
Duke	98-956	NA	1A	I	4.956	0	NA	NA	NA	-0.232	0.6	0.672	0.077	0.955643	-0.29	NA
Duke	00-909	NA	1	I	0.931	1	NA	NA	NA	-0.302	-0.92	-1.21	1.001	0.928347	-0.68	NA
Duke	97-666	NA	1B	I	4.273	1	NA	NA	NA	0.824	0	-0.78	0.099	1.151266	-0.11	NA
Duke	97-608	NA	1B	I	6.764	0	NA	NA	NA	-0.114	0.514	-0	-0.12	0.491203	-0.03	NA
Duke	97-829	NA	2B	II	1.028	1	NA	NA	NA	-0.066	0.57	0.38	-0.34	-1.08055	0.042	NA
Duke	00-550	NA	1	I	2.786	0	NA	NA	NA	-0.189	-0.54	0.311	-1.02	0.520247	0.063	NA
Duke	99-706	NA	1B	I	4.936	0	NA	NA	NA	-0.115	-0.07	0.294	0.035	-1.19852	0.79	NA
Duke	98-417	NA	1A	I	2.267	1	NA	NA	NA	0.114	1.338	0.684	-0.41	-1.26557	-0.14	NA
Duke	96-264	NA	1B	I	6.911	0	NA	NA	NA	-0.33	0.463	-0.53	0.362	2.249927	0.436	NA
Duke	97-792	NA	2A	II	6.219	0	NA	NA	NA	-0.655	0.425	-0.33	-0.03	-0.55191	-1.11	NA

Duke	96-353	NA	1B	I	2.364	1	NA	NA	NA	0.142	0.025	0.262	0.263	-1.21505	-0.28	NA
Duke	00-145	NA	1A	I	4.269	0	NA	NA	NA	0.121	-0.81	-0.35	0.796	0.719545	0.412	NA
Duke	00-253	NA	1B	I	1.028	0	NA	NA	NA	-0.811	-0.11	-0.06	-1.49	-0.31781	1.3	NA
Duke	00-334	NA	1A	I	3.125	0	NA	NA	NA	0.16	-1.06	-0.62	0.812	1.071737	0.283	NA
Duke	00-398	NA	1A	I	2.428	1	NA	NA	NA	1.207	-0.33	1.207	0.392	-0.67666	0.138	NA
Duke	00-452	NA	1B	I	2.817	1	NA	NA	NA	0.096	0.437	0.693	-0.63	0.567359	0.572	NA
Duke	00-479	NA	1	I	0.158	1	NA	NA	NA	0.319	0.567	0.313	0.472	0.592302	0.264	NA
Duke	00-827	NA	1	I	1.106	1	NA	NA	NA	-0.627	-0.02	-0.82	-1.23	0.707033	0.379	NA
Duke	00-941	NA	1	I	2.028	1	NA	NA	NA	0.492	-0.58	0.199	0.708	-0.57326	0.513	NA
Duke	00-1059	NA	1	I	1.969	1	NA	NA	NA	-0.037	-0.03	0.097	0.796	-1.41237	0.323	NA
Duke	00-1072	NA	2	II	3.473	0	NA	NA	NA	-0.013	-0.34	-0.59	0.534	1.638961	0.534	NA
Duke	00-1082	NA	1	I	3.469	0	NA	NA	NA	1.474	-0.49	-0.64	0.255	1.541737	0.407	NA
Duke	01-181	NA	1A	I	2.594	0	NA	NA	NA	-0.344	0.08	-0.79	1.534	2.024381	0.029	NA
Duke	01-189	NA	2B	II	3.014	0	NA	NA	NA	-0.166	0.03	0.288	0.692	0.656979	-0.2	NA
Duke	01-236	NA	1B	I	0.219	0	NA	NA	NA	0.028	-0.76	0.163	-1.95	-2.66171	0.859	NA
Duke	01-331	NA	2B	II	2.011	1	NA	NA	NA	1.609	0.355	0.891	0.765	0.300173	0.497	NA
Duke	01-646	NA	1B	I	1.653	1	NA	NA	NA	0.411	0.393	-0.12	-0.29	1.357886	0.03	NA
Duke	01-284	NA	1A	I	0.228	0	NA	NA	NA	-0.01	-0.2	0.277	-1.2	-0.59169	0.1	NA
Duke	01-369	NA	1B	I	2.128	0	NA	NA	NA	-0.875	-0.73	-1.44	-0.24	2.351711	-0.1	NA
Duke	01-424	NA	1A	I	2.119	0	NA	NA	NA	-0.111	0.917	0	-0.78	-0.19251	0.634	NA
Duke	01-534	NA	1B	I	2.594	1	NA	NA	NA	-0.228	0.244	-0.26	-0.36	-0.09865	0.267	NA
Duke	01-139	NA	1A	I	3.319	0	NA	NA	NA	0.683	-0.24	1.274	-0.13	0.893	0.38	NA
Duke	97-930	NA	1B	I	3.300	1	NA	NA	NA	0.173	0.025	1.005	0	-1.9082	0.318	NA
MI06	LS-1	SQ	2B	II	1.25	1	NA	NA	NA	-0.099	0.493	-0.53	-0.99	1.296624	0.842	NA
MI06	LS-10	SQ	1B	I	0.80833	1	NA	NA	NA	-0.061	-0.95	0.537	-2.47	-0.24335	0.762	NA
MI06	LS-100	SQ	1B	I	1.69167	0	NA	NA	NA	0.442	0.322	0.132	-1.93	0.409942	-0.21	NA
MI06	LS-101	SQ	2B	II	2.95	0	NA	NA	NA	0.066	-0.15	0.088	-1.92	-0.83692	-0.1	NA
MI06	LS-102	SQ	1B	I	2.46667	0	NA	NA	NA	-0.464	-0.71	-0.18	-0.65	-0.91093	-0.5	NA
MI06	LS-103	SQ	2B	II	2.36667	1	NA	NA	NA	-0.655	0.042	0.674	2.98	0.019644	0.142	NA
MI06	LS-104	SQ	2B	II	0.43333	1	NA	NA	NA	0.4	0.201	0.07	0.308	-0.41521	-0.28	NA

MI06	LS-105	SQ	2A	II	2.40833	0	NA	NA	NA	-2.473	0.341	-0	0.372	-0.09948	1.208	NA
MI06	LS-106	SQ	3A	III+	2.275	0	NA	NA	NA	0.309	0.444	-0.17	0.63	-0.12755	0.79	NA
MI06	LS-107	SQ	1B	I	0.80833	1	NA	NA	NA	0.625	1.104	0.483	2.876	-0.25794	0.168	NA
MI06	LS-108	SQ	1A	I	2.41667	0	NA	NA	NA	0.679	0.211	-0.29	0.69	0.769267	0.034	NA
MI06	LS-109	SQ	1B	I	2.21667	0	NA	NA	NA	-0.047	0.876	0.3	0.398	-1.28195	0.076	NA
MI06	LS-111	SQ	1B	I	1.38333	1	NA	NA	NA	0.152	0.995	0.52	1.328	-0.56429	-0.06	NA
MI06	LS-113	SQ	1B	I	2.00833	0	NA	NA	NA	0.617	-0.1	-0.12	-0.63	0.653446	-0.16	NA
MI06	LS-114	SQ	1B	I	1.95833	0	NA	NA	NA	0.824	1	-0.24	1.616	0.442505	0.003	NA
MI06	LS-115	SQ	1B	I	1.975	0	NA	NA	NA	-0.351	-0.22	-0.48	0.72	-0.384	1.195	NA
MI06	LS-116	SQ	2B	II	0.51667	0	NA	NA	NA	0.901	0.233	-0.35	-2.91	-0.33351	-0.91	NA
MI06	LS-117	SQ	1B	I	4.98333	0	NA	NA	NA	-0.369	0.871	0.076	-0.99	0.606582	0.345	NA
MI06	LS-118	SQ	3A	III+	0.30833	1	NA	NA	NA	0.249	-0.19	0.131	-0.01	-0.99161	0.61	NA
MI06	LS-119	SQ	2A	II	1.70833	1	NA	NA	NA	-0.273	1.023	0.338	0.269	0.122699	0.108	NA
MI06	LS-12	SQ	1B	I	9.1	0	NA	NA	NA	-0.112	-0.42	0.153	-2.89	0.209154	0.6	NA
MI06	LS-120	SQ	3B	III+	3.21667	0	NA	NA	NA	0.266	0.248	-0.11	-0.36	0.735172	-0.17	NA
MI06	LS-121	SQ	2B	II	2.89167	0	NA	NA	NA	0.301	-0.1	1.007	1.128	-1.43229	0.007	NA
MI06	LS-122	SQ	1A	I	0.86667	1	NA	NA	NA	0.172	0.316	0.468	-0.83	-0.35644	0.176	NA
MI06	LS-123	SQ	1A	I	2.60833	0	NA	NA	NA	0.485	0.617	-0.4	0.986	1.717957	0.525	NA
MI06	LS-124	SQ	1B	I	2.64167	0	NA	NA	NA	0.134	0.446	-0.12	0.129	0.964845	0.335	NA
MI06	LS-125	SQ	1B	I	0.78333	1	NA	NA	NA	0.044	0.659	0.245	0.77	1.668951	1.246	NA
MI06	LS-126	SQ	3A	III+	2.375	1	NA	NA	NA	-0.05	-0.33	0.214	0.268	0.674554	0.466	NA
MI06	LS-127	SQ	3A	III+	0.61667	1	NA	NA	NA	0.204	0.087	0.119	1.051	1.210976	0.506	NA
MI06	LS-128	SQ	1A	I	1.35	1	NA	NA	NA	-0.262	-0.44	-0.15	1.201	1.070839	0.709	NA
MI06	LS-129	SQ	1B	I	2.85	0	NA	NA	NA	-0.183	-0.11	0.36	-1.65	-0.85793	-0.18	NA
MI06	LS-13	SQ	1B	I	0.80833	1	NA	NA	NA	-0.011	-0.72	0.219	-2.85	-0.92294	0.44	NA
MI06	LS-130	SQ	2B	II	3.25	0	NA	NA	NA	-0.036	0.515	-0.19	0.934	1.500999	0.558	NA
MI06	LS-131	SQ	1A	I	1.99167	0	NA	NA	NA	1.04	0.133	0.833	1.062	0.593799	0.038	NA
MI06	LS-132	SQ	3B	III+	0.71667	1	NA	NA	NA	0.802	-1	-0.19	-0.36	0.290651	1.09	NA
MI06	LS-133	SQ	2B	II	2.51667	0	NA	NA	NA	-0.187	-0.05	1.143	0.803	0.523098	0.83	NA
MI06	LS-134	SQ	1A	I	0.675	1	NA	NA	NA	-0.216	-0.32	0.151	-1.93	-0.21195	0.859	NA

MI06	LS-135	SQ	2B	II	1.55833	0	NA	NA	NA	0.14	0.115	-0.33	-0.71	0.508895	1.363	NA
MI06	LS-136	SQ	2B	II	6.50833	0	NA	NA	NA	-0.611	-0.01	-0.35	-1.89	1.280201	0.027	NA
MI06	LS-138	SQ	2B	II	9.44167	0	NA	NA	NA	0.142	-0.22	-0.12	1.389	-1.24585	0.12	NA
MI06	LS-139	SQ	1A	I	2.4	1	NA	NA	NA	0.009	0.852	0.315	0.572	0.58637	0.749	NA
MI06	LS-14	SQ	1B	I	1.68333	1	NA	NA	NA	0.525	0.081	-0.1	-0.36	-0.44674	0.333	NA
MI06	LS-140	SQ	1B	I	3.8	1	NA	NA	NA	0.033	-0.49	0.229	-0.47	1.010209	-0.1	NA
MI06	LS-15	SQ	2B	II	3.1	1	NA	NA	NA	0.208	0.508	-0.38	-2.97	-0.41425	0.584	NA
MI06	LS-16	SQ	1B	I	9.95833	1	NA	NA	NA	-0.52	-0.89	0.179	-2.59	1.357967	0.433	NA
MI06	LS-17	SQ	3A	III+	10.0167	0	NA	NA	NA	-0.332	-0.51	-0.14	-2.29	-1.12395	1.091	NA
MI06	LS-18	SQ	3A	III+	10.075	0	NA	NA	NA	-1.819	-0.87	0.59	-1.83	-1.94439	-0.26	NA
MI06	LS-19	SQ	3A	III+	0.4	1	NA	NA	NA	-0.18	0.319	0.058	-3.1	0.422529	-1	NA
MI06	LS-2	SQ	1B	I	11.975	0	NA	NA	NA	-0.047	0.406	0.84	-2.06	0.25877	0.726	NA
MI06	LS-20	SQ	2A	II	10.6333	0	NA	NA	NA	-0.294	0.294	0.292	-0.06	0.087387	-0.43	NA
MI06	LS-21	SQ	3B	III+	8.46667	1	NA	NA	NA	-0.1	0.39	-0.21	-1.5	0.200962	-0.1	NA
MI06	LS-22	SQ	3B	III+	0.49167	1	NA	NA	NA	-0.071	0.5	-0.21	-2.61	1.644532	-0.31	NA
MI06	LS-23	SQ	3A	III+	8.65	0	NA	NA	NA	0.873	0.261	-0.77	-0.63	1.075569	-0.14	NA
MI06	LS-24	SQ	3B	III+	9.275	0	NA	NA	NA	-0.156	-0.28	0.647	0.16	-2.1436	0.168	NA
MI06	LS-25	SQ	1A	I	5.73333	0	NA	NA	NA	-0.074	0.582	-0.72	-1.92	1.072402	-1.11	NA
MI06	LS-26	SQ	1B	I	5.71667	1	NA	NA	NA	0.033	-0.12	0.295	-0.74	0.762505	0.482	NA
MI06	LS-27	SQ	1B	I	0.50833	1	NA	NA	NA	0.134	-0.38	0.099	0.758	-0.86887	0.051	NA
MI06	LS-28	SQ	1A	I	0.975	1	NA	NA	NA	-0.261	-0.67	0.066	-3.56	0.272814	-0.69	NA
MI06	LS-29	SQ	1A	I	5.19167	1	NA	NA	NA	0.139	0.56	0.197	0.316	0.117799	-0.01	NA
MI06	LS-30	SQ	1B	I	7.80833	0	NA	NA	NA	-0.529	-0.18	0.266	-0.02	-0.18008	0.264	NA
MI06	LS-31	SQ	1A	I	10.775	1	NA	NA	NA	0.29	0.438	-0.48	0.161	1.041374	-0.25	NA
MI06	LS-32	SQ	1B	I	5.34167	1	NA	NA	NA	-0.345	0.743	-0.23	-2.38	-0.95227	1.624	NA
MI06	LS-33	SQ	3A	III+	0.675	1	NA	NA	NA	0.312	0.007	-0.4	0.634	0.212463	0.542	NA
MI06	LS-34	SQ	3A	III+	5.85833	1	NA	NA	NA	-0.081	-0.46	0.584	-1.43	-1.1083	0.485	NA
MI06	LS-35	SQ	1B	I	4.05833	0	NA	NA	NA	-0.068	0.491	0.594	0.279	-1.64348	0.693	NA
MI06	LS-36	SQ	1B	I	3.28333	1	NA	NA	NA	0.324	-0.2	-0.91	-0.37	-0.53383	0.248	NA
MI06	LS-37	SQ	1B	I	7.525	0	NA	NA	NA	0.219	0.831	0.313	0.396	-0.36098	0.366	NA

MI06	LS-38	SQ	1B	I	3.89167	0	NA	NA	NA	0.075	0.285	-0.18	-0.19	1.434433	-0.27	NA
MI06	LS-39	SQ	3B	III+	0.33333	1	NA	NA	NA	-0.081	0.909	0.443	-2.03	-1.33458	-0.27	NA
MI06	LS-40	SQ	1A	I	5.725	1	NA	NA	NA	-0.084	-0.2	-0.48	-1.93	0.407861	-0.48	NA
MI06	LS-41	SQ	1A	I	6.16667	0	NA	NA	NA	0.339	-0.31	-0.32	0.006	-0.80137	-0.22	NA
MI06	LS-42	SQ	1A	I	2.59167	1	NA	NA	NA	-0.023	-0.78	-0.41	0.348	-0.95396	-0.6	NA
MI06	LS-43	SQ	1A	I	6.475	0	NA	NA	NA	-0.395	-0.04	-0.54	0.243	0.512445	-0.35	NA
MI06	LS-44	SQ	1B	I	0.85833	1	NA	NA	NA	0.067	-1.22	-0.19	-1.48	-0.77617	-1.2	NA
MI06	LS-45	SQ	1B	I	2.25	1	NA	NA	NA	-0.218	0.59	-0.4	0.269	-1.10605	-0.18	NA
MI06	LS-46	SQ	1B	I	5.39167	0	NA	NA	NA	0.048	-0.43	-0.14	-1.66	0.002708	-0.51	NA
MI06	LS-47	SQ	1A	I	2.04167	1	NA	NA	NA	0.012	-0.48	-0.2	0.219	0.366527	-0.57	NA
MI06	LS-48	SQ	1B	I	5.275	0	NA	NA	NA	-0.147	-0.63	0.542	0.71	-1.89818	-0.43	NA
MI06	LS-49	SQ	1B	I	4.05	1	NA	NA	NA	-0.285	-0.64	0.112	1.213	-0.36804	-0.63	NA
MI06	LS-5	SQ	3A	III+	0.73333	1	NA	NA	NA	0.21	-0.29	0.279	-2.62	-0.47766	1.497	NA
MI06	LS-50	SQ	1A	I	4.775	0	NA	NA	NA	0.154	-0.75	0.572	0.454	-2.21531	0.268	NA
MI06	LS-51	SQ	1A	I	5.23333	0	NA	NA	NA	-0.763	-1.04	-0.09	-2.79	0.109888	-0.61	NA
MI06	LS-52	SQ	1B	I	0.85	1	NA	NA	NA	0.693	-0.97	0.135	0.457	-0.28609	0.064	NA
MI06	LS-53	SQ	1A	I	4.5	0	NA	NA	NA	0.146	-0.23	-0.15	-0.83	1.374901	-0.02	NA
MI06	LS-54	SQ	1B	I	5.2	0	NA	NA	NA	0.089	-0.17	0.499	0.918	-1.03554	-0.49	NA
MI06	LS-55	SQ	3A	III+	1.925	1	NA	NA	NA	0.799	0.345	0.316	0.705	-1.62197	0.112	NA
MI06	LS-56	SQ	2B	II	2.24167	1	NA	NA	NA	-0.542	0.126	-0.11	0.5	0.899775	-1.22	NA
MI06	LS-57	SQ	1B	I	4.51667	0	NA	NA	NA	0.671	0.009	-0.13	-0.89	-0.93807	1.129	NA
MI06	LS-58	SQ	1B	I	1.36667	1	NA	NA	NA	1.243	-0.3	-0.65	-1.25	1.746071	-0.29	NA
MI06	LS-59	SQ	2B	II	8.775	0	NA	NA	NA	0.272	0.193	0.278	-1.04	0.239382	0.06	NA
MI06	LS-6	SQ	1B	I	1.00833	1	NA	NA	NA	-0.019	0.1	0.366	0.884	0.343867	-0.04	NA
MI06	LS-60	SQ	3A	III+	7.95833	1	NA	NA	NA	0.234	0.463	-0.28	0.158	-0.03737	-0.57	NA
MI06	LS-61	SQ	2B	II	11.8583	0	NA	NA	NA	0.931	0.463	-0.18	-2.27	0.132094	-1.06	NA
MI06	LS-62	SQ	3A	III+	9.54167	1	NA	NA	NA	-0.554	0.65	0.285	1.08	-0.40381	-0.04	NA
MI06	LS-63	SQ	1B	I	10.0833	0	NA	NA	NA	-0.614	-1.43	0.813	0.353	-0.596	0.4	NA
MI06	LS-64	SQ	2B	II	5.18333	1	NA	NA	NA	0.647	-0.9	0.351	0.894	0.083324	0.059	NA
MI06	LS-65	SQ	2B	II	4.96667	0	NA	NA	NA	0.006	-0.23	-0.29	-0.44	-0.53308	-0.96	NA

MI06	LS-66	SQ	2B	II	7.875	1	NA	NA	NA	-0.216	0.38	0.272	-0.43	-0.10854	-0.22	NA
MI06	LS-67	SQ	2B	II	5.34167	1	NA	NA	NA	-0.789	-0.62	-0.25	0.213	0.16171	-0.12	NA
MI06	LS-68	SQ	2B	II	10.9583	0	NA	NA	NA	-0.024	0.339	-0.63	-3.15	1.145948	-0.2	NA
MI06	LS-69	SQ	1B	I	6.575	1	NA	NA	NA	0.279	0.51	-0.18	-0.31	-1.18423	0.01	NA
MI06	LS-70	SQ	1A	I	6.74167	1	NA	NA	NA	0.071	-0.84	0.53	-0.29	-0.52718	0.395	NA
MI06	LS-71	SQ	2B	II	6.50833	0	NA	NA	NA	-1.115	-0.66	0.001	-3	1.031878	-0.55	NA
MI06	LS-72	SQ	1B	I	0.61667	1	NA	NA	NA	-0.385	-0.99	0.326	0.131	-0.80031	0.519	NA
MI06	LS-73	SQ	2B	II	1.825	0	NA	NA	NA	0.23	-0.13	-0.4	-0.38	-0.74013	-1.22	NA
MI06	LS-74	SQ	1B	I	2.75833	1	NA	NA	NA	-0.064	0.005	-0.52	0.319	0.857927	-0.5	NA
MI06	LS-75	SQ	2B	II	4.21667	0	NA	NA	NA	-0.063	0.424	-0.21	-1.45	0.548173	0.134	NA
MI06	LS-77	SQ	3A	III+	0.3	1	NA	NA	NA	0.529	-0.14	-0.27	1.137	-0.17323	-0.14	NA
MI06	LS-78	SQ	3A	III+	4.525	1	NA	NA	NA	-0.498	-1.32	-0.25	0.026	-2.36656	-0.66	NA
MI06	LS-79	SQ	2B	II	0.9	1	NA	NA	NA	0.421	0.588	-0.06	0.053	0.132241	-0.08	NA
MI06	LS-8	SQ	1B	I	11.3417	0	NA	NA	NA	-0.344	0.446	-0.7	-1.38	-0.00271	-0.29	NA
MI06	LS-80	SQ	2B	II	0.33333	1	NA	NA	NA	-0.545	0.595	-0.09	0.645	0.339086	0.101	NA
MI06	LS-81	SQ	1B	I	4.29167	0	NA	NA	NA	0.165	-0.18	-0.19	0.146	-0.66778	-0.48	NA
MI06	LS-82	SQ	1A	I	4.11667	0	NA	NA	NA	0.571	-0.49	0.212	1.427	-0.33322	-0.85	NA
MI06	LS-83	SQ	2A	II	2.89167	1	NA	NA	NA	0.277	-2.33	-0.49	-0.49	-0.38039	-0.24	NA
MI06	LS-85	SQ	1A	I	3.95	0	NA	NA	NA	-0.231	-0.86	-1.16	-0.41	1.258565	-0.25	NA
MI06	LS-86	SQ	1B	I	3.71667	0	NA	NA	NA	0.059	-0.13	0.259	-2.53	0.399665	-0.09	NA
MI06	LS-87	SQ	2A	II	0.18333	1	NA	NA	NA	-0.222	0.307	0.1	0.599	0.022488	-0.03	NA
MI06	LS-88	SQ	2B	II	0.69167	1	NA	NA	NA	-1.936	-0.08	-0.5	0.636	-0.46251	-0.22	NA
MI06	LS-89	SQ	1A	I	3.65833	0	NA	NA	NA	0.448	-0.12	0.261	0.8	0.094157	0.182	NA
MI06	LS-9	SQ	2B	II	0.275	1	NA	NA	NA	-0.489	0.186	1.112	-0.69	-0.56716	0.89	NA
MI06	LS-90	SQ	1A	I	3.675	0	NA	NA	NA	-0.006	-0.17	-0.08	-0.43	-0.72358	0.153	NA
MI06	LS-91	SQ	2B	II	3.41667	0	NA	NA	NA	-0.028	0.615	0.815	1.272	0.169645	-0.68	NA
MI06	LS-92	SQ	1A	I	2.84167	0	NA	NA	NA	-0.748	-1	0.003	-0.3	-0.40104	-0.06	NA
MI06	LS-94	SQ	3A	III+	1.15	1	NA	NA	NA	-0.687	0.86	0.532	0.468	0.270417	-0.19	NA
MI06	LS-95	SQ	1B	I	0.88333	1	NA	NA	NA	0.504	0.391	0.409	0.762	-1.3824	0.167	NA
MI06	LS-96	SQ	1A	I	2.16667	0	NA	NA	NA	0.225	-0.42	-0.2	1.3	0.215918	-0.17	NA

MI06	LS-97	SQ	2A	II	0.64167	1	NA	NA	NA	0.309	-0.21	0.503	-0.74	-0.63622	-0	NA
MI06	LS-98	SQ	1B	I	1.075	1	NA	NA	NA	-1.708	0.169	-0.53	0.621	-0.77162	-0.65	NA
MI06	LS-99	SQ	1A	I	2.93333	0	NA	NA	NA	-0.183	0.192	-0.45	0.318	1.146439	0.375	NA
AD1	Sample_A1	AD	1B	I	10.4008	0	NA	NA	NA	-0.078	0.832	0.228	-0.13	-0.04932	NA	NA
AD1	Sample_A2	AD	1A	I	10.3433	1	NA	NA	NA	0.181	1.426	0.14	NA	-0.1227	NA	NA
AD1	Sample_A3	AD	1A	I	14.0725	0	NA	NA	NA	-0.145	0.976	-0.03	-0.26	-0.13327	NA	NA
AD1	Sample_A4	AD	1A	I	15.3425	0	NA	NA	NA	-0.054	0.195	0.03	0.082	0.11901	NA	NA
AD1	Sample_A5	AD	1A	I	12.9058	0	NA	NA	NA	-0.091	0.341	0.439	-0.21	-0.77958	NA	NA
AD1	Sample_A6	AD	1B	I	12.3617	0	NA	NA	NA	0.357	0.044	-0.41	-0.04	0.84331	NA	NA
AD1	Sample_A8	AD	1B	I	11.0775	0	NA	NA	NA	0.189	-0.08	-0.06	NA	0.054037	NA	NA
AD1	Sample_A9	AD	1B	I	6.94583	1	NA	NA	NA	-0.235	0.143	-0.2	0.035	-0.25414	NA	NA
AD1	Sample_A10	AD	1A	I	5.76833	0	NA	NA	NA	0.079	-0.14	0.065	-0.12	-0.01695	NA	NA
AD1	Sample_A11	AD	1A	I	9.47333	0	NA	NA	NA	0.043	-0.29	-0.2	0.032	0.242846	NA	NA
AD1	Sample_A12	AD	1A	I	7.71	0	NA	NA	NA	-0.196	-0.25	0.153	-0.09	-0.64062	NA	NA
AD1	Sample_A13	AD	1B	I	5.87	0	NA	NA	NA	0.083	0.056	-0.1	-0.06	1.151475	NA	NA
AD1	Sample_A14	AD	1A	I	5.88083	0	NA	NA	NA	-0.178	0.611	0.01	0.054	0.708476	NA	NA
AD1	Sample_A15	AD	1B	I	5.81833	0	NA	NA	NA	0.214	-0.81	0.298	-0.22	0.090488	NA	NA
AD1	Sample_A16	AD	1A	I	5.54667	0	NA	NA	NA	-0.046	-0.33	-0.12	-0.05	0.461766	NA	NA
AD1	Sample_A17	AD	1A	I	5.60417	0	NA	NA	NA	-0.17	-0.44	-0.45	0.056	0.016947	NA	NA
AD1	Sample_A18	AD	1A	I	5.87583	0	NA	NA	NA	0.003	0.01	0.234	NA	0.436069	NA	NA
AD1	Sample_A19	AD	1B	I	4.82417	0	NA	NA	NA	0.352	2.014	0.045	-0.2	-0.55061	NA	NA
AD1	Sample_A20	AD	1B	I	4.67583	1	NA	NA	NA	0.311	-0.82	-0.13	0.186	1.82684	NA	NA
AD1	Sample_A21	AD	1A	I	4.53917	0	NA	NA	NA	-0.181	-0.88	-0.29	0.063	1.885393	NA	NA
AD1	Sample_A22	AD	1B	I	4.42167	0	NA	NA	NA	0	0.205	-0.07	0.028	0.159572	NA	NA
AD1	Sample_A23	AD	1B	I	4.2325	0	NA	NA	NA	0.022	-0.57	0.174	-0.16	-0.13016	NA	NA
AD1	Sample_A24	AD	1A	I	4.45	0	NA	NA	NA	0.032	-1.38	-0.11	0.007	0.800435	NA	NA
AD1	Sample_A25	AD	1B	I	3.83583	0	NA	NA	NA	0.352	0.256	0.074	-0.01	0.093631	NA	NA
AD1	Sample_A26	AD	1B	I	3.69917	0	NA	NA	NA	-0.029	1.296	-0.07	-0.27	0.346722	NA	NA
AD1	Sample_A27	AD	1B	I	13.67	0	NA	NA	NA	0.172	0.769	0.374	0.109	-0.17389	NA	NA
AD1	Sample_A28	AD	1B	I	0.5475	1	NA	NA	NA	NA	0.03	0.553	0.263	0.480807	NA	NA

AD1	Sample_A29	AD	1B	I	2.02833	1	NA	NA	NA	-0.149	-0.31	0.167	NA	-0.34642	NA	NA
AD1	Sample_A30	AD	1B	I	1.81833	1	NA	NA	NA	0.058	1.458	-0.34	-0.03	-0.59704	NA	NA
AD1	Sample_A31	AD	1B	I	4.55583	1	NA	NA	NA	0.023	0.017	-0.62	NA	0.437364	NA	NA
AD1	Sample_A32	AD	1B	I	0.66	1	NA	NA	NA	-6E-04	-0.68	0.83	0.177	-1.00999	NA	NA
AD1	Sample_A33	AD	2B	II	2.05333	1	NA	NA	NA	-0.126	-0.2	-0.58	-0.04	-0.19166	NA	NA
AD1	Sample_A34	AD	1B	I	0.35083	1	NA	NA	NA	-0.205	0.247	0.063	0.052	-0.07482	NA	NA
AD1	Sample_A35	AD	1A	I	2.52667	1	NA	NA	NA	-0.11	-0.04	-0.15	NA	-0.56454	NA	NA
AD1	Sample_A36	AD	1A	I	1.125	1	NA	NA	NA	0.25	0.424	-0.28	-0.01	0.276731	NA	NA
AD1	Sample_A37	AD	1B	I	1.18583	1	NA	NA	NA	-0.499	-0.63	0.273	0.025	-0.15683	NA	NA
AD1	Sample_A38	AD	1B	I	1.16917	1	NA	NA	NA	0.134	-0.05	0.042	NA	0.612486	NA	NA
AD1	Sample_A39	AD	1B	I	1.28667	1	NA	NA	NA	0.131	-0.01	-0.83	0.136	-0.24803	NA	NA
AD1	Sample_A40	AD	1B	I	5.36333	0	NA	NA	NA	-0.018	1.197	-0.11	-0.26	0.979008	NA	NA
AD1	Sample_A41	AD	1B	I	2.20667	1	NA	NA	NA	0.103	0.982	-0.09	0.102	-0.1643	NA	NA
AD1	Sample_A42	AD	1B	I	2.18167	1	NA	NA	NA	-0.242	-0.82	-0.05	0.044	-0.52691	NA	NA
AD1	Sample_A43	AD	1A	I	2.06167	1	NA	NA	NA	-0.003	-0.26	0.229	NA	-0.38756	NA	NA
AD1	Sample_A44	AD	1B	I	2.15167	1	NA	NA	NA	-0.292	-0.56	-0.01	-0.03	0.54584	NA	NA
AD1	Sample_A45	AD	2B	II	0.68417	1	NA	NA	NA	0.032	-0.62	0.355	NA	-0.13693	NA	NA
AD1	Sample_A46	AD	1B	I	1.07333	1	NA	NA	NA	-0.151	-0.25	0.415	NA	-0.44353	NA	NA
AD1	Sample_A47	AD	1B	I	2.25833	1	NA	NA	NA	-0.038	0.251	-0.32	0.072	1.489913	NA	NA
AD1	Sample_A48	AD	1B	I	0.9525	1	NA	NA	NA	0.374	0.107	0.526	-0.13	-0.49501	NA	NA
AD1	Sample_A49	AD	1B	I	2.795	0	NA	NA	NA	0.048	-0.31	0.267	0.139	0.400408	NA	NA
SQ2	Sample_N1	SQ	1B	I	5.0925	1	NA	NA	NA	0.106	1.618	0.562	0.137	0.027884	NA	NA
SQ2	Sample_N2	SQ	1A	I	12.8025	1	NA	NA	NA	0.042	0.536	-0.05	0.108	0.032999	NA	NA
SQ2	Sample_N3	SQ	1B	I	9.34667	1	NA	NA	NA	-0.243	0.454	0.102	0.094	-1.02194	NA	NA
SQ2	Sample_N4	SQ	1A	I	15.8958	0	NA	NA	NA	0	0.187	-0.1	0.055	0	NA	NA
SQ2	Sample_N5	SQ	1B	I	10.4967	1	NA	NA	NA	0.121	0.081	-0.02	0.238	0.337902	NA	NA
SQ2	Sample_N6	SQ	1B	I	10.6667	1	NA	NA	NA	-0.032	0.17	0.077	0.117	-0.12433	NA	NA
SQ2	Sample_N7	SQ	1B	I	10.8608	0	NA	NA	NA	0.121	-0.06	-0.07	0.049	0.190636	NA	NA
SQ2	Sample_N8	SQ	1B	I	6.105	0	NA	NA	NA	0.003	0.852	-0.02	0.036	-0.01966	NA	NA
SQ2	Sample_N9	SQ	1B	I	10.3733	0	NA	NA	NA	-0.011	NA	0.059	0.023	0.03012	NA	NA

SQ2	Sample_N1 0	SQ	3B	III+	8.06333	0	NA	NA	NA	-0.004	0.151	-0.3	0.069	-0.0645	NA	NA
SQ2	Sample_N1 1	SQ	1B	I	6.68583	0	NA	NA	NA	0.006	NA	-0.3	-0.12	0.325634	NA	NA
SQ2	Sample_N1 2	SQ	2B	II	10.0342	0	NA	NA	NA	0.037	-0.3	0.063	-0.06	0.049238	NA	NA
SQ2	Sample_N1 3	SQ	1B	I	8.345	1	NA	NA	NA	-0.144	NA	0.264	0.177	-0.04365	NA	NA
SQ2	Sample_N1 4	SQ	1A	I	8.29833	0	NA	NA	NA	0.14	-0.56	0.055	0.354	0.080067	NA	NA
SQ2	Sample_N1 5	SQ	1A	I	6.83917	0	NA	NA	NA	0.19	-0.86	0.176	0.029	-0.01679	NA	NA
SQ2	Sample_N1 6	SQ	1B	I	7.745	0	NA	NA	NA	0.185	-0.06	0.244	-0	0.134597	NA	NA
SQ2	Sample_N1 7	SQ	1B	I	13.1283	0	NA	NA	NA	0.203	-0.25	-0.22	-0.07	-0.14612	NA	NA
SQ2	Sample_N1 8	SQ	1A	I	8.23833	0	NA	NA	NA	0.182	0.461	0.378	-0.07	0.027353	NA	NA
SQ2	Sample_N1 9	SQ	1B	I	7.67167	0	NA	NA	NA	-0.008	0.862	0.042	0.066	-0.10602	NA	NA
SQ2	Sample_N2 0	SQ	1B	I	3.8825	1	NA	NA	NA	-0.175	0.509	0.167	0.048	0.060212	NA	NA
SQ2	Sample_N2 1	SQ	1B	I	5.8375	0	NA	NA	NA	0.104	-0.71	0.4	-0.22	-0.26515	NA	NA
SQ2	Sample_N2 2	SQ	1A	I	5.02417	0	NA	NA	NA	-0.115	-0.76	-0.27	-0.04	-0.06655	NA	NA
SQ2	Sample_N2 3	SQ	3B	III+	5.24833	0	NA	NA	NA	0.299	0.971	-0.71	-0.12	-0.11278	NA	NA
SQ2	Sample_N2 4	SQ	1B	I	5.38333	0	NA	NA	NA	-0.1	-1.3	-0.02	0.088	-0.09691	NA	NA
SQ2	Sample_N2 5	SQ	1B	I	3.89583	0	NA	NA	NA	0.13	-2.04	-0.14	-0.07	-0.08164	NA	NA
SQ2	Sample_N2 6	SQ	2A	II	13.4542	0	NA	NA	NA	-0.035	0.101	0.322	-0.08	-0.04549	NA	NA
SQ2	Sample_N2 7	SQ	3A	III+	5.125	1	NA	NA	NA	0.077	-0.32	-0.25	-0.07	-0.06555	NA	NA
SQ2	Sample_N2 8	SQ	2B	II	5.65083	0	NA	NA	NA	0.14	-0.69	0.245	0.018	0.020244	NA	NA
SQ2	Sample_N2 9	SQ	2B	II	6.14917	0	NA	NA	NA	0.125	0.352	0	-0.06	0.008545	NA	NA
SQ2	Sample_N3 0	SQ	2B	II	5.7275	0	NA	NA	NA	0.023	-0.22	-0.04	0.12	0.175576	NA	NA
SQ2	Sample_N3 1	SQ	2B	II	5.2125	0	NA	NA	NA	0.046	-0.99	0.059	0.157	0.012825	NA	NA
SQ2	Sample_N3 2	SQ	3A	III+	4.7	0	NA	NA	NA	0.21	0.902	-0.18	0.078	-0.01264	NA	NA

SQ2	Sample_R1	SQ	2B	II	0.43	1	NA	NA	NA	-0.039	1.003	-0.17	0	-0.27674	NA	NA
SQ2	Sample_R2	SQ	1B	I	1.48417	1	NA	NA	NA	0.214	0.196	0.182	-0.02	-0.19898	NA	NA
SQ2	Sample_R3	SQ	1A	I	4.0275	1	NA	NA	NA	0.103	0.604	-0.13	-0.05	0.059296	NA	NA
SQ2	Sample_R4	SQ	1B	I	1.61	1	NA	NA	NA	-0.054	-0.59	0.179	-0.26	-0.16235	NA	NA
SQ2	Sample_R5	SQ	1A	I	1.6725	1	NA	NA	NA	-0.098	-0.8	-0.12	0.215	-0.09589	NA	NA
SQ2	Sample_R6	SQ	1B	I	2.55417	1	NA	NA	NA	-0.155	4.72	-0.04	0.042	-0.30542	NA	NA
SQ2	Sample_R7	SQ	1B	I	1.31667	1	NA	NA	NA	0.181	-0.37	0.008	0.052	-0.11855	NA	NA
SQ2	Sample_R8	SQ	1B	I	0.79917	1	NA	NA	NA	0.076	-1.08	0.187	0.086	0.071134	NA	NA
SQ2	Sample_R9	SQ	2B	II	0.76083	1	NA	NA	NA	-0.017	1.148	0.396	0.086	0.123135	NA	NA
SQ2	Sample_R10	SQ	2B	II	2.0175	1	NA	NA	NA	-0.186	0.276	0.789	-0.11	-0.05432	NA	NA
SQ2	Sample_R11	SQ	3A	III+	2.2125	1	NA	NA	NA	-0.042	0.011	0.433	-0.04	0.096925	NA	NA
SQ2	Sample_R12	SQ	2B	II	1.85667	1	NA	NA	NA	0.237	-0.63	0.057	0.044	-0.04402	NA	NA
SQ2	Sample_R13	SQ	2B	II	1.38833	1	NA	NA	NA	-0.213	-0.97	0.158	0.047	-0.08769	NA	NA
SQ2	Sample_R14	SQ	2B	II	2.46167	1	NA	NA	NA	0.231	-0.01	0.167	-0.03	0.263372	NA	NA
SQ2	Sample_R15	SQ	2B	II	0.59417	1	NA	NA	NA	-0.038	0.515	0.216	0.153	-0.00754	NA	NA
SQ2	Sample_R16	SQ	2B	II	0.5425	1	NA	NA	NA	-0.172	4.72	-0.23	-0.06	-0.13583	NA	NA
SQ2	Sample_R17	SQ	2B	II	1.73	1	NA	NA	NA	-0.033	0.391	-0.03	0.058	0.071606	NA	NA
SQ2	Sample_R18	SQ	3A	III+	1.845	1	NA	NA	NA	-0.06	-0.14	0.226	-0.04	-0.01465	NA	NA
SQ2	Sample_R19	SQ	3A	III+	1.6675	1	NA	NA	NA	-0.034	-1.05	-0.25	-0.01	-0.25237	NA	NA
SQ2	Sample_S1	SQ	2B	II	1.59583	1	NA	NA	NA	-0.06	-0.23	-0.17	-0.51	0.684999	NA	NA
SQ2	Sample_S2	SQ	2B	II	5.1775	0	NA	NA	NA	-0.139	-0.32	-0.16	-0.6	0.883382	NA	NA
SQ2	Sample_S3	SQ	2B	II	0.63833	1	NA	NA	NA	0.201	-0.51	-0.14	-0.34	0.264022	NA	NA
SQ2	Sample_S4	SQ	2B	II	2.565	1	NA	NA	NA	-0.108	0.65	-0.25	-0.64	1.57778	NA	NA
SQ2	Sample_S5	SQ	2B	II	2.765	1	NA	NA	NA	-0.135	0.024	-0.27	-0.61	0.35091	NA	NA
SQ2	Sample_S6	SQ	4	III+	1.39667	1	NA	NA	NA	-0.031	-0.29	-0.21	-0.65	1.336932	NA	NA
SQ2	Sample_S7	SQ	2A	II	2.57333	1	NA	NA	NA	0.083	-0.27	-0.1	-0.36	0.871311	NA	NA
SQ2	Sample_S8	SQ	1B	I	1.36083	1	NA	NA	NA	-0.355	0.977	0.079	-0.72	1.116645	NA	NA

LuMayo	40430	SQ	1B	I	2.27242	1	NA	NA	NA	-0.116	-0.07	0.007	0.092	0.121905	-0.18	NA
LuMayo	41923	SQ	1A	I	5.02122	0	NA	NA	NA	-0.536	0.551	-0.01	-0.04	-0.61129	-0.56	NA
LuMayo	41932	SQ	1B	I	4.3833	0	NA	NA	NA	1.377	0.008	0.437	0.589	0.98936	-0.25	NA
LuMayo	42081	SQ	1B	I	5.40726	0	NA	NA	NA	0.195	-0.45	0.746	0.406	-1.90906	0.059	NA
LuMayo	42613	SQ	1B	I	1.77413	1	NA	NA	NA	-0.024	-0.66	-0.61	-0.23	1.400512	0.706	NA
LuMayo	42616	SQ	1A	I	5.37714	0	NA	NA	NA	0.039	-0.19	-0.5	-0.34	0.594914	0.359	NA
LuMayo	44656	SQ	1B	I	4.83504	0	NA	NA	NA	-0.23	0.14	0.451	-0.04	0.113992	-0.26	NA
LuMayo	44661	SQ	1B	I	0.74743	1	NA	NA	NA	0.432	-0.52	-0.44	0.544	-0.23019	-0.13	NA
LuMayo	44680	SQ	1A	I	4.50924	0	NA	NA	NA	-0.208	-0.19	0.479	-0.24	0.74732	0.013	NA
LuMayo	44693	SQ	1B	I	1.89733	1	NA	NA	NA	-0.491	-0.01	-0.25	-0.62	1.451466	-0.02	NA
LuMayo	48521	SQ	1B	I	5.07871	0	NA	NA	NA	0.024	0.52	-0.59	0.273	0.466128	-0.01	NA
LuMayo	48536	SQ	1B	I	5.07871	0	NA	NA	NA	0.46	-0.12	0.345	0.662	-0.5179	0.503	NA
LuMayo	48549	SQ	1A	I	4.4271	0	NA	NA	NA	-0.268	0.287	-0.33	-0.33	1.514134	0.058	NA
LuMayo	48556	SQ	1B	I	5.52225	0	NA	NA	NA	0.292	0.149	-0.14	-0.22	-0.70007	0.195	NA
LuMayo	57774	SQ	1A	I	3.38672	1	NA	NA	NA	0.284	0.687	0.189	0.021	-0.68184	0.379	NA
LuMayo	76981	SQ	1B	I	1.80424	1	NA	NA	NA	0.253	0.19	-0.52	0.352	-0.30926	0.178	NA
LuMayo	86011	SQ	1A	I	1.69747	1	NA	NA	NA	-0.326	0.315	0.686	0.442	-0.19706	-0.29	NA
LuMayo	86043	SQ	1A	I	0.87611	1	NA	NA	NA	-0.463	-0.22	0.418	-0.02	-0.11399	-0.31	NA
LuWash U	3196	AD	1B	I	3.37577	0	NA	NA	NA	0.279	0.109	0.989	0.367	-0.21985	0.269	NA
LuWash U	3197	AD	1B	I	3.55647	1	NA	NA	NA	-0.271	-0.47	0.211	-0.1	0.381697	-0.45	NA
LuWash U	3200	AD	1B	I	0.91992	1	NA	NA	NA	0.702	0.285	0.525	0.517	-2.38304	0.424	NA
LuWash U	3202	AD	1B	I	4.96099	0	NA	NA	NA	-0.042	-0.3	-1	0.409	0.585283	0.44	NA
LuWash U	3205	AD	1B	I	3.19233	0	NA	NA	NA	0.532	-0.17	0.222	0.636	-0.37989	0.448	NA
LuWash U	3210	AD	1B	I	1.80151	1	NA	NA	NA	0.48	1.353	-1	0.829	1.759558	0.632	NA
LuWash U	3211	AD	1B	I	5.04312	0	NA	NA	NA	0.465	0.619	0.978	0.649	0.259898	0.823	NA
LuWash U	3213	AD	1B	I	5.45654	0	NA	NA	NA	-0.071	0.264	-0.01	-0.02	-1.67816	-0.02	NA
LuWash U	3218	AD	1B	I	4.95277	0	NA	NA	NA	1.081	1.865	-1	1.636	-0.43249	1.375	NA

LuWash U	3223	AD	1B	I	2.70226	0	NA	NA	NA	0.004	-0.41	-0.93	-0.13	0.389914	-0.18	NA
LuWash U	3226	AD	1B	I	2.20671	1	NA	NA	NA	0.53	1.215	-0.6	0.368	0.245982	0.82	NA
LuWash U	3227	AD	1B	I	2.20671	1	NA	NA	NA	-0.568	-0.43	-0.14	-0.52	1.558145	-0.44	NA
LuWash U	3229	AD	1B	I	0.14784	1	NA	NA	NA	0.095	0.19	-0.78	-0.44	0.124655	-0.04	NA
LuWash U	3230	AD	1B	I	6.23135	0	NA	NA	NA	0.501	1.075	0.119	0.625	1.242203	0.802	NA
LuWash U	3198	SQ	1B	I	2.3436	0	NA	NA	NA	0.544	-0.59	0.968	-0.07	-0.13048	0.171	NA
LuWash U	3199	SQ	1B	I	6.62286	0	NA	NA	NA	-0.254	-0.51	-0.29	-0.72	-0.25085	-0.16	NA
LuWash U	3201	SQ	1B	I	2.26694	0	NA	NA	NA	0.081	-0.11	0.247	0.206	-0.6536	0.251	NA
LuWash U	3203	SQ	1B	I	1.51951	0	NA	NA	NA	-0.192	-0.21	0.007	-0.12	0.571897	-0.06	NA
LuWash U	3204	SQ	1B	I	2.89117	1	NA	NA	NA	-0.435	-0.02	0.269	-0.32	0.496371	-0.23	NA
LuWash U	3206	SQ	1B	I	3.38398	0	NA	NA	NA	-0.038	-0.05	0.319	-0.12	-0.37682	-0.35	NA
LuWash U	3208	SQ	1B	I	5.15537	0	NA	NA	NA	-0.229	-0.04	-0.02	-0.54	1.267476	-0.43	NA
LuWash U	3209	SQ	1B	I	0.92539	0	NA	NA	NA	1.441	0.792	1.315	1.375	2.516684	1.252	NA
LuWash U	3214	SQ	1B	I	0.84052	1	NA	NA	NA	-0.115	0.122	-0.56	-0.29	-1.36801	0.009	NA
LuWash U	3215	SQ	1B	I	1.13621	0	NA	NA	NA	0.037	0.296	-0.61	-0.29	0.600525	-0.31	NA
LuWash U	3216	SQ	1B	I	4.78576	0	NA	NA	NA	-0.169	-1.14	-0.3	0.285	0.64946	-0.01	NA
LuWash U	3217	SQ	1B	I	5.81246	0	NA	NA	NA	0.256	-0	-0.28	0.278	0.402338	0.126	NA
LuWash U	3220	SQ	1B	I	4.51198	0	NA	NA	NA	-0.121	0.005	-0.65	0.022	-0.16376	-0.03	NA
LuWash U	3221	SQ	1B	I	6.40657	0	NA	NA	NA	-0.026	0.874	-0.06	-0.23	-1.12223	-0.19	NA
LuWash U	3224	SQ	1B	I	5.84805	0	NA	NA	NA	-0.211	0.07	-0.32	-0.6	-0.6894	-0.22	NA
LuWash U	3225	SQ	1B	I	3.94798	0	NA	NA	NA	-0.233	0.042	0.507	-0.16	-1.41348	-0.03	NA
LuWash U	3228	SQ	1B	I	4.44627	0	NA	NA	NA	-0.004	-0.08	0.655	0.178	-0.12465	0.123	NA
LuWash U	3231	SQ	1B	I	4.67899	0	NA	NA	NA	-0.343	-0.3	0.807	-0.52	0.804761	-0.45	NA

