

SUPPLEMENTAL FIGURE S1. Taniguchi *et al.*

-70: tacgactcac tatagggaga cccaagctgg ctagcgttta aacttaagct t^{KpnI}ggtagcpgt gcgtccgccc ^{Exon 1}

1: ATGGCCGCCG CCGGCAGCT GTGCTTGCTC TACCTGTCGG CGGGGCTCCT GTCCCGGCTC GGCGCAGCCT
 1: -M--A--A-- A--G--Q--L --C--L--L- -Y--L--S-- A--G--L--L --S--R--L- -G--A--A--

71: TCAACTTGGG CACTCGGGAG GACAACGTGA TCCGAAATA TGGAGACCCG GGGAGCCTCT TCGGCTTCTC
 24: F--N--L--D --T--R--E- -D--N--V-- I--R--K--Y --G--D--P- -G--S--L-- F--G--F--S

Exon 2

141: GCTGGCCATG CACTGGCAAC TGCAGCCCGA GGACAAGCGG CTGTTGCTCG TGGGGGCCCC GCGCGGAGAA
 48: --L--A--M- -H--W--Q-- L--Q--P--E --D--K--R- -L--L--L-- V--G--A--P --R--G--E--

211: GCGCTTCCAC TGCAGAGAGC CAACAGAACG GGAGGGCTGT ACAGCTGCGA CATCACCGCC CGGGGGCCAT
 71: -A--L--P-- L--Q--R--A --N--R--T- -G--G--L-- Y--S--C--D --I--T--A- -R--G--P--

Exon 3

281: GCACGCGGAT CGAGTTTGAT AACGATGCTG ACCCCACGTC AGAAAGCAAG GAAGATCAGT GGATGGGGGT
 94: C--T--R--I --E--F--D- -N--D--A-- D--P--T--S --E--S--K- -E--D--Q-- W--M--G--V

Exon 4

351: CACCGTCCAG AGCCAAGGTC CAGGGGGCAA GGTCTGACA TGTGCTCACC GATATGAAAA AAGGCAGCAT
 118: --T--V--Q- -S--Q--G-- P--G--G--K --V--V--T- -C--A--H-- R--Y--E--K --R--Q--H--

421: GTTAATACGA AGCAGGAATC CCGAGACATC TTTGGGCGGT GTTATGTCCT GAGTCAGAAT CTCAGGATTG
 141: -V--N--T-- K--Q--E--S --R--D--I- -F--G--R-- C--Y--V--L --S--Q--N- -L--R--I--

491: AAGACGATAT GGATGGGGGA GATTGGAGCT TTTGTGATGG GCGATTGAGA GGCCATGAGA AATTTGGCTC
 164: E--D--D--M --D--G--G- -D--W--S-- F--C--D--G --R--L--R- -G--H--E-- K--F--G--S

561: TTGCCAGCAA GGTGTAGCAG CTACTTTTAC TAAAGACTTT CATTACATTG TATTTGGAGC CCCGGGTACT
 188: --C--Q--Q- -G--V--A-- A--T--F--T --K--D--F- -H--Y--I-- V--F--G--A --P--G--T-

Exon 6 (X2-coding region)

631: TATAACTGGA AAGGCCTGCT GTTTTTGACC AGCGTTTCCT ATACAGATCC TGATCAGTTT GTTTATAAAA
 211: -Y--N--W-- K--G--L--L --F--L--T- -S--V--S-- Y--T--D--P --D--Q--F- -V--Y--K--

Exon 7

701: CACGGCCTCC CCGGGAGCAG CCTGACACAT TCCCTGATGT GATGATGAAT AGCTACCTAG GTTTTTCTTT
 234: T--R--P--P --R--E--Q- -P--D--T-- F--P--D--V --M--M--N- -S--Y--L-- G--F--S--L

771: GGACTCAGGG AAAGGTATTG TTTCTAAAGA TGAGATCACT TTTGTATCTG GTGCTCCCAG AGCCAATCAC
 258: --D--S--G- -K--G--I-- V--S--K--D --E--I--T- -F--V--S-- G--A--P--R --A--N--H--

841: AGTGGAGCCG TGGTTTTGCT GAAGAGAGAC ATGAAGTCTG CACATCTCCT CCCTGAGCAC ATATTCGATG
 281: -S--G--A-- V--V--L--L --K--R--D- -M--K--S-- A--H--L--L --P--E--H- -I--F--D--

Exon 8

911: GAGAAGGTCT GGCCTCTTCA TTTGGCTATG ATGTGGCGGT GGTGGACCTC AACAAAGGATG GGTGGCAAGA
 304: G--E--G--L --A--S--S- -F--G--Y-- D--V--A--V --V--D--L- -N--K--D-- G--W--Q--D

AccI

981: TATAGTTATT GGAGCCCCAC AGTATTTTGA TAGAGATGGA GAAGTTGGAG GTGCAGTGTA T^{AccI}GTCTACATG
 328: --I--V--I- -G--A--P-- Q--Y--F--D --R--D--G- -E--V--G-- G--A--V--Y --V--Y--M--

1051: AACCAGCAAG GCAGA
 351: -N--Q--Q-- G--R-

Partial nucleotide and amino acid sequences of the putative human $\alpha 6X2$ integrin subunit. The nucleotide sequence of the putative $\alpha 6X2$ subunit was assembled from the genomic sequence of the human integrin $\alpha 6$ gene, based on information for the exon/intron boundaries of the gene (Ensembl transcript ID: ENST00000375221). The exon boundaries are indicated above the sequence. The nucleotide sequence is numbered from the first ATG sequence in exon 1. The nucleotides on the 5' side of exon 1 represent the vector-derived sequence. Amino acids encoded by the X2 exon (exon 6) are highlighted in *bold letters*. The recognition sequences for the restriction enzymes KpnI and AccI used for construction of the $\alpha 6X2$ integrin expression vector are *boxed*.