

Supplementary Table. Means, standard deviations, and statistics for 39 cortical Brodmann area relative volumes by group, hemisphere, and matter type. Relative size is calculated as the ratio of area of ROI volume/total brain volume multiplied by 100.

BA	Healthy Controls <i>n</i> = 148		Schizotypal patients <i>n</i> = 79		Controls vs. SPDs <i>df</i> = 225		Schizophrenia patients <i>n</i> = 57		Controls vs. Sz pts <i>df</i> = 203		SPDs vs. Sz pts <i>df</i> = 134	
	Mean	SD	Mean	SD	t- value	p	Mean	SD	t- value	p	t- value	p
^a 1L G	1.16	0.17	1.13	0.14	0.91	0.364	1.09	0.14	2.44	* 0.016	1.71	0.089
^a 1L W	0.86	0.16	0.90	0.15	-2.15	* 0.032	0.94	0.20	-3.30	* 0.001	-1.38	0.170
^a 1R G	1.19	0.17	1.13	0.16	2.44	* 0.015	1.14	0.16	2.08	* 0.039	-0.07	0.947
^a 1R W	1.00	0.18	1.03	0.15	-0.88	0.378	1.10	0.18	-3.30	* 0.001	-2.50	* 0.014
4L G	1.34	0.18	1.30	0.14	1.44	0.151	1.25	0.16	3.47	* 0.001	2.28	* 0.024
4L W	1.13	0.21	1.15	0.17	-0.88	0.382	1.27	0.24	-4.25	* 0.000	-3.44	* 0.001
4R G	1.26	0.19	1.21	0.15	2.27	* 0.024	1.17	0.16	3.26	* 0.001	1.32	0.189
4R W	1.25	0.22	1.26	0.17	-0.35	0.727	1.38	0.19	-4.05	* 0.000	-3.93	* 0.000
6L G	1.97	0.23	1.91	0.18	2.04	* 0.043	1.93	0.23	1.15	0.253	-0.55	0.582
6L W	1.61	0.25	1.64	0.25	-0.92	0.358	1.73	0.27	-2.91	* 0.004	-1.85	0.066
6R G	1.83	0.25	1.78	0.17	1.74	0.084	1.77	0.24	1.53	0.127	0.12	0.903
6R W	1.78	0.30	1.78	0.25	-0.02	0.984	1.92	0.24	-3.22	* 0.001	-3.35	* 0.001
7aL G	0.39	0.06	0.38	0.05	0.91	0.362	0.37	0.05	1.70	0.090	0.81	0.421
7aL W	0.28	0.06	0.28	0.04	-0.94	0.349	0.30	0.06	-2.59	* 0.010	-1.83	0.069
7aR G	0.39	0.06	0.38	0.05	1.12	0.266	0.37	0.05	2.04	* 0.043	1.14	0.258
7aR W	0.28	0.06	0.29	0.05	-1.79	0.074	0.31	0.06	-3.10	* 0.002	-1.49	0.138
7bL G	0.86	0.12	0.84	0.11	0.84	0.403	0.81	0.11	2.39	* 0.018	1.56	0.122
7bL W	0.48	0.10	0.48	0.08	-0.06	0.950	0.50	0.09	-1.42	0.157	-1.40	0.165
7bR G	0.86	0.12	0.86	0.11	-0.10	0.919	0.83	0.10	1.89	0.061	1.93	0.056
7bR W	0.42	0.10	0.45	0.10	-2.22	* 0.028	0.45	0.09	-2.13	* 0.034	-0.10	0.923
8L G	0.98	0.15	0.97	0.09	0.69	0.489	0.98	0.12	0.12	0.901	-0.55	0.584
8L W	0.77	0.18	0.75	0.13	0.76	0.445	0.77	0.14	-0.07	0.945	-0.83	0.405
8R G	0.91	0.15	0.90	0.10	0.48	0.631	0.90	0.12	0.43	0.670	0.03	0.980
8R W	0.87	0.18	0.84	0.13	1.31	0.191	0.89	0.15	-0.82	0.414	-2.11	* 0.037
9L G	1.21	0.13	1.19	0.10	1.22	0.223	1.16	0.14	2.35	* 0.020	1.39	0.168
9L W	0.59	0.13	0.60	0.11	-0.07	0.948	0.60	0.13	-0.20	0.841	-0.14	0.888
9R G	1.16	0.14	1.12	0.12	2.21	* 0.028	1.10	0.13	2.82	* 0.005	0.88	0.381
9R W	0.75	0.14	0.73	0.13	0.63	0.529	0.78	0.15	-1.45	0.150	-1.91	0.059
10L G	0.85	0.11	0.87	0.12	-1.55	0.123	0.76	0.13	4.72	* 0.000	5.01	* 0.000
10L W	0.21	0.08	0.24	0.08	-3.18	* 0.002	0.21	0.07	-0.48	0.633	2.23	* 0.028
10R G	0.87	0.11	0.86	0.11	0.45	0.650	0.78	0.12	4.80	* 0.000	3.89	* 0.000
10R W	0.28	0.10	0.30	0.09	-1.46	0.147	0.29	0.09	-0.43	0.666	0.82	0.413
11L G	0.33	0.04	0.32	0.04	1.03	0.306	0.31	0.04	3.25	* 0.001	2.09	* 0.038
11L W	0.25	0.04	0.26	0.05	-1.74	0.083	0.26	0.05	-1.55	0.123	0.00	1.000

11R G	0.32	0.04	0.32	0.04	0.80	0.423	0.30	0.04	3.06	* 0.003	1.93	0.055
11R W	0.29	0.04	0.29	0.05	-1.45	0.147	0.29	0.05	-0.93	0.354	0.32	0.753
12L G	0.25	0.03	0.25	0.03	1.53	0.127	0.24	0.03	3.73	* 0.000	2.27	* 0.025
12L W	0.13	0.02	0.14	0.02	-1.80	0.073	0.15	0.03	-2.88	* 0.004	-1.26	0.209
12R G	0.24	0.03	0.24	0.03	0.66	0.507	0.23	0.03	3.26	* 0.001	2.19	* 0.030
12R W	0.16	0.03	0.17	0.03	-1.93	0.055	0.17	0.03	-1.43	0.154	0.16	0.871
17L G	1.07	0.19	1.07	0.19	-0.28	0.777	0.98	0.22	2.84	* 0.005	2.67	* 0.009
17L W	0.45	0.12	0.47	0.10	-0.76	0.450	0.47	0.12	-1.07	0.287	-0.41	0.684
17R G	1.04	0.20	1.07	0.19	-1.09	0.279	0.93	0.19	3.55	* 0.000	4.22	* 0.000
17R W	0.31	0.10	0.34	0.09	-2.57	* 0.011	0.35	0.11	-2.29	* 0.023	-0.12	0.905
18L G	0.85	0.12	0.85	0.13	-0.03	0.974	0.77	0.14	3.52	* 0.001	3.02	* 0.003
18L W	0.46	0.08	0.47	0.08	-0.87	0.385	0.49	0.08	-1.83	0.069	-0.95	0.346
18R G	0.87	0.13	0.87	0.12	-0.30	0.762	0.78	0.13	4.20	* 0.000	4.04	* 0.000
18R W	0.36	0.07	0.39	0.08	-2.99	* 0.003	0.40	0.09	-3.33	* 0.001	-0.66	0.511
19L G	1.20	0.17	1.19	0.17	0.70	0.484	1.12	0.19	2.93	* 0.004	2.04	* 0.044
19L W	0.67	0.11	0.68	0.09	-0.63	0.529	0.70	0.11	-1.34	0.183	-0.79	0.429
19R G	1.19	0.17	1.20	0.16	-0.54	0.588	1.09	0.17	3.90	* 0.000	4.03	* 0.000
19R W	0.56	0.10	0.60	0.10	-2.94	* 0.004	0.60	0.12	-2.38	* 0.018	0.08	0.939
20L G	0.73	0.11	0.74	0.09	-0.58	0.566	0.68	0.11	3.14	* 0.002	3.48	* 0.001
20L W	0.39	0.07	0.38	0.06	1.46	0.146	0.41	0.09	-1.93	0.056	-2.91	* 0.004
20R G	0.65	0.10	0.66	0.09	-0.53	0.596	0.59	0.11	3.70	* 0.000	3.93	* 0.000
20R W	0.43	0.07	0.45	0.08	-1.58	0.116	0.47	0.09	-3.60	* 0.000	-1.84	0.067
21L G	1.08	0.11	1.01	0.11	4.68	* 0.000	0.99	0.14	5.02	* 0.000	1.03	0.304
21L W	0.39	0.09	0.37	0.08	1.81	0.071	0.40	0.09	-0.68	0.500	-2.11	* 0.037
21R G	0.99	0.11	0.93	0.10	3.58	* 0.000	0.91	0.13	4.25	* 0.000	1.11	0.270
21R W	0.42	0.09	0.43	0.09	-1.08	0.282	0.47	0.10	-3.64	* 0.000	-2.35	* 0.020
22L G	1.09	0.11	1.07	0.10	1.04	0.301	1.00	0.13	4.82	* 0.000	3.64	* 0.000
22L W	0.34	0.08	0.33	0.07	0.75	0.453	0.35	0.10	-1.44	0.152	-1.83	0.069
22R G	0.99	0.11	0.98	0.10	0.80	0.423	0.91	0.13	4.19	* 0.000	3.28	* 0.001
22R W	0.41	0.09	0.44	0.11	-2.44	* 0.015	0.45	0.10	-3.15	* 0.002	-0.71	0.482
23L G	0.20	0.03	0.18	0.03	3.36	* 0.001	0.19	0.03	1.65	0.100	-1.18	0.239
23L W	0.27	0.04	0.28	0.04	-1.49	0.138	0.28	0.04	-0.31	0.760	0.87	0.388
23R G	0.19	0.03	0.17	0.03	3.71	* 0.000	0.18	0.03	1.64	0.103	-1.63	0.106
23R W	0.26	0.04	0.27	0.04	-2.61	* 0.010	0.26	0.04	-0.63	0.528	1.45	0.149
24L G	0.28	0.04	0.26	0.03	2.66	* 0.008	0.27	0.04	1.47	0.143	-0.66	0.509
24L W	0.40	0.05	0.41	0.04	-2.17	* 0.031	0.39	0.06	0.80	0.427	2.36	* 0.020
24R G	0.26	0.04	0.24	0.03	3.64	* 0.000	0.26	0.05	0.24	0.812	-2.71	* 0.008
24R W	0.41	0.05	0.42	0.04	-1.95	0.053	0.41	0.06	0.58	0.564	2.09	* 0.039

25L G	0.17	0.03	0.16	0.02	2.81	* 0.005	0.17	0.03	1.48	0.139	-0.82	0.413
25L W	0.08	0.02	0.08	0.02	0.12	0.907	0.09	0.03	-2.63	* 0.009	-2.66	* 0.009
25R G	0.16	0.03	0.16	0.02	1.15	0.251	0.15	0.03	1.26	0.211	0.29	0.775
25R W	0.10	0.02	0.10	0.02	0.94	0.346	0.11	0.03	-1.94	0.054	-2.64	* 0.009
26L G	0.01	0.00	0.01	0.00	0.20	0.839	0.01	0.00	1.66	0.099	1.29	0.198
26L W	0.01	0.00	0.01	0.00	-0.92	0.358	0.01	0.00	-0.73	0.467	0.06	0.951
26R G	0.01	0.00	0.01	0.00	-0.26	0.797	0.01	0.00	2.38	* 0.018	2.27	* 0.025
26R W	0.01	0.00	0.01	0.00	-2.83	* 0.005	0.01	0.00	-2.17	* 0.031	0.50	0.616
27L G	0.12	0.02	0.12	0.02	1.07	0.286	0.11	0.02	1.59	0.113	0.63	0.529
27L W	0.04	0.01	0.04	0.02	2.35	* 0.020	0.04	0.02	-0.53	0.599	-2.24	* 0.027
27R G	0.12	0.02	0.11	0.02	0.94	0.347	0.11	0.02	3.17	* 0.002	2.24	* 0.027
27R W	0.04	0.02	0.04	0.02	-1.27	0.206	0.05	0.02	-2.06	* 0.040	-0.76	0.449
28L G	0.42	0.05	0.42	0.04	1.28	0.203	0.39	0.06	3.58	* 0.000	2.38	* 0.019
28L W	0.10	0.03	0.10	0.03	1.10	0.274	0.12	0.05	-2.51	* 0.013	-2.96	* 0.004
28R G	0.38	0.05	0.39	0.05	-0.87	0.386	0.35	0.06	3.62	* 0.000	3.62	* 0.000
28R W	0.12	0.03	0.12	0.03	-0.04	0.966	0.14	0.04	-3.57	* 0.000	-2.89	* 0.005
29L G	0.06	0.01	0.06	0.01	-0.56	0.574	0.05	0.01	1.76	0.079	2.02	* 0.046
29L W	0.04	0.01	0.04	0.01	-0.61	0.539	0.04	0.01	-0.02	0.980	0.43	0.670
29R G	0.06	0.01	0.06	0.01	0.91	0.364	0.06	0.01	3.11	* 0.002	2.03	* 0.045
29R W	0.04	0.01	0.04	0.01	-1.47	0.142	0.04	0.01	-0.82	0.415	0.45	0.652
30L G	0.11	0.02	0.11	0.02	-0.59	0.556	0.11	0.02	2.02	0.045	2.54	* 0.012
30L W	0.08	0.02	0.08	0.02	-0.61	0.541	0.08	0.02	0.37	0.712	0.84	0.402
30R G	0.13	0.05	0.12	0.02	1.43	0.153	0.11	0.02	2.20	* 0.029	2.34	* 0.021
30R W	0.08	0.03	0.08	0.02	-1.74	0.083	0.08	0.02	-0.30	0.767	1.34	0.183
31L G	0.43	0.05	0.42	0.04	1.62	0.106	0.42	0.05	2.28	* 0.023	0.82	0.412
31L W	0.33	0.04	0.34	0.05	-1.28	0.203	0.35	0.05	-2.51	* 0.013	-1.15	0.254
31R G	0.44	0.05	0.42	0.05	2.27	* 0.024	0.42	0.04	2.04	* 0.042	-0.03	0.973
31R W	0.31	0.04	0.33	0.05	-2.96	* 0.003	0.33	0.05	-2.29	* 0.023	0.36	0.718
32L G	0.55	0.06	0.54	0.05	0.89	0.373	0.52	0.07	2.99	* 0.003	2.22	* 0.028
32L W	0.29	0.05	0.29	0.05	-1.11	0.267	0.30	0.05	-2.30	* 0.023	-1.18	0.241
32R G	0.51	0.06	0.51	0.05	0.97	0.335	0.50	0.05	2.22	* 0.027	1.47	0.145
32R W	0.33	0.05	0.34	0.04	-1.18	0.241	0.34	0.06	-0.60	0.547	0.37	0.710
34L G	0.03	0.01	0.02	0.01	4.31	* 0.000	0.03	0.01	-0.86	0.393	-4.59	* 0.000
34L W	0.00	0.00	0.00	0.00	1.48	0.139	0.01	0.00	-2.20	* 0.029	-3.07	* 0.003
34R G	0.02	0.01	0.02	0.01	2.92	* 0.004	0.02	0.01	-0.70	0.483	-2.85	* 0.005
34R W	0.01	0.00	0.01	0.00	-0.57	0.567	0.01	0.00	-1.87	0.063	-1.16	0.250
35L G	0.02	0.00	0.02	0.01	1.78	0.076	0.02	0.01	2.87	* 0.005	1.01	0.315
35L W	0.01	0.00	0.01	0.00	0.14	0.889	0.01	0.00	-0.08	0.935	-0.18	0.858

35R G	0.02	0.01	0.02	0.01	-0.01	0.990	0.02	0.00	1.89	0.060	1.67	0.096
35R W	0.01	0.00	0.01	0.00	-1.55	0.124	0.01	0.00	-1.14	0.255	0.21	0.832
36L G	0.62	0.08	0.62	0.07	-0.14	0.893	0.57	0.08	3.69	* 0.000	3.76	* 0.000
36L W	0.26	0.06	0.27	0.06	-0.86	0.389	0.29	0.07	-2.75	* 0.006	-1.77	0.079
36R G	0.58	0.08	0.58	0.07	-0.23	0.815	0.53	0.08	3.72	* 0.000	3.60	* 0.000
36R W	0.31	0.06	0.33	0.06	-2.17	* 0.031	0.34	0.07	-3.03	* 0.003	-0.97	0.334
37L G	0.67	0.08	0.67	0.10	0.38	0.707	0.63	0.09	3.03	* 0.000	2.15	* 0.033
37L W	0.44	0.08	0.42	0.08	2.06	* 0.041	0.44	0.09	0.13	0.900	-1.47	0.145
37R G	0.68	0.08	0.67	0.08	0.94	0.346	0.64	0.09	2.66	* 0.009	1.58	0.117
37R W	0.39	0.07	0.41	0.07	-1.32	0.188	0.43	0.08	-3.03	* 0.003	-1.68	0.095
38L G	0.25	0.06	0.23	0.05	1.96	0.051	0.23	0.06	2.37	* 0.019	0.72	0.474
38L W	0.02	0.02	0.02	0.02	0.68	0.497	0.03	0.03	-3.00	* 0.003	-3.03	* 0.003
38R G	0.23	0.05	0.23	0.04	-0.11	0.916	0.20	0.05	2.92	* 0.004	2.97	* 0.003
38R W	0.02	0.02	0.02	0.02	-0.05	0.958	0.04	0.03	-4.16	* 0.000	-3.26	* 0.001
39L G	0.48	0.06	0.48	0.06	0.51	0.610	0.46	0.06	2.18	* 0.030	1.55	0.123
39L W	0.19	0.04	0.19	0.04	0.42	0.675	0.19	0.05	-0.24	0.807	-0.56	0.574
39R G	0.49	0.06	0.49	0.06	-0.36	0.720	0.46	0.07	2.49	* 0.014	2.59	* 0.011
39R W	0.18	0.04	0.19	0.04	-2.01	* 0.046	0.20	0.05	-2.57	* 0.011	-0.73	0.468
40L G	0.66	0.08	0.64	0.07	1.36	0.175	0.62	0.08	2.53	* 0.012	1.30	0.197
40L W	0.37	0.07	0.37	0.06	-0.22	0.827	0.37	0.08	-0.39	0.696	-0.20	0.838
40R G	0.65	0.09	0.63	0.08	1.57	0.117	0.61	0.09	2.32	* 0.022	0.95	0.343
40R W	0.41	0.07	0.42	0.07	-1.17	0.243	0.43	0.07	-1.76	0.079	-0.64	0.525
41L G	0.13	0.02	0.14	0.02	-1.98	* 0.049	0.13	0.02	1.55	0.123	3.07	* 0.003
41L W	0.07	0.01	0.07	0.01	0.15	0.879	0.07	0.02	-2.11	* 0.036	-1.94	0.054
41R G	0.13	0.02	0.13	0.02	0.06	0.952	0.12	0.02	2.78	* 0.006	2.15	* 0.033
41R W	0.08	0.02	0.08	0.02	-0.86	0.389	0.09	0.02	-2.17	* 0.031	-1.37	0.174
42L G	0.49	0.10	0.50	0.10	-0.58	0.561	0.47	0.10	1.53	0.129	1.87	0.064
42L W	0.46	0.12	0.48	0.11	-1.50	0.135	0.47	0.12	-0.49	0.624	0.76	0.449
42R G	0.53	0.11	0.51	0.11	1.55	0.122	0.51	0.11	1.16	0.249	-0.22	0.829
42R W	0.56	0.13	0.55	0.13	0.32	0.747	0.58	0.13	-1.20	0.233	-1.33	0.185
43L G	0.27	0.04	0.26	0.04	1.19	0.235	0.25	0.03	2.45	* 0.015	1.17	0.244
43L W	0.08	0.02	0.08	0.02	-1.00	0.320	0.09	0.03	-2.78	* 0.006	-1.77	0.079
43R G	0.26	0.04	0.26	0.03	-0.08	0.937	0.25	0.05	1.49	0.138	1.41	0.160
43R W	0.09	0.02	0.09	0.02	-0.36	0.716	0.10	0.03	-3.51	* 0.001	-2.72	* 0.007
44L G	0.33	0.04	0.32	0.03	2.24	* 0.026	0.31	0.04	3.44	* 0.001	1.53	0.129
44L W	0.15	0.04	0.15	0.04	-0.04	0.965	0.17	0.04	-3.05	* 0.003	-2.89	* 0.004
44R G	0.32	0.04	0.30	0.04	2.79	* 0.006	0.30	0.05	3.34	* 0.001	0.90	0.367
44R W	0.16	0.04	0.15	0.04	1.10	0.274	0.18	0.04	-4.07	* 0.000	-4.22	* 0.000

45L G	0.34	0.04	0.34	0.04	1.20	0.232	0.32	0.05	3.34	* 0.001	2.13	* 0.035
45L W	0.32	0.05	0.32	0.05	-0.17	0.868	0.33	0.06	-1.48	0.140	-1.14	0.256
45R G	0.33	0.04	0.32	0.04	1.90	0.059	0.31	0.04	2.93	* 0.004	1.23	0.222
45R W	0.34	0.05	0.34	0.06	0.65	0.518	0.36	0.06	-2.23	* 0.027	-2.36	* 0.019
46L G	0.31	0.03	0.29	0.03	2.55	* 0.011	0.29	0.04	3.05	* 0.003	0.80	0.425
46L W	0.14	0.04	0.15	0.04	-1.95	0.052	0.13	0.04	1.24	0.217	2.60	* 0.010
46R G	0.29	0.04	0.28	0.03	2.42	* 0.016	0.28	0.04	2.89	* 0.004	0.81	0.418
46R W	0.18	0.04	0.18	0.04	0.08	0.935	0.18	0.05	-0.49	0.624	-0.50	0.621
47L G	0.13	0.02	0.13	0.02	1.59	0.112	0.13	0.02	0.88	0.381	-0.44	0.661
47L W	0.19	0.02	0.19	0.03	-0.74	0.463	0.20	0.03	-1.42	0.157	-0.69	0.493
47R G	0.13	0.02	0.12	0.02	2.84	* 0.005	0.12	0.02	2.31	* 0.022	-0.17	0.863
47R W	0.20	0.03	0.20	0.03	-0.21	0.834	0.21	0.03	-1.97	0.051	-1.37	0.172

L=left hemisphere, R=right hemisphere

G=gray matter, W=white matter

^a Brodmann area 1 values are averaged across Brodmann areas 1, 2, 4 and 5.

*p<0.05, 2-tailed t-test