

Table S5. Detailed results for the yeast proteome

ID	Best scoring Cys, position	Active Site Similarity score	Cys Reactivity score	Combined Score
>gi 6319726	75	0.5	1.75	2.25
>gi 6319966	81	0	0	0
>gi 6320720	60	3	1.75	4.75
>gi 6320796	26	0	1.5	1.5
>gi 6321022	36	2.5	1.25	3.75
>gi 14318471	212	0.5	2	2.5
>gi 14318558	122	1.25	2	3.25
>gi 6321631	149	1.25	2	3.25
>gi 6321706	202	0	1.5	1.5
>gi 6322180	106	3	0	3
>gi 6322468	149	0.5	1.5	2
>gi 6322559	89	0	1.25	1.25
>gi 6323613	47	2.75	1	3.75
>gi 6324090	101	0.5	0	0.5
>gi 6324639	103	0	1.5	1.5
>gi 6325168	38	0	0	0
>gi 6325296	120	1.5	2	3.5
>gi 6325330	13	2	1.5	3.5
>gi 6319925	57	3	1.5	4.5
>gi 6320304	193	0.5	0.25	0.75
>gi 6681846	129	1.5	2	3.5
>gi 6321648	33	3.5	2	5.5
>gi 6323072	32	3.5	1.5	5
>gi 6324082	62	0.5	0.5	1
>gi 6324296	213	0	2	2
>gi 6324360	17	0.5	0	0.5
>gi 6325255	102	0	0	0
>gi 6325339	38	0.25	0.25	0.5
>gi 6319498	157	1	1.5	2.5
>gi 6320303	71	2.5	1	3.5
>gi 6320695	55	1	1.5	2.5
>gi 6320917	321	0	2	2
>gi 6320972	776	0	0	0
>gi 6321025	193	0.75	0.25	1
>gi 14318479	284	0	1.25	1.25
>gi 14318481	126	0	0.25	0.25
>gi 6321691	251	0.25	2	2.25
>gi 6321832	643	0.75	0	0.75
>gi 6681848	178	0.75	1.25	2
>gi 6322155	62	1	2	3
>gi 6322811	195	0.25	0.5	0.75

>gi 6322921	79	1	2	3
>gi 6323224	171	1	1	2
>gi 6323383	168	1	1.5	2.5
>gi 6323609	179	0	0	0
>gi 6323703	483	0.25	0.5	0.75
>gi 6324191	405	0.75	1.25	2
>gi 6324275	318	0.5	2	2.5
>gi 6324374	111	1	1	2
>gi 6324648	131	0.75	1	1.75
>gi 6324818	217	0.25	1.5	1.75
>gi 6324899	257	0.75	1.5	2.25
>gi 6324950	323	0.25	2	2.25
>gi 6325237	579	0	0.75	0.75
>gi 6319488	107	2.5	0	2.5
>gi 6320193	135	3.5	0	3.5
>gi 6320661	47	3.5	0.25	3.75
>gi 6320742	137	0	1.5	1.5
>gi 14318475	274	0	1.5	1.5
>gi 14318532	117	0	0	0
>gi 6323396	24	2	2	4
>gi 6323761	122	0	2	2
>gi 6323984	137	0	0	0
>gi 6324975	138	0	0	0
>gi 6319407	90	2.5	0.25	2.75
>gi 6320492	33	3.25	1	4.25
>gi 6320714	530	0	1	1
>gi 6321388	53	1.75	1	2.75
>gi 6322078	139	0	2	2
>gi 6322467	283	1	0.5	1.5
>gi 6322557	154	1	1	2
>gi 6322764	83	0	0.75	0.75
>gi 6323109	229	0	0	0
>gi 6323757	272	0	2	2
>gi 6323962	324	0.5	0	0.5
>gi 6324230	167	0	1	1
>gi 6324356	135	0.25	2	2.25
>gi 6324401	196	0	1.25	1.25
>gi 6324825	258	0	0.75	0.75
>gi 6325169	22	0.5	0	0.5
>gi 6319733	53	0	0	0
>gi 6319971	251	0.5	2	2.5
>gi 6320389	114	0.25	0	0.25
>gi 6320610	434	0	0	0
>gi 6320726	61	3.5	0.25	3.75
>gi 6320881	24	3.5	2	5.5
>gi 6320917	321	0.25	2	2.25

>gi 14318459	90	0	0	0
>gi 14318551	282	0	0	0
>gi 6321643	874	1	1	2
>gi 6322027	168	1.75	0	1.75
>gi 6323138	61	2.5	0.25	2.75
>gi 6323742	99	0	0	0
>gi 6323821	301	0.5	2	2.5
>gi 6323873	88	0	0.5	0.5
>gi 6323995	90	0	0.75	0.75
>gi 6324268	477	1	2	3
>gi 6325196	305	0.25	2	2.25
>gi 6226540	220	0	1.5	1.5
>gi 6319806	406	3.5	0.75	4.25
>gi 6319816	157	2	2	4
>gi 6320560	142	2	1.5	3.5
>gi 6320598	176	1.5	0	1.5
>gi 6320661	48	3	0	3
>gi 6322186	60	3	1	4
>gi 6322228	36	3	0	3
>gi 14318501	65	1	2	3
>gi 6321898	165	1.25	2	3.25
>gi 6321903	225	0	1	1
>gi 6322639	600	1.5	0.25	1.75
>gi 6322826	36	2.5	2	4.5
>gi 6323001	178	0	0	0
>gi 6323505	100	3.25	2	5.25
>gi 6324484	56	3	1.25	4.25
>gi 6325166	61	1	2	3
>gi 6325323	168	0.75	1.25	2
>gi 6319814	26	3	1	4
>gi 6320001	168	0.75	2	2.75
>gi 6324862	61	3.5	1.25	4.75
>gi 6319721	36	3	0	3
>gi 6319522	57	0	0.25	0.25
>gi 6320210	16	0	0	0
>gi 6320228	57	1	1	2
>gi 6320998	77	1	0.5	1.5
>gi 14318550	34	0	0.5	0.5
>gi 7839183	47	0	1.25	1.25
>gi 6323103	53	0	0.5	0.5
>gi 6681849	76	0.25	2	2.25
>gi 6325198	59	0.5	0	0.5
>gi 6320259	94	0	2	2
>gi 6325229	90	0	1	1
>gi 6319741	118	1	1	2

>gi 6320303	71	3	0	3
>gi 6320808	159	1	0	1
>gi 6320869	222	0.5	0.75	1.25
>gi 6322409	149	1.5	2	3.5
>gi 14318463	211	1.5	0.5	2
>gi 14318480	204	0	1.75	1.75
>gi 6323822	301	0.5	0.25	0.75
>gi 6324764	433	1	0	1
>gi 6323730	1	0.25	1	1.25
>gi 6324967	137	0	1.5	1.5
>gi 6323244	143	0	0.25	0.25
>gi 6324070	17	0	2	2
>gi 6320936	736	0.25	1.5	1.75
>gi 6321228	103	1.25	1	2.25
>gi 6322908	175	0	0.25	0.25
>gi 6324175	156	0	0.5	0.5