

| | | | | | | | | | | | | |
|------------------------|------------------------------|----------------------|---------------------------|-----------|--------------|--------------|------------------------------|--------------|----------------------------|---------|------------------------|-----------------------|
| BTA2.tna1251-GlyGCC | - - - GGAACAACACTTACAGGAAAGA | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCGCCACGCGGGA | GGCCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCAATG-TGATGTTTTCCTTTTG- | | | | | |
| BTA3.tna312-GlyTCC | - - GCGGCCGCCCGGGCTGTGTA- | GC GTTGGTGGTATAGTGGT | GAGCATAAGCTGCCTTCCA | AGCAGTTGA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAACGCA | GCGGGCCGACCTTTTGCTGA- | | | |
| BTA3.tna315-GlyTCC | - - GAGGCCGCCCGGGCTGTGTA- | GC GTTGGTGGTATAGTGGT | GAGCATAAGCTGCCTTCCA | AGCAGTTGA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAACGCA | GCGGGCCGACCTTTTGCTGA- | | | |
| BTA3.tna321-GlyTCC | TCGAAA - - - AGTTTGCTAAGCAG | GC GTTGGTGGTATAGTGGT | GAGCATAAGCTGCCTTCCA | AGCAGTTGA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAACGCA | GGGAACTTTTCCCTCTTTC- | | | |
| BTA3.tna327-GlyTCC | - - GAGGCCGCCCGGGCTGTGTA- | GC GTTGGTGGTATAGTGGT | GAGCATAAGCTGCCTTCCA | AGCAGTTGA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAACGCA | GCGGGCCGACCTTTTGCTGA- | | | |
| BTA3.tna719-GlyCCC | - - - AAAATGTTGCTTGTGGCAAA | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTC | CCA | CGTGGGA | GA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | TAGTGCCCAAGTACTTTTCT- | |
| BTA3.tna819-GlyCCC | - - - TGCACCTTCTCTCTATGGTG | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTC | CCA | CGCGGGA | GA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAGTGCA | TTG-TGGTTATGTTTGTTTTG- | |
| BTA3.tna7857-GlyTCC | - AGCGGTTTTTGCTTCTGTGT - - | GC GTTGGTGGTATAGTGGT | GAGCATAAGCTGCCTTCCA | AGCAGTTGA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAACGCA | GT - - GCCTATCTTTTCACTCTGC | | | |
| BTA3.tna7881-GlyCCC | - - - CAAATATGCTCTCTATAGTG | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTC | CCA | CGCAGGA | GA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | TTG-TTGTTGTGTTGGTTTTG- | |
| BTA3.tna8323-GlyGCC | - - - GGGCGGCATTGGCCATCGGT | GCATGGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTG | CCA | CGCGGGA | GG | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CATGCA | GCCGCAGCGTCCCTTTTGG- | |
| BTA3.tna8325-GlyGCC | - - - GAAGCTTTATCACGGAAGTA | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTG | CCA | CGCGGGA | GG | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | TCC-TGCTCTTTTCTTTCAGG- | |
| BTA3.tna8327-GlyGCC | - - - GGGCGGGGTTGGCCATCGGT | GCATGGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTG | CCA | CGCGGGA | GG | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CATGCA | GCCGCAGCGTCCCTTTTGG- | |
| BTA7.tna6956-GlyTCC | AGA AACCCCTCACTTACTGGG- - - | GC GTTGGTGGTATAGTGGT | TAGCATAAGCTGCCTTCCA | AGCAGTTGA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAACGCA | AGGGTTGCTTTTCTTTT- | | | |
| BTA11.tna5955-GlyCCC | - - - GGCAGAACCAGCTTCCGTGA | GCGCCGCTGGTGTAGTGGT | - ATCATGCAAGATTCC | CA | TTCTTGC | GA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | GGC | GCA | CACCGTTTTTGTCCCGCCTT- |
| BTA18.tna15-GlyGCC | - - - AGGAGGAGTGCTCAGCTGGA | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTG | CCA | CGCGGGA | GG | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | GCTCCCTTAACCTTTTGTAC- | |
| BTA18.tna25-GlyGCC | - - - TCAAAAGGGCCTCCGCTGAG | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTG | CCA | CGCGGGA | GG | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | GAAAGCTGACTGTTTCTTT- | |
| BTA18.tna5772-GlyGCC | - - - GTGAACCAAGAGAGCAGCGGA | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTG | CCA | CGCGGGA | GG | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | GGGCTGGTTTTTGGCCTCT- | |
| BTA18.tna5773-GlyGCC | - - - CACAGCTGCTGACAGCTGGA | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTG | CCA | CGCGGGA | GG | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | GAGCAAACATTTTTTTTTT- | |
| BTA19.tna1389-GlyGCC | - - - GGAGATTTCAAGGTACGCTT | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTG | CCA | CGCGGGA | GG | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | TCCGTTGTTTTTTTTTTTTT | |
| BTA19.tna1396-GlyTCC | - - GAATCCCAGTATAATGCG- AA | GC GTTGGTGGTATAGTGGT | GAGCATAAGCTGCCTTCCA | AGCAGTTGA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAACGCA | AGGTTATTTTCTCTTTGCT- | | | |
| BTA23.tna3205-GlyGCC | - - - AGAACGGTGAACCTCGTCGAG | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTG | CCA | CGCGGGA | GG | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | TCAAGATTACGTTTTTCCA- | |
| BTA23.tna3296-GlyGCC | - - - AGCAAAACCAGATGATACAA | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTG | CCA | CGCGGGA | GG | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | AAG-TGTTTTCTGTTTTTCTT- | |
| BTAUn.350.tna16-GlyCCC | - - - CAAATATGCTCTCTATAGTG | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTC | CCA | CGCAGGA | GA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | TTG-TTGTTGTGTTGGTTTTG- | |
| BTAUn.350.tna32-GlyCCC | - - - CAAATATGCTCTCTATAGTG | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTC | CCA | CGCAGGA | GA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | TTG-TTGTTGTGTTTGTTTTG- | |
| BTAUn.415.tna4-GlyCCC | - - - GTCCACCGTAAAAAACCAAG | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTC | CCA | CGCGGGA | GA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | TATGTCTTTTGGTCGGCTCT- | |
| BTAUn.415.tna13-GlyCCC | - - - TGCACCTTCTCTCTATGGTG | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTC | CCA | CGCGGGA | GA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAGTGCA | TTG-TGGTTATGTTTGTTTTG- | |
| BTAUn.415.tna21-GlyCCC | - - - CAAATATGCTCTCTATAGTG | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTC | CCA | CGCAGGA | GA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | TTG-TTGTTGTGTTTGTTTTG- | |
| BTAUn.415.tna27-GlyCCC | - - CAGAACGTCAAACG- AGCGGG | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTC | CCA | CGCGGGA | GA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | TCGTGCTCATGTTACTTTT- | |
| BTAUn.851.tna2-GlyGCC | - - - GGGCGGGGTTGGCCATCGGT | GCATGGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTG | CCA | CGCGGGA | GG | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CATGCA | GCCGCAGCGTCCCTTTTGG- | |
| BTAUn.851.tna17-GlyTCC | - - GCGGCCGCCCGGGCTGTGTA- | GC GTTGGTGGTATAGTGGT | GAGCATAAGCTGCCTTCCA | AGCAGTTGA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAACGCA | GCGGGCCGACCTTTTGCTGA- | | | |
| BTAUn.411.tna10-GlyCCC | - - - CAAATATGCTCTCTATAGTG | GCATTGGTGGTTCAGTGGT | - AGAATTCTCGCCTC | CCA | CGCAGGA | GA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAATGCA | TTG-TTGTTGTGTTTGTTTTG- | |
| BTAUn.5294.tna1-GlyTCC | TCGAAA - - - AGTTTGCTAAGCAG | GC GTTGGTGGTATAGTGGT | GAGCATAAGCTGCCTTCCA | AGCAGTTGA | CCC | GGGTTTCGATTC | CCCGGC | CAACGCA | GGGAACTTTTCCCTCTTTC- | | | |

