

Table S2-1. PAI1-correlated genes. Genes whose expression was correlated with that of PAI1 at an FDR-adjusted $p < 0.0001$ are ranked by Pearson correlation (r) in this and the following continuation tables. Only genes that met this conservative cutoff are listed. Thus the smaller UCSF set had fewer correlated genes. The 32 genes that were correlated in all three datasets are highlighted in gray, and those that were among the top 40 correlated genes in all three datasets are shaded and linked by color.

UCSF dataset			van de Vijver dataset			Miller dataset		
Rank	Symbol	r	Rank	Symbol	r	Rank	Symbol	r
1	CTGF	0.68	1	SLC2A3	0.57	1	CTGF	0.66
2	<i>KLF6</i>	0.64	2	CYR61	0.53	2	SLC2A3	0.59
3	<i>DUSP1</i>	0.61	3	<i>PLAU</i>	0.50	3	<i>ANGPTL2</i>	0.54
4	<i>ANGPTL2</i>	0.58	4	<i>HBEGF</i>	0.50	4	<i>CDH11</i>	0.53
5	<i>MIG2</i>	0.58	5	<i>CNK</i>	0.50	5	<i>EMP1</i>	0.53
6	<i>EMP1</i>	0.58	6	<i>RGS16</i>	0.49	6	<i>MIG2</i>	0.53
7	<i>GADD45B</i>	0.56	7	<i>ITGA5</i>	0.48	7	CYR61	0.52
8	<i>SEC23A</i>	0.56	8	<i>TUBB6</i>	0.46	8	<i>DOC1</i>	0.51
9	SLC2A3	0.54	9	CTGF	0.45	9	<i>NNMT</i>	0.51
10	<i>KLF9</i>	0.53	10	<i>INHBA</i>	0.45	10	GREM1	0.51
11	<i>DOC1</i>	0.53	11	<i>Contig4595</i>	0.44	11	<i>GFPT2</i>	0.51
12	<i>PMX1</i>	0.53	12	<i>NR4A1</i>	0.44	12	LAMB1	0.50
13	CYR61	0.53	13	<i>PGAR</i>	0.43	13	<i>GEM</i>	0.50
14	<i>DLC1</i>	0.53	14	<i>SLC39A14</i>	0.43	14	<i>TNFAIP6</i>	0.50
15	<i>THBS1</i>	0.53	15	<i>C4ST</i>	0.43	15	<i>KLF6</i>	0.49
16	<i>GABARAPL1</i>	0.52	16	<i>VEGFC</i>	0.43	16	<i>SEC23A</i>	0.49
17	<i>ZFP36</i>	0.52	17	<i>FN1</i>	0.43	17	<i>PRRX1</i>	0.49
18	<i>CALD1</i>	0.51	18	<i>MMP14</i>	0.43	18	<i>NOX4</i>	0.48
19	<i>ID3</i>	0.51	19	<i>NNMT</i>	0.42	19	CSPG2	0.48
20	<i>C5R1</i>	0.51	20	<i>GADD45B</i>	0.42	20	<i>TIMP3</i>	0.48
21	<i>SPRY1</i>	0.51	21	GREM1	0.42	21	FN1	0.47
22	GREM1	0.50	22	<i>CTSL</i>	0.42	22	JUNB	0.46
23	<i>NID</i>	0.50	23	<i>PLAUR</i>	0.42	23	<i>FBN1</i>	0.46
24	<i>F2R</i>	0.50	24	<i>ZFP36</i>	0.42	24	<i>COL4A1</i>	0.46
25	<i>FSTL1</i>	0.50	25	<i>IRC1</i>	0.41	25	<i>FOXO1A</i>	0.46
26	<i>SSI-3</i>	0.50	26	ANGPT2	0.41	26	<i>NID</i>	0.46
27	<i>DCN</i>	0.50	27	<i>Contig47297</i>	0.40	27	<i>ID3</i>	0.46
28	LOX	0.49	28	<i>ADM</i>	0.40	28	<i>SERPINH1</i>	0.45
29	<i>MYO1E</i>	0.49	29	<i>LAMA4</i>	0.40	29	<i>SULF1</i>	0.45
30	TIEG	0.49	30	<i>Contig375</i>	0.40	30	DACT1	0.45
31	<i>TPM4</i>	0.49	31	IL6	0.40	31	<i>PLS3</i>	0.45
32	<i>EGR2</i>	0.49	32	<i>LATS2</i>	0.40	32	<i>GPR116</i>	0.45
33	<i>GAS1</i>	0.49	33	<i>TGFBI</i>	0.40	33	<i>COL5A2</i>	0.45
34	<i>FAP</i>	0.49	34	<i>NT5</i>	0.40	34	PDGFRB	0.45
35	<i>COL1A1</i>	0.49	35	<i>KIAA1199</i>	0.40	35	<i>DLC1</i>	0.45
36	LAMB1	0.49	36	<i>HMOX1</i>	0.39	36	<i>LRRC32</i>	0.45
37	JUNB	0.48	37	<i>BMP1</i>	0.39	37	<i>TUBB6</i>	0.45
38	ANGPT2	0.48	38	<i>MYO1C</i>	0.39	38	<i>FAP</i>	0.45
39	FN1	0.48	39	<i>MAP4K4</i>	0.39	39	<i>VIM</i>	0.44
40	CSPG2	0.48	40	<i>MGC14376</i>	0.39	40	<i>CRISPLD2</i>	0.44
41	<i>VIM</i>	0.48	41	<i>ITGA1</i>	0.39	41	LOX	0.44
42	<i>PTRF</i>	0.48	42	<i>CTSB</i>	0.38	42	<i>AKAP12</i>	0.44
43	<i>SGK</i>	0.48	43	<i>FLJ20245</i>	0.38	43	<i>LAMC1</i>	0.44
44	<i>PLAU</i>	0.48	44	<i>NID2</i>	0.38	44	<i>COMP</i>	0.44
45	<i>KLF4</i>	0.47	45	<i>Contig2446</i>	0.38	45	<i>COL4A2</i>	0.43
46	<i>NT5E</i>	0.47	46	ANGPTL2	0.38	46	<i>GADD45B</i>	0.43
47	<i>GLT8D2</i>	0.47	47	<i>GADD34</i>	0.38	47	<i>RBMS1</i>	0.43
48	<i>TWIST</i>	0.47	48	<i>LIMS1</i>	0.38	48	TIEG	0.43
49	DACT1	0.46	49	<i>RAI14</i>	0.37	49	<i>THBS2</i>	0.43
50	<i>INHBA</i>	0.46	50	<i>GPR4</i>	0.37	50	ZFP36	0.43
51	<i>SDS</i>	0.46	51	<i>AF007150</i>	0.37	51	<i>SFRP4</i>	0.43
52	ATF3	0.46	52	<i>LOXL2</i>	0.37	52	<i>INHBA</i>	0.43
53	<i>IL6</i>	0.46	53	<i>HNT</i>	0.37	53	<i>ADAMTS1</i>	0.42
54	<i>CALU</i>	0.46	54	<i>HEG1</i>	0.37	54	<i>CTSK</i>	0.42
55	<i>TIMP3</i>	0.46	55	<i>ATF3</i>	0.37	55	IGFBP7	0.42
56	IGFBP7	0.45	56	<i>EPIM</i>	0.37	56	<i>ZFPM2</i>	0.42
57	<i>AMOTL2</i>	0.45	57	<i>ADAMTS7</i>	0.37	57	<i>HSPG2</i>	0.42
58	<i>DFNA5</i>	0.45	58	<i>SAMD4A</i>	0.37	58	<i>IL6</i>	0.42
59	PDGFRB	0.45	59	<i>Contig54290</i>	-0.37	59	<i>EMLIN1</i>	0.42
60	<i>PLAUR</i>	0.45	60	<i>Contig38866</i>	0.37	60	EGR2	0.42
61	<i>CDH11</i>	0.44	61	<i>Contig44759</i>	0.37	61	ANGPT2	0.42
			62	<i>SLC16A3</i>	0.37	62	<i>FSTL1</i>	0.42
			63	<i>Contig53848</i>	0.36	63	<i>FBLN2</i>	0.42
			64	<i>SLC1A3</i>	0.36	64	DUSP1	0.42
			65	<i>SREC</i>	0.36	65	<i>HBEGF</i>	0.41

Table S2-2. PAI1-correlated genes.

van de Vijver dataset			Miller dataset		
Rank	Symbol	r	Rank	Symbol	r
66	LAMB1	0.36	66	LRP1	0.41
67	COL4A2	0.35	67	NT5E	0.41
68	PER1	0.35	68	SERPINF1	0.41
69	ITGB1	0.35	69	MXRA7	0.41
70	TNFSF4	0.35	70	RGS16	0.41
71	Contig51456	0.35	71	COL6A2	0.41
72	ADAM12	0.35	72	MMP19	0.41
73	ETS1	0.35	73	BGN	0.41
74	HS3ST3A1	0.34	74	TCF8	0.41
75	LIF	0.34	75	BAG2	0.41
76	DAF	0.34	76	TAGLN	0.41
77	Contig20562	0.34	77	COL6A3	0.41
78	C21orf25	0.34	78	RAB23	0.41
79	Contig54142	0.34	79	DEPP	0.41
80	SRPUL	0.34	80	DCN	0.40
81	SERPINH1	0.34	81	SRPX	0.40
82	AKAP2	0.34	82	LOXL1	0.40
83	MMP11	0.34	83	DPYSL3	0.40
84	ADCY7	0.34	84	COL5A1	0.40
85	Contig55351	0.34	85	ETS2	0.40
86	GIT1	0.34	86	ITGAV	0.40
87	SEMA6B	0.34	87	CFH	0.40
88	CHFR	0.34	88	ELK3	0.40
89	ATP5G2	-0.34	89	PELO	0.40
90	SART-2	0.34	90	LTBP2	0.40
91	MAFF	0.34	91	NID2	0.40
92	COL5A3	0.34	92	COL3A1	0.40
93	Contig50101	0.34	93	GLIPR1	0.40
94	COL5A2	0.34	94	THBD	0.40
95	COL15A1	0.34	95	MYL9	0.39
96	CD163	0.33	96	SMAD7	0.39
97	Contig48021	0.33	97	SPON1	0.39
98	G2	0.33	98	SPON2	0.39
99	COL6A3	0.33	99	GPR124	0.39
100	MERTK	0.33	100	C1S	0.39
101	PDGFRB	0.33	101	CALCRL	0.39
102	ANTXR1	0.33	102	AEBP1	0.39
103	TNNC1	-0.33	103	MYH9	0.39
104	GNPMB	0.33	104	ISLR	0.39
105	MYH9	0.33	105	COL10A1	0.39
106	MIG2	0.33	106	F2R	0.39
107	SULF1	0.33	107	TPST1	0.39
108	THBS1	0.33	108	LUM	0.38
109	WNT2	0.33	109	RGS4	0.38
110	CALU	0.33	110	EFEMP2	0.38
111	KIAA1462	0.33	111	OLFML2B	0.38
112	NOX4	0.32	112	FHL1	0.38
113	FCGR2A	0.32	113	PKD2	0.38
114	Contig56169	0.32	114	LHFP	0.38
115	Contig56099	0.32	115	ACVR1	0.38
116	Contig52398	0.32	116	CAV2	0.38
117	IL8	0.32	117	CAV1	0.38
118	FEZ1	0.32	118	C1R	0.37
119	COL8A1	0.32	119	MMP14	0.37
120	ARPC1B	0.32	120	PRSS11	0.37
121	Contig57270	0.32	121	SPOCK	0.37
122	CDH13	0.32	122	CALD1	0.37
123	LTBP2	0.32	123	FKBP14	0.37
124	COL18A1	0.32	124	CMKOR1	0.37
125	DACT1	0.32	125	COL15A1	0.37
126	LPAAT-delta	0.32	126	SERPINF1	0.37
127	GPR118	0.32	127	RGC32	0.37
128	NDEL1	0.32	128	ADAM12	0.37
129	Contig60191	0.32	129	GPX3	0.37
130	Contig45419	0.32	130	ATF3	0.37
131	Contig57258	0.32	131	SGK	0.37
132	DYSF	0.32	132	TMEM43	0.37
133	ST7	0.32	133	IGFBP3	0.37
134	MAGP2	0.32	134	PPIC	0.37
135	HOM-TES-103	0.32	135	PTRF	0.37
136	Contig51797	0.32	136	PLN	0.37
137	Contig2099	0.32	137	CH25H	0.37
138	ID3	0.32	138	PECAM1	0.37
139	THBD	0.31	139	ANXA5	0.37

Table S2-3. PAI1-correlated genes.

van de Vijver dataset			Miller dataset		
Rank	Symbol	r	Rank	Symbol	r
140	ODZ4	0.31	140	GNG11	0.37
141	NY-REN-58	0.31	141	CD99	0.37
142	BTN2A1	0.31	142	ATP10D	0.36
143	NDRG1	0.31	143	CCL2	0.36
144	Contig24326	0.31	144	CLP24	0.36
145	ZNF537	0.31	145	SART2	0.36
146	KCNJ15	0.31	146	HAS2	0.36
147	D2S448	0.31	147	POSTN	0.36
148	KIAA0709	0.31	148	THY1	0.36
149	LOX	0.31	149	LNK	0.36
150	Contig42459	0.31	150	BMP1	0.36
151	ADAM8	0.31	151	HOP	0.36
152	ADAMTS2	0.31	152	ANGPTL4	0.36
153	OVOL2	-0.31	153	FAH	0.36
154	GROS1	0.31	154	LMCD1	0.36
155	Contig41597	0.31	155	TPM4	0.36
156	GBE1	0.31	156	TCF4	0.36
157	P4HA2	0.31	157	PROS1	0.36
158	CAV2	0.31	158	SPARC	0.36
159	AKAP13	0.31	159	PTPRG	0.36
160	THBS2	0.31	160	PCOLCE	0.36
161	LHFPL2	0.31	161	COL1A2	0.36
162	SERPINH2	0.31	162	CLEC2B	0.36
163	TNFAIP3	0.31	163	PDGFC	0.36
164	RGS2	0.31	164	PLAU	0.35
165	RGS3	0.31	165	DERP13	0.35
166	GEM	0.31	166	MGC11271	-0.35
167	Contig57222	0.31	167	MFAP5	0.35
168	TIEG	0.31	168	CLIC4	0.35
169	C1S	0.31	169	EPB41L2	0.35
170	FMO1	0.31	170	DPT	0.35
171	ARL7	0.31	171	FRAG1	-0.35
172	MCAM	0.31	172	AXL	0.35
173	RAB6IP1	0.31	173	FBLN5	0.35
174	SCYA2	0.31	174	CYP26B1	0.35
175	FLJ20371	0.31	175	SERPINE2	0.35
176	PIM1	0.31	176	FLNA	0.35
177	Contig20550	-0.31	177	PDGFRL	0.35
178	OLFML2B	0.31	178	YIPF5	0.35
179	ADFP	0.30	179	CALU	0.35
180	HAS1	0.30	180	GNPMB	0.35
181	HU-K5	0.30	181	SSB1	0.35
182	C1R	0.30	182	NDN	0.35
183	SLC18A3	0.30	183	PLAUR	0.35
184	Contig2263	0.30	184	MYO1D	0.34
185	SGK	0.30	185	PPARG	0.34
186	SERPINF1	0.30	186	SLC39A14	0.34
187	Contig2647	0.30	187	KLF2	0.34
188	Contig49445	0.30	188	NR4A3	0.34
189	SCYA3	0.30	189	NINJ2	0.34
190	HLX1	0.30	190	HSD17B6	0.34
191	NID	0.30	191	SMTN	0.34
192	Contig6382	0.30	192	MFAP2	0.34
193	Contig40552	0.30	193	TENS1	0.34
194	SPP1	0.30	194	ELTD1	0.34
195	C2orf12	0.30	195	COL18A1	0.34
196	NS1-BP	0.30	196	ACTN1	0.34
197	Contig56350	0.30	197	CD248	0.34
198	STK10	0.30	198	MXRA8	0.34
199	SCYA4	0.30	199	COL1A1	0.34
200	Contig44708	0.30	200	PGCP	0.34
201	Contig27055	0.30	201	MCL1	0.34
202	PLD1	0.30	202	MMP2	0.34
203	Contig32213	0.30	203	F13A1	0.34
204	CCR1	0.30	204	SYBL1	0.34
205	CSPG2	0.30	205	WFDC1	0.34
206	TLR2	0.30	206	SVEP1	0.34
207	ZNF20	-0.30	207	SPRY1	0.34
208	MYCBP	-0.30	208	WISP2	0.34
209	TPM4	0.30	209	VEGFC	0.34
210	Contig43759	0.30	210	LDB2	0.34
211	Contig753	-0.30	211	LHFPL2	0.34
212	Contig33750	0.30	212	TGFBFR2	0.34
213	AEBP1	0.30	213	GILP	0.34

Table S2-4. PAI1-correlated genes.

van de Vijver dataset			Miller dataset		
Rank	Symbol	r	Rank	Symbol	r
214	SLC21A9	0.30	214	MMP3	0.34
215	SLC39A13	0.30	215	DDR2	0.34
216	KIAA0350	0.30	216	GLT8D2	0.34
217	EPB41L2	0.30	217	OLFML1	0.34
218	DUSP1	0.30	218	ENPEP	0.34
219	PRRG2	-0.30	219	OFD1	-0.34
220	Contig65401	0.30	220	MAFF	0.33
221	SLC36A1	0.30	221	PDLIM2	0.33
222	FLJ10157	0.30	222	ANXA1	0.33
223	CEP135	0.30	223	TGFB111	0.33
224	DAB2	0.29	224	NRP1	0.33
225	RBMS1	0.29	225	PRRG1	0.33
226	MMP2	0.29	226	GUCY1B3	0.33
227	LOC51695	0.29	227	EDNRA	0.33
228	TMEM2	0.29	228	ITGA5	0.33
229	Contig56023	0.29	229	FAS	0.33
230	KIAA1324	-0.29	230	KDELCL1	0.33
231	FLJ11259	0.29	231	SPARCL1	0.33
232	LAMC1	0.29	232	MGC14376	0.33
233	CRBN	-0.29	233	HEG1	0.33
234	Contig14544	0.29	234	AES	-0.33
235	IBSP	0.29	235	SCAP2	0.33
236	MTHFD1L	0.29	236	GSN	0.33
237	EPHA2	0.29	237	CSRP2	0.33
238	HSPC049	0.29	238	SELE	0.33
239	ERBB3	-0.29	239	SPHK1	0.33
240	GATA3	-0.29	240	TNS1	0.33
241	Contig4574	-0.29	241	COL8A2	0.33
242	TIMP1	0.29	242	THBS1	0.33
243	CBR1	0.29	243	PLXNC1	0.32
244	Contig48167	0.29	244	LY96	0.32
245	QDPR	-0.28	245	DNAJB4	0.32
246	Contig4825	0.28	246	HTR2B	0.32
247	Contig38580	-0.28	247	SNF1LK	0.32
248	Contig60194	0.28	248	PMP22	0.32
249	SMAD7	0.28	249	SULT1A2	-0.32
250	EGR2	0.28	250	ASPN	0.32
251	BASP1	0.28	251	FLJ20701	0.32
252	MSN	0.28	252	PSCD1	0.32
253	HCK	0.28	253	EMP3	0.32
254	Contig52095	0.28	254	CTSL	0.32
255	SCHIP-1	0.28	255	NAP1L3	0.32
256	Contig51163	0.28	256	CDH5	0.32
257	Contig35035	0.28	257	IBRDC3	0.32
258	ADAM19	0.28	258	COL6A1	0.32
259	TCF8	0.28	259	WBSCR20C	-0.32
260	Contig56501	0.28	260	GALNACT-2	0.32
261	JUNB	0.28	261	PXDN	0.32
262	MYB	-0.28	262	TMEM22	0.32
263	KIAA0477	0.28	263	DSCR1L1	0.32
264	CXCR4	0.28	264	MMP13	0.32
265	IGFBP7	0.28	265	TRAM2	0.32
266	FACL4	0.28	266	FABP5	0.31
267	SLA	0.28	267	LMNA	0.31
268	ZNF14	-0.28	268	MMP11	0.31
269	Contig49330	0.28	269	NRBF2	0.31
270	CALD1	0.28	270	SYNPO	0.31
271	Contig41887	-0.28	271	IL15RA	0.31
272	SRF	0.28	272	EMCN	0.31

Table S2-5. PAI1-correlated genes.

Miller dataset		
Rank	Symbol	r
273	GULP1	0.31
274	MXRA5	0.31
275	S100A10	0.31
276	RAI14	0.31
277	FKBP9	0.31
278	PTGS2	0.31
279	PDPN	0.31
280	GADD45A	0.31
281	NR3C1	0.31
282	RGS2	0.31
283	FOS	0.31
284	OLFML3	0.31
285	MFAP4	0.31
286	EPAS1	0.31
287	PDCD6	-0.31
288	RAB32	0.31
289	KCTD12	0.31
290	MAN1A1	0.31
291	TNFRSF1A	0.31
292	PPAP2A	0.31
293	HCG8	-0.31
294	CCHCR1	-0.30
295	FLJ14054	0.30
296	EDG1	0.30
297	TMEM49	0.30
298	ADFP	0.30
299	RARRES2	0.30
300	NBL1	0.30
301	TNS	0.30
302	CHN1	0.30
303	CORO1C	0.30
304	PTGIS	0.30
305	WBP5	0.30
306	FOSB	0.30
307	PTPRM	0.30
308	MMRN2	0.30
309	RIN2	0.30
310	PARP6	-0.30
311	KLF9	0.30
312	PALM2-AKAP2	0.30
313	LTBP1	0.30
314	PP1201	0.30
315	PRG1	0.30
316	FLJ10357	0.30
317	SULT1A1	-0.30
318	PALLD	0.30
319	COPZ2	0.30
320	BACE1	0.30
321	C4ST/CHST11	0.30
322	LBH	0.30
323	FLJ12700	-0.30
324	TIE1	0.30
325	CYP1B1	0.30
326	KLF4	0.29
327	SOCS5	0.29
328	JUN	0.29
329	PICALM	0.29
330	MAP4K4	0.29
331	ADAMTS2	0.29