

Supplementary table 1. Private set of genes regulated in lungs of FVB and macIL-10^{tg} before and after infection with *Mtb*^a

Probe set no.	Gene symbol	0		25		42		max-min ₅₀ , max/min ₂ , q geno 0.05 (order)	Subcluster
		FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}		
1419720_at	Gp9	74	128	51	119	45	67	1	A
1422977_at	Gp1bb	75	204	36	167	19	73	2	A
1418480_at	Cxcl7	639	1490	361	1483	151	512	3	A
1448995_at	Cxcl4	595	1034	413	1073	340	561	4	A
1425784_a_at	Olfm1	283	363	260	390	193	302	5	A
1422352_at	Mcpt1	10	79	7	84	8	55	6	A
1424832_at	4732429D16Rik	121	262	124	234	111	151	7	A
1426175_a_at	Mcpt7	17	66	19	75	17	33	8	A
1421734_at	Ii8rb	100	197	73	83	71	157	9	A
1422868_s_at	Gda	49	147	28	74	30	74	10	A
1421694_a_at	Cspg2	37	422	22	70	17	93	11	A
1427256_at	Cspg2	47	365	29	103	17	72	12	A
1418809_at	Pira1	31	161	36	110	31	129	13	A
1450291_s_at	Ms4a4c	75	807	244	419	238	478	14	A
1417758_at	Itga2b	141	185	74	117	66	92	15	A
1422699_at	Alox12	65	114	26	59	26	49	16	A
1426604_at	Rnasel	128	189	88	121	90	120	17	A
1423805_at	Dab2	184	208	77	182	89	156	18	A
1449254_at	Spp1	3281	3751	1462	3153	1775	3672	19	A
1425503_at	Gcnt2	493	507	193	324	167	440	20	A
1427630_x_at	Ceacam1	307	336	194	189	164	318	21	A
1422123_s_at	Ceacam1/Ceacam2	518	590	323	319	279	496	22	A
1450494_x_at	Ceacam1	350	386	207	200	170	327	23	A
1425538_x_at	Ceacam1	446	469	248	236	218	504	24	A
1452532_x_at	Ceacam1	95	119	67	66	56	123	25	A
1419599_s_at	Ms4a11	220	1375	660	1121	628	1551	26	B
1422013_at	Clec4a2	97	375	184	371	193	375	27	B
1424302_at	Pirb	95	434	168	430	156	484	28	B
1419494_a_at	Tpd52	387	819	572	864	573	1124	29	B
1419598_at	Ms4a6d	75	540	279	524	289	718	30	B

Probe set no.	Gene name	0		25		42		max-min ₅₀ , max/min ₂ , q geno 0.05 (order)	Subcluster
		FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}		
1420394_s_at	Gp49a/Lilrb4	864	2286	1355	2012	1444	3622	31	B
1425065_at	Oas2	54	187	163	186	126	296	32	B
1460283_at	Mefv	39	172	116	145	92	236	33	B
1419282_at	Ccl12	24	111	165	720	250	576	34	B
1419483_at	C3ar1	33	67	54	237	67	194	35	B
1419482_at	C3ar1	29	76	118	356	135	363	36	B
1424727_at	Ccr5	52	327	317	894	365	919	37	B
1419684_at	Ccl8	74	1628	2017	4704	2388	3991	38	B
1452067_at	Asahl	413	730	801	1247	764	1081	39	B
1452068_at	Asahl	177	232	261	392	234	352	40	B
1424265_at	Npl	193	436	326	874	435	1049	41	B
1425133_s_at	Rab3il1	44	73	66	120	69	147	42	B
1448558_a_at	Pla2g4a	166	214	218	329	202	359	43	B
1415871_at	Tgfbi	367	1353	1129	1775	910	2741	44	B
1417876_at	Fcgr1	44	313	278	476	242	783	45	B
1419526_at	Fgr	78	164	150	227	152	302	46	B
1448123_s_at	Tgfbi	734	2577	2082	3006	1669	4344	47	B
1437463_x_at	Tgfbi	298	863	744	1065	692	1500	48	B
1456250_x_at	Tgfbi	448	1409	1187	1744	1059	2501	49	B
1448061_at	Msr1	56	297	183	370	217	530	50	B
1451716_at	Mafb	59	191	108	242	145	336	51	B
1426120_a_at	Cd244	50	87	76	123	54	110	52	B
1449991_at	Cd244	23	59	26	82	18	83	53	B
1455106_a_at	Ckb	216	178	185	271	141	285	54	B
1417172_at	Ube2l6	65	125	167	166	163	267	55	B
1418133_at	Bcl3	93	150	235	227	205	383	56	B
1418718_at	Cxcl16	385	514	1381	1323	1384	2408	57	B
1449195_s_at	Cxcl16	214	299	759	745	731	1484	58	B
1419209_at	Cxcl1	23	63	286	271	317	768	59	B
1438855_x_at	Tnfaip2	363	541	1576	1263	1695	3533	60	B
1435872_at	---	210	281	422	390	465	742	61	B
1417916_a_at	Fxc1 / 8030491N06Rik	626	795	1005	1064	1024	1491	62	B

Probe set no.	Gene name	0		25		42		max-min ₅₀ , max/min ₂ , q geno 0.05 (order)	Subcluster
		FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}		
1454771_at	---	47	81	107	124	121	183	63	B
1428572_at	Basp1	234	343	925	1260	1126	2276	64	B
1435335_a_at	MGC79224	162	202	267	301	338	469	65	B
1421947_at	Gng12	225	296	353	334	405	802	66	B
1449363_at	Atf3	74	132	255	204	225	568	67	B
1419725_at	Slc26a4	32	37	242	259	235	690	68	B
1436416_x_at	Fxc1	349	418	479	501	490	743	69	B
1448887_x_at	Fxc1	246	301	357	390	367	574	70	B
1448232_x_at	Tuba6	52	58	67	77	75	116	71	B
1417068_a_at	Ptpn1	530	793	735	984	954	1480	72	B
1448239_at	Hmox1	193	346	320	463	479	947	73	B
1417492_at	Ctsb	184	264	295	446	423	679	74	B
1433741_at	Cd38	301	416	418	694	641	1128	75	B
1450882_s_at	Tm7sf1	153	185	169	247	223	320	76	B
1417490_at	Ctsb	2895	3837	3843	5228	4489	6144	77	B
1423569_at	Gatm	100	213	311	553	367	781	78	B
1425214_at	P2ry6	168	259	294	411	308	505	79	B
1417483_at	Nfkbiz	166	247	314	411	340	579	80	B
1450697_at	Slc30a7	111	137	157	188	161	232	81	B
1417290_at	Lrg1	674	1010	778	1231	1006	1780	82	B
1451715_at	Mafb	15	37	27	49	38	89	83	B
1422062_at	Msr1	70	341	277	500	337	860	84	B
1425434_a_at	Msr1	45	156	138	229	163	399	85	B
1449976_a_at	Gpr35	27	90	81	120	77	217	86	B
1417779_at	2310079N02Rik	81	121	108	202	140	294	87	B
1448883_at	Lgmn	475	715	619	1170	723	1547	88	B
1435476_a_at	Fcgr2b	204	550	490	957	595	1536	89	B
1451941_a_at	Fcgr2b	103	479	458	947	577	1537	90	B
1435477_s_at	Fcgr2b	250	1055	797	1663	1077	2562	91	B
1455332_x_at	Fcgr2b	151	583	484	968	610	1517	92	B
1421009_at	Rsad2	62	157	149	159	115	334	93	B
1421008_at	Rsad2	49	119	148	151	113	274	94	B

Probe set no.	Gene name	0		25		42		max-min ₅₀ , max/min ₂ , q geno 0.05 (order)	Subcluster
		FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}		
1436058_at	Rsad2	196	459	570	551	435	1151	95	B
1419272_at	Myd88	345	544	444	587	436	955	96	B
1416576_at	Socs3	207	407	380	622	350	1323	97	B
1456212_x_at	Socs3	182	409	338	604	373	1321	98	B
1455899_x_at	Socs3	368	824	751	1173	847	2850	99	B
1449399_a_at	Il1b	230	680	621	764	420	2448	100	B
1417262_at	Ptgs2	181	168	288	297	249	681	101	B
1416563_at	Ctps	389	372	525	581	466	978	102	B
1460227_at	Timp1	80	113	336	488	189	1220	103	B
1419060_at	Gzmb	57	152	238	440	200	1036	104	B
1449227_at	Ch25h	79	100	192	409	205	1194	105	B
1451798_at	Il1rn	57	97	249	405	272	1327	106	B
1427998_at	2600001B17Rik	48	56	66	73	69	120	107	B
1459992_x_at	Cln8	102	111	118	133	128	208	108	B
1420380_at	Ccl2	28	68	399	598	270	1194	109	B
1452408_at	LOC547214	11	14	57	84	44	153	110	B
1422703_at	Gyk	39	57	85	120	74	196	111	B
1422704_at	Gyk	177	224	316	482	304	783	112	B
1438948_x_at	Bzrp	1080	1295	1490	1897	1591	2732	113	B
1456251_x_at	Bzrp	753	906	1082	1394	1135	2001	114	B
1417381_at	C1qa	129	413	1850	2323	2607	3271	115	B
1417063_at	C1qb	166	448	1573	2095	2334	3060	116	B
1437726_x_at	C1qb	166	450	1199	1757	1874	2433	117	B
1449401_at	C1qg	159	381	1157	1745	1680	2245	118	B
1419627_s_at	Clec4n	461	700	1118	1235	1395	1820	119	B
1425951_a_at	Clec4n	172	321	605	687	822	1041	120	B
1449930_a_at	Ssr2	315	408	544	571	609	791	121	B
1417851_at	Cxcl13	162	878	1522	3677	2392	3911	122	B
1448859_at	Cxcl13	79	421	812	2145	1317	2257	123	B
1424754_at	Ms4a7	74	231	591	1096	771	1120	124	B
1448732_at	Ctsb	1005	1737	2536	3572	3226	4496	125	B
1460180_at	Hexb	531	747	1081	1508	1225	1846	126	B

Probe set no.	Gene name	0		25		42		max-min ₅₀ , max/min ₂ , q geno 0.05 (order)	Subcluster
		FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}		
1421228_at	Ccl7	18	36	147	309	91	397	127	B
1448734_at	Cp	453	453	761	888	489	936	128	B
1419508_at	Ripk1	57	78	100	100	89	128	129	B
1432426_a_at	2510010F15Rik	126	174	204	219	189	258	130	B
1424041_s_at	C1s	690	874	1545	1787	1256	2116	131	B
1429568_x_at	2510010F15Rik	242	296	354	412	325	485	132	B
1450826_a_at	Saa3	99	2960	4453	6979	4341	8856	133	B
1422601_at	Serpinb9	1041	982	2247	2037	1684	2702	134	B
1450783_at	Ifit1	175	279	663	541	386	851	135	B
1418207_at	Fxyd4	26	25	31	33	30	84	136	B
1435504_at	Rsnl2	99	91	115	147	124	369	137	B
1417323_at	5430413I02Rik	23	27	44	44	50	234	138	B
1419083_at	Tnfsf11	10	10	13	18	17	81	139	B
1425663_at	Il1rn	31	39	68	111	79	584	140	B
1450297_at	Il6	9	11	25	28	14	204	141	B
1426123_a_at	Rrbp1	99	121	112	116	130	287	142	B
1437458_x_at	Clu	1534	1321	1366	1728	1978	4587	143	B
1437689_x_at	Clu	1455	1289	1292	1706	1978	4618	144	B
1424404_at	0610040J01Rik	108	102	93	107	85	224	145	B
1437277_x_at	Tgm2	3574	3542	3197	3573	3180	6665	146	B
1418945_at	Mmp3	63	67	64	107	57	525	147	B
1455900_x_at	Tgm2	1353	1352	1322	1459	1357	3217	148	B
1433428_x_at	Tgm2	2538	2400	2370	2584	2324	5148	149	B
1450971_at	Gadd45b	503	421	431	385	460	809	150	B
1420498_a_at	Dab2	586	754	364	805	344	934	151	B
1419610_at	Ccr1	17	51	16	36	15	66	152	B
1419609_at	Ccr1	159	527	173	539	204	896	153	B
1434484_at	1100001G20Rik	183	454	280	539	212	763	154	B
1427102_at	Slfn4	41	322	89	127	57	834	155	B
1430826_s_at	Gcnt2	50	74	48	66	47	137	156	B
1423632_at	Gpr146	84	112	89	111	68	157	157	B
1449027_at	Rhou	139	159	127	160	101	215	158	B

Probe set no.	Gene name	0		25		42		max-min ₅₀ , max/min ₂ , q geno 0.05 (order)	Subcluster
		FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}		
1448894_at	Akr1b8	399	470	344	377	263	636	159	B
1455959_s_at	Gclc	808	996	723	806	544	1263	160	B
1449015_at	Retnla	766	1114	1000	1844	505	3046	161	B
1451796_s_at	Hdc	564	570	547	633	423	943	162	B
1454713_s_at	Hdc	680	590	561	659	447	1064	163	B
1422089_at	Ncr1	59	45	105	38	89	36	164	C
1425243_at	Cd207	77	68	105	49	93	24	165	C
1415904_at	Lpl	2355	1688	2170	2058	1788	463	166	C
1431056_a_at	Lpl	599	451	665	627	492	116	167	C
1453836_a_at	Mgll	273	231	254	270	306	104	168	C
1419413_at	Ccl17	72	22	32	20	30	21	169	C
1427352_at	BC031593	410	184	313	67	255	26	170	C
1418086_at	Ppp1r14a	328	175	233	216	185	103	171	C
1424543_at	Nck1	81	63	55	52	57	31	172	C
1426785_s_at	Mgll	871	594	539	531	594	218	173	C
1450391_a_at	Mgll	566	402	370	353	412	154	174	C
1455918_at	---	124	76	65	83	60	20	175	C
1416536_at	Mum1	312	247	197	180	222	155	176	C
1455021_at	Gabbr1	163	140	107	94	120	77	177	C
1426539_at	Usp11	95	74	63	50	74	42	178	C
1427322_at	Brwd1	217	200	110	101	122	62	179	C
1428467_at	Tardbp	419	369	223	231	272	141	180	C
1426640_s_at	Trib2	906	776	381	470	469	332	181	C
1421791_at	Ang3	624	482	92	58	79	18	182	C
1452222_at	Utrn	1638	1282	696	688	614	425	183	C
1424540_at	Hipk1	1481	1348	921	869	903	736	184	C
1455073_at	Cdadc1	194	176	83	88	84	52	185	C
1418926_at	Zfhx1a	1015	787	628	593	507	319	186	C
1448842_at	Cdo1	1602	1280	909	889	720	393	187	C
1427066_a_at	4933439F18Rik	256	198	141	146	130	89	188	C
1420851_at	Pard6g	551	489	342	320	283	211	189	C
1433476_at	C78339	1442	1346	985	934	869	703	190	C

Probe set no.	Gene name	0		25		42		max-min ₅₀ , max/min ₂ , q geno 0.05 (order)	Subcluster
		FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}		
1421870_at	Trim44	1056	908	674	608	612	455	191	C
1438006_at	4933439F18Rik	354	304	188	186	171	106	192	C
1452217_at	Ahnak	5398	4748	2950	3050	2088	1448	193	C
1428230_at	Prkcn	609	556	440	436	358	230	194	C
1448236_at	Rdx	1777	1556	1254	1265	982	763	195	C
1451469_at	B430108F07Rik	91	76	69	63	52	39	196	C
1452812_at	Lphn1	115	95	86	80	74	57	197	C
1426518_at	Tubgcp5	164	157	126	127	126	78	198	C
1448361_at	Ttc3	549	518	431	400	399	272	199	C
1454636_at	Cbx5	396	345	305	296	287	193	200	C
1456430_at	D3Ertd789e	160	169	130	120	122	63	201	C
1421653_a_at	Igh-VJ558/LOC238447/LOC544903/ LOC544907	1033	535	2913	401	8534	7636	202	D
1425763_x_at	Igh-VJ558/LOC238447/LOC544903/ LOC544907	970	545	2835	425	8216	7437	203	D
1429381_x_at	Igh-VJ558/LOC238447/LOC544903/ LOC544907	659	359	2018	281	6796	5780	204	D
1427455_x_at	Igk-C/Igk-V28/LOC243469/LOC545854	2570	916	3663	3045	9660	7861	205	D
1452417_x_at	Igk-C/Igk-V28/2010205A11Rik/ LOC243469/LOC545854	2259	1341	2829	2905	5026	4170	206	D
1418987_at	Pla2g2d	57	23	98	73	317	53	207	D
1451632_a_at	Igh-1a	84	7	39	15	2175	60	208	D
1448229_s_at	Ccnd2	45	52	51	34	118	66	209	D
1417925_at	Ccl22	47	29	61	33	91	34	210	D
1423586_at	Axl	341	321	638	407	733	328	211	D
1455618_x_at	1300010A20Rik	54	56	121	71	135	71	212	D
1423466_at	Ccr7	36	32	127	91	221	72	213	D

Probe set no.	Gene name	0		25		42		max-min ₅₀ , max/min ₂ , q geno 0.05 (order)	Subcluster
		FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}	FVB	macIL-10 ^{tg}		
1424032_at	0610039P13Rik	146	147	432	338	701	358	214	D
1456870_at	A430107D22Rik	16	17	57	42	92	43	215	D
1450020_at	Cx3cr1	77	57	101	82	176	98	216	D
1426379_at	Eif4b	214	247	358	295	430	325	217	D
1449130_at	Cd1d1	152	128	388	256	451	268	218	D
1449131_s_at	Cd1d1	214	178	557	382	614	363	219	D

^a Average values of RMA-normalized signal intensities