

Table S2. Primers used in RT-PCR experiments and for PCR-amplification of signal peptides from genomic DNA of *L. plantarum* WCFS1. All primers are named after gene name. F or R denote forward or reverse primers, respectively. All forward primers have inserted an *Nde*I site (CATATG) and reverse primers a *Sal*I site (GTCGAC).

Name	Primer sequence (5'→3')
0141F	CCATATGAAAAAATTAACATCAGTCGTTGCAAC
0141R	CGTCGACCGTGGCGGCATT
0197F	CCATATGCGATTAATCGATTTCAAACCTTGGAT
0197R	GGTCGACGTCCGCCGCACT
0277F	GCCATATGAAAAACACATTCAAAAACTAACCCTTAC
0277R	GGTCGACCGTGTGAGCAGAGGC
0297F	CCATATGAAAGAAGTAAGGTTTTGGGGACT
0297R	GGTCGACTACGTCAGCCTTACTAAC
0353F	CATATGAAGAATAAGTACAGTGCTAAGTTAGGT
0353R	GTCGACCGATTTTGCCTTGGCAAT
0373F	CATATGTATACGGAAAACACGGGGAAAC
0373R	GTCGACTGATGAAGCATCAACCAC
0469F	CATATGCAGACGAAGAAGTGGATTC
0469R	GTCGACACTAGTTGCGTGTACT
0600F	CATATGATGAAACATAAAAATTTATTATTATAATTATAATGAGC
0600R	GTCGACCTTATCCGCTTCAACTC
0800F	CATATGAATA GATTTATAAC GAGCAAGCAG CATT
0800R	GTCGACCGTATCTGCCCGACTT
0869F	CATATGACATCGATGGCTTATCGAACAC
0869R	GTCGACCTTGGCGCCATTGAC
0923F	CATATGAATAAGAAATTATTGTATACCAGTATTACCACT
0923R	GTCGACCGTGTGCGCCTGCGC
0946F	CATATGAAACCAAACAATGTTAATAATCAGAATAAACGTC
0946R	GTCGACGTGCGCAGCCGCC
1097F	CATATGAAAACGAAATTAATTGCACTGATTGGAGT
1097R	GTCGACGGTCGTCGCTTTGGC
1124F	CATATGAAAAGGAATTCACAACAATCAACCAC
1124R	GTCGACCGTTGCTGCTAAGGC
1229F	CATATGTTAA AAAAGGATAA TTTTGGAGAG CATAAAACAC
1229R	GTCGACATCTGCTGCGGCGGC
1256F	CATATGAGATTGAAAATAAGGGGACGCTGGCTGTT
1256R	GTCGACCGTCGCCGCATGCAC
2977F	CATATGAAGAAAATGATGCGGTGGTT
2977R	GTCGACATTGGTTGCCTGTGCT
3001F	CATATGATAAAGCCGCGTGTTTTAACGAC
3001R	GTCGACTACTGCAGCGACGGC
3014F	CATATGAAAAAACTTGTAAGTACAATCGTAACTACCT
3014R	GTCGACTGAGTCGGCGTTAGCATT
3015F	CATATGAAAAAATTATTAACCACAATCTTAACAACATCC
3015R	GTCGACTGCGTCGGCGTGTGC
3043F	CATATGCGCTTTCCAAAAGAATCTTTTCAACAC
3043R	GTCGACTGTTGATGCGTTGGCACT
3050F	CATATGAAAAAATTTAACTTTAAAACCATGTTGCTATTAGT
3050R	GTCGACCTTGGAGGCCTGGGC
3059F	CATATGCGAT ATACACGGGG CAAAT
3059R	GTCGACTTCACTTGCTTGAGCCAC
3064F	CATATGCGTAACAGACGAGTAAAATGGTTAC
3064R	GTCGACAGTCGCGGCGTTAC

3065F CCCATATGCCGAATAAATGGTGGCGATT
3066R GTCGACTGTTGCCGCCCGCACT
3067F GCCATATGAAGTCAATGTTAGGACACTTATT
3067R GTCGACTTCTGCAGCATTGGCAAC
3072F CGCATATGATGTTAACAAAGAGATGGT
3072R GTCGACTGTGTTAGCCGAACCCGTT
3073F GCCATATGAAAAAACATTATTAGGACTTTTATTCTC
3073R GTCGACATCGGCCGCACTC
3077F GCCATATGAAGAAATTGATGATTGCTGTAAC
3077R GTCGACAGTCGCCGCATTGCT
3093F GCCATATGAATTTTAAATCACAAAATCCAATTGATGC
3093R GTGCACGCTGATGCTGTCGAC
3114F CATATGCAAAGACGACGCTTACAACGAGC
3114R GTCGACCGTGTCTGCCCGCC
3115F GCCATATGCAGAAACGATTGCGATTATC
3115R GTCGACCTGATCAGCAGAGGCT
3116F GCCATATGAAGAAATTCGTTTTGGGATTAATGAT
3116R GTCGACCGTATCAGCATTAGCC
3117F GCCATATGCGGCGAATATGTAAAGTATTAATGGTAATT
3117R GTCGACCGGCGCGGCCAGC
3127F GCCATATGAACAAGCGAAAAATTACTAATAACC
3127R GTCGACAGTGGCCGCAAAGGC
3189F GCCATATGAGATTTGCGGGAAAGTTAAAGAAAGTT
3189R GTCGACACTGGCTGCTTGGGC
3411F GCCATATGACGAAACGAATGAGTTTCAAATTTAAAT
3411R GTCGACACTGTCAGCGTGCGC
3412F GCCATATGATGGTATTGTTACAAGTCATAGC
3412R GTCGACCGTAGCTGCTTGAGC
1303aF CATATGTTTAAAGTCGGCCGACTTGGGTATTT
1303aR GTCGACAGTATCCGCCGAAACC
1447F GCCATATGGCTAAATTCAGGCGTCTAGT
1447R GTCGACGGTAGCCGCTAGGGC
1448F GCCATATGAAAAAATTGATGTGCTTATTCGGCGTAATT
1448R GTCGACAGCGGTGGCCTGGAC
1449F GCCATATGTTTAAACCGCTTTTGTCTTAGCACG
1449R GTCGACCGTTGCCCGATAGC
1524F GCCATATGCAAACACTTAAGCCCTTCGAAAGT
1524R GTCGACAAACCAGGCAAACGCAC
1643F GCCATATGCGGAATCGTTTTAAATAGGTTGGGAT
1643R GTCGACCGTTGCGGCTTTCACTT
2145F GCCATATGAAAAAATTAATAAGTTGATGATCTTAGGCATGC
2145R GTCGACGGCGCTAGCATGC
2162F CATATGTCACAAGCACATAACAACGGGC
2162R GTCGACTGAGGCAGCATTGGCAGCT
2173F CATATGAGAAAGTTGATCAAGGCTTGTGGCCTAAT
2173R GTCGACTTTGGCTGCTAAGGCACT
2174F GCCATATGGGGTGTTTAGAATGCGAT
2174R GTCGACAGATGCCGCTTGACC
2175F GCCATATGCGAACTTTTAAATTAATGACCGGGTT
2175R GTCGACTCCGGCCGCTAAC
2486F CATATGACCGGTGATTCGGTTTATCGGGT
2486R GTCGACAGTATCAGCAGAAGCATTAAACGTT
2645F GCCATATGAAAATTGGAATGACAAAAAAGTAGTAAC
2645R GTCGACTTGATTTGCACTTGCCGT

2795F CATATGGAACAAGTGAAGAAACGGTACAAGAT
2795R GTCGACTTCATCTGCTCGTCC
2796F GCCATATGAGATTAATCGTTAGGTCAGTT
2796R GTCGACTTCATCCGCATGTGC
2845F GCCATATGAAAATTAATAATGCCCTATTAECTTC
2845R GTCGACGGTATCGGCATTAGC
2847F GCCATATGAAAATTAACACCTATTATTATCCTCAT
2847R GTCGACCGTATCGGCCTTAGC
2925F GCCATATGTACAAAATTGGCCGTCGCT
2925R GTCGACATCATCAGCCCGAGC
2940F GCCATATGTCAAAGCGCTTAAGATAGT
2940R GTCGACTTCGGCTGCATGTAC
2976F GCCATATGATGCGATGGCTGTTGATAC
2976R GTCGACCTGAGCAGCTCCC
3413F GCCATATGAACGGCTGGAATAAGAAGC
3413R GTCGACGTCAGCAGCATGGC
3414F GCCATATGACAAAGTCACGTACGCTC
3414R GTCGACGGTGTGAGCGGAAGC
3421F GCCATATGAAGTACATACGTGACATTC
3421R GTCGACTGAATCGGCATTGGC
3450F GCCATATGTGGAAGGGACCGAAACAAAT
3450R GTCGACGTCAGCAGCCTGAAT
3451F GCCATATGAAAAAATATTTTGGCAGTTAATTGCC
3451R GTCGACGTCATCCGCTCTAGC
3452F CATATGAAAAGGGATTGTTGGTAACAGGT
3452R GTCGACCGTTGCAGCTTGC
3453F CATATGAAAAAATATCTCGGAACTCTCGT
3453R GTCGACATCTGCAGCTTGGC
3676F CATATGAGAAGGTTACTTACTGGCAC
3676R GTCGACAACCTTTGCCTGCCCAT
3678F GCCATATGAGATTGAAAGTGGTTATCCAATTC
3678R GTCGACCCGATTAGCCGACAC
3679F CATATGTTGGTAAGAGTTAGTAAGTTAGTCAGT
3679R GTCGACCGTATCTGCCTGAGC
2578F CATATGCGAA GAAAGCTAGT TGGGT
2578R GTCGACTTCTTTAGCATGTGCAG
1278F CATATGTTAAAGTTAATCAAACAACGGTTGGTATGGGGA
1278S GTCGACACTGGTCGCGTGTGC
3178F CATATGCAAAAAACGAAAGCTTGGT
3178S GTCGACTGCTTGTGAGTTTTTACC
2958F GGGGCATATGAAGTTAAGTAAGCGGGGACT
2958R GTCGACAGTCGCGGCTTGGGC
2588F CATATGCGCAAAAAATGGCGATGGT
2588R GTCGACGTTGCGGGCCTGAC
0304F CATATGAAGATTAAGAATGCTTTATTATCAACTGCTGCCG
0304R GTCGACCGTAGCAGCTTGAGCGGT
1450F CATATGAAAAAACAGTGCTTACCGC
1450R GTCGACTGAATCGGCGGTTGC
0302F CATATGAAGATCAAAAACCTTGTATTATCAT
0302R GTCGACAGTATCAGCGTTGGC
2978F CATATGAAAAAAGTAGTAGGCAGTTTACTCATGACC
2978R GTCGACATCGGCCGCGTGAC
GyrAF CCCGACAGCAACGTCTTCA
GyrAR GGCAGCTGGCGTTTGT

NucAF GGTCAACCAATGACATTCAGACT
NucAR ACTTGCTTCAGGACCATATTTCTC
