

Class Comparison analysis	<i>miRNAs down-regulated</i>			<i>miRNAs up-regulated</i>		
	<i>miRNA</i>	<i>Fold change[‡]</i>	<i>P[†]</i>	<i>miRNA</i>	<i>Fold change[‡]</i>	<i>P[†]</i>
11q deletion CLLs vs. all of other CLLs	<i>miR-16-2*</i>	0.22	6.0E-07	<i>miR-572</i>	6.1	8.60E-03
	<i>miR-130a*</i>	0.25	3.6E-04	<i>miR-548a-3p</i>	2.37	1.30E-03
	<i>miR-127-3p</i>	0.46	1.2E-02	<i>miR-556-3p</i>	1.53	5.00E-03
	<i>miR-141</i>	0.46	9.2E-03	<i>miR-136</i>	1.42	1.10E-03
	<i>miR-516a-5p</i>	0.51	2.7E-02	<i>miR-34a</i>	1.3	4.80E-02
	<i>miR-29b</i>	0.74	4.5E-02	<i>miR-29a*</i>	1.28	1.50E-03
	<i>let-7c</i>	0.77	2.6E-02	<i>miR-185*</i>	1.25	8.70E-03
	<i>let-7a</i>	0.78	4.6E-02	<i>miR-876-5p</i>	1.23	1.30E-02
	<i>miR-593</i>	0.80	1.1E-02			
	<i>miR-142-5p</i>	0.84	2.4E-02			
	<i>let-7b</i>	0.84	3.8E-02			
17p deletion CLLs vs. all of other CLLs	<i>miR-572</i>	0.08	1.9E-05	<i>miR-130a*</i>	2.59	7.00E-03
	<i>miR-370</i>	0.11	< 1e-07	<i>let-7b*</i>	2.11	2.40E-02
	<i>miR-590-5p</i>	0.19	2.2E-04	<i>miR-141</i>	1.94	1.20E-02
	<i>miR-151-3p</i>	0.23	3.4E-05	<i>miR-631</i>	1.87	4.40E-02
	<i>miR-367</i>	0.23	1.4E-03	<i>miR-668</i>	1.72	3.50E-02
	<i>miR-618</i>	0.32	1.1E-03	<i>miR-205</i>	1.64	5.10E-03
	<i>miR-29b-1*</i>	0.43	6.6E-04	<i>miR-574-3p</i>	1.32	6.40E-03
	<i>miR-146a</i>	0.57	4.6E-02	<i>miR-593*</i>	1.3	4.60E-02
	<i>miR-146b-5p</i>	0.64	4.4E-02	<i>miR-139-3p</i>	1.3	4.50E-02
	<i>miR-198</i>	0.69	1.7E-03	<i>miR-30d</i>	1.27	7.60E-03
	<i>miR-29c</i>	0.70	7.4E-03	<i>miR-30a</i>	1.26	3.50E-02
	<i>miR-29b</i>	0.76	4.5E-02	<i>miR-629*</i>	1.22	2.80E-02
	<i>miR-31</i>	0.76	1.7E-02	<i>miR-634</i>	1.17	2.10E-02
	<i>miR-320</i>	0.79	8.1E-03	<i>miR-138-1*</i>	1.13	3.50E-02
	<i>miR-26a</i>	0.84	3.7E-02			
trisomy 12 CLLs vs. all of other CLLs	<i>miR-640</i>	0.21	4.8E-05	<i>miR-146a</i>	2.57	6.6E-05
	<i>miR-148a</i>	0.23	3.2E-04	<i>miR-151-3p</i>	2.02	3.4E-02
	<i>miR-125b-2*</i>	0.39	6.6E-03	<i>miR-29b-1*</i>	2.00	1.6E-03
	<i>miR-625*</i>	0.40	2.9E-02	<i>miR-146b-5p</i>	1.94	5.2E-04
	<i>miR-130a*</i>	0.41	4.5E-03	<i>miR-589*</i>	1.91	3.1E-02
	<i>miR-631</i>	0.42	1.3E-03	<i>miR-340</i>	1.69	2.8E-02
	<i>miR-105*</i>	0.50	3.1E-03	<i>miR-585</i>	1.59	3.5E-02
	<i>miR-99b</i>	0.52	1.2E-02	<i>miR-193a-5p</i>	1.58	2.8E-04
	<i>miR-608</i>	0.54	4.5E-02	<i>miR-486-5p</i>	1.34	3.4E-02
	<i>miR-92a-1*</i>	0.58	1.8E-02	<i>miR-222</i>	1.28	2.0E-02
	<i>miR-516a-5p</i>	0.59	2.6E-02	<i>miR-202*</i>	1.27	1.4E-02
	<i>miR-205</i>	0.61	1.4E-03	<i>miR-498</i>	1.23	2.1E-02
	<i>miR-565</i>	0.65	2.4E-03	<i>miR-26a</i>	1.21	9.3E-03
	<i>miR-193b</i>	0.67	1.4E-02	<i>miR-371-3p</i>	1.18	2.5E-02
	<i>miR-532-3p</i>	0.71	5.5E-03			
	<i>miR-223</i>	0.71	1.2E-02			
	<i>miR-30c</i>	0.78	2.1E-02			
	<i>miR-103</i>	0.78	1.8E-03			
	<i>miR-155</i>	0.78	1.0E-02			
	<i>miR-107</i>	0.80	8.7E-03			
<i>miR-30a</i>	0.81	2.7E-02				
<i>miR-574-3p</i>	0.82	3.4E-02				

<i>Class Comparison analysis</i>	<i>miRNA</i>	<i>Fold change</i> [‡]	<i>P</i> [†]	<i>miRNA</i>	<i>Fold change</i> [‡]	<i>P</i> [†]
	<i>miR-483-3p</i>	0.84	4.4E-02			
	<i>miR-142-5p</i>	0.86	1.5E-02			
	<i>miR-197</i>	0.86	2.9E-02			
	<i>miR-634</i>	0.86	1.2E-02			
13q deletion CLLs vs. all of other CLL	<i>miR-487a</i>	0.29	1.2E-04	<i>miR-590-5p</i>	5.43	1.4E-04
	<i>miR-651</i>	0.33	2.3E-04	<i>miR-640</i>	3.86	2.4E-03
	<i>miR-136*</i>	0.35	1.2E-02	<i>miR-572</i>	3.84	3.0E-02
	<i>miR-32</i>	0.48	9.6E-04	<i>miR-130a*</i>	3.75	1.1E-04
	<i>miR-519e*</i>	0.51	1.2E-02	<i>miR-17*</i>	3.50	7.9E-04
	<i>miR-499-5p</i>	0.52	7.1E-05	<i>miR-126*</i>	2.87	4.6E-02
	<i>miR-668</i>	0.52	9.4E-03	<i>miR-370</i>	2.66	1.6E-02
	<i>miR-556-3p</i>	0.54	1.3E-06	<i>miR-181c</i>	2.58	3.4E-02
	<i>miR-363*</i>	0.57	4.9E-02	<i>miR-127-3p</i>	2.55	5.5E-04
	<i>miR-340</i>	0.58	4.6E-02	<i>miR-200c</i>	2.52	5.5E-03
	<i>miR-557</i>	0.59	3.1E-02	<i>miR-99b</i>	2.41	2.0E-03
	<i>miR-145</i>	0.61	5.5E-05	<i>miR-185</i>	1.72	3.6E-02
	<i>miR-498</i>	0.64	8.0E-07	<i>miR-205</i>	1.58	1.1E-02
	<i>miR-604</i>	0.65	6.0E-03	<i>miR-223</i>	1.49	9.5E-03
	<i>miR-16</i>	0.65	1.5E-02	<i>miR-565</i>	1.45	2.3E-02
	<i>miR-377</i>	0.69	9.0E-07	<i>miR-593</i>	1.44	1.5E-06
	<i>miR-543</i>	0.73	1.3E-05	<i>miR-31</i>	1.35	8.1E-03
	<i>miR-602</i>	0.73	1.8E-03	<i>miR-30b*</i>	1.28	3.5E-03
	<i>miR-193a-5p</i>	0.74	3.8E-02	<i>miR-142-5p</i>	1.22	3.1E-03
	<i>miR-96</i>	0.75	4.1E-02			
	<i>miR-202*</i>	0.78	2.2E-02			
	<i>miR-371-3p</i>	0.79	4.8E-03			
	<i>miR-136</i>	0.80	2.2E-02			
	<i>miR-92a</i>	0.81	1.9E-03			
	<i>miR-29a*</i>	0.81	3.2E-03			
	<i>miR-632</i>	0.83	1.1E-02			
	<i>miR-876-5p</i>	0.83	1.2E-02			
	<i>miR-629*</i>	0.84	4.7E-02			
	<i>miR-92b</i>	0.85	4.4E-02			
normal k. CLLs vs. all of other CLLs	<i>miR-219-2-3p</i>	0.32	1.3E-03	<i>miR-629</i>	2.96	3.1E-04
	<i>miR-98</i>	0.42	2.4E-02	<i>miR-136*</i>	2.59	3.1E-02
	<i>miR-585</i>	0.44	1.1E-03	<i>miR-187</i>	1.94	2.3E-02
	<i>miR-200c</i>	0.49	4.1E-02	<i>miR-519e*</i>	1.88	2.5E-02
	<i>miR-769-3p</i>	0.50	2.5E-02	<i>miR-532-3p</i>	1.40	2.2E-02
	<i>miR-765</i>	0.51	3.7E-02	<i>miR-191</i>	1.24	3.2E-02
	<i>miR-185</i>	0.54	2.0E-02	<i>miR-543</i>	1.24	6.5E-03
	<i>miR-601</i>	0.59	9.0E-03			
	<i>miR-566</i>	0.71	2.5E-03			
	<i>miR-202*</i>	0.78	3.1E-02			
	<i>miR-744*</i>	0.79	1.2E-02			
	<i>miR-185*</i>	0.81	5.7E-03			

[‡]*Fold change* is the fold-ratio of geometric means of microRNA expressions between one karyotype and all of the others considered as two classes.

[†]*P* (p-value) and fold change are the results of the “Class Comparison” analysis within BRB-Array tool.