

Supplementary Table S2. Coupling between edited sites in mouse brain. If both the χ^2 -test and the cluster analyses show coupling it is assign (++). If one test show coupling it is indicated as (+). After the Bonferroni correction, column values should be compared to >10.22 for the Adar2 sites and >7.88 for the 5-HT2c sites. E15, E19 and P21 indicate editing at different developmental time points. n.d.= not determined

E15

gene	site	χ^2	cluster (class)	conclusion	distance (nt)
<i>adar2</i>	-28 : -27	n.d.	-		
	-28 : -4	-	-		
	-28 : -2	-	-		
	-28 : -1	-	-		
	-28 : +10	-	-		
	-28 : +23	-	-		
	-28 : +24	-	-		
	-28 : +28	-	-		
	-27 : -4	1.811	-		
	-27 : -2	3.470	-		
	-27 : -1	0.050	-		
	-27 : +10	0.038	-		
	-27 : +23	0.098	-		
	-27 : +24	3.910	-		
	-27 : +28	3.474	-		
	-4 : -2	1.811	-		
	-4 : -1	0.001	-		
	-4 : +10	0	-		
	-4 : +23	15.27	2:3	+ coupled	26
	-4 : +24	0.324	-		
	-4 : +28	1.811	-		
	-2 : -1	22.77	1:3	+ coupled	1
	-2 : +10	20.79	1:3	+ coupled	11
	-2 : +23	0.098	-		
	-2 : +24	3.913	-		
	-2 : +28	3.474	-		
	-1 : +10	10.17	3:3	+ coupled	10
	-1 : +23	0.209	-		
	-1 : +24	13.319	3:3	++ coupled	24
	-1 : +28	0.050	-		
	+10 : +23	25.45	3:3	++ coupled	13
	+10 : +24	23.65	3:3	++ coupled	14
+10 : +28	0.038	-			
+23 : +24	1.088	-			
+23 : +28	0.098	-			
+24 : +28	3.913	-			
<i>5-ht2c</i>	AB	57.01	1:1	++ coupled	2
	AC'	1.312	-		
	AC	12.28	1:3	+ coupled	7
	AD	0.001	-		
	BC'	0.453	-		
	BC	5.321	-		
	BD	0.300	-		
	C'C	1.104	-		
	C'D	0.373	-		
CD	9.981	3:3	++ coupled	5	
<i>gluR-6</i>	I/V : Y/C	9.517	-	coupled	13

E19

gene	site	χ^2	cluster (class)	conclusion	distance (nt)
<i>adar2</i>	-28 : -27	0.033	-		
	-28 : -4	0	-		
	-28 : -2	3.591	-		
	-28 : -1	5.147	-		
	-28 : +10	4.362	-		
	-28 : +23	4.867	-		
	-28 : +24	10.54	1:4	+ coupled	51
	-28 : +28	0.137	-		
	-27 : -4	0.027	-		
	-27 : -2	7.347	2:2	+ coupled	25
	-27 : -1	4.445	-		
	-27 : +10	2.833	-		
	-27 : +23	0.041	-		
	-27 : +24	0.037	-		
	-27 : +28	0.033	-		
	-4 : -2	0.007	-		
	-4 : -1	1.903	-		
	-4 : +10	0.154	-		
	-4 : +23	0.684	-		
	-4 : +24	0.710	-		
	-4 : +28	0	-		
	-2 : -1	2.798	-		
	-2 : +10	1.374	-		
	-2 : +23	0.849	-		
	-2 : +24	7.806	-		
	-2 : +28	0.071	-		
	-1 : +10	3.004	4:4	+ coupled	10
	-1 : +23	5.975	4:4	+ coupled	23
	-1 : +24	8.110	4:4	+ coupled	24
	-1 : +28	0.017	-		
	+10 : +23	3.004	4:4	+ coupled	13
	+10 : +24	22.74	4:4	++ coupled	14
	+10 : +28	8.015	-		
+23 : +24	11.81	4:4	++ coupled	1	
+23 : +28	0.159	-			
+24 : +28	10.54	4:5	+ coupled	4	
<i>5-ht2c</i>	AB	652.9	1:1	++ coupled	2
	AC'	0.118	-		
	AC	41.11	1:3	+ coupled	7
	AD	7.823	1:1	+ coupled	12
	BC'	0.978	-		
	BC	51.78	1:3	+ coupled	5
	BD	67.13	1:1	++ coupled	10
	C'C	18.92	2:3	+ coupled	1
	C'D	3.033	-		
	CD	34.87	3:1	+ coupled	5
<i>gluR-6</i>	I/V : Y/C	252.7		coupled	

P21

gene	site	χ^2	cluster (class)	conclusion	distance (nt)
<i>adar2</i>	-28 : -27	1.586	-		
	-28 : -4	0.991	-		
	-28 : -2	0.003	-		
	-28 : -1	0.717	-		
	-28 : +10	10.81	1:2	+ coupled	37
	-28 : +23	0.066	-		
	-28 : +24	0.357	-		
	-28 : +28	1.723	1:1	+ coupled	55
	-27 : -4	2.690	-		
	-27 : -2	0.049	-		
	-27 : -1	1.866	2:2	+ coupled	26
	-27 : +10	0.364	2:2	+ coupled	36
	-27 : +23	0.463	-		
	-27 : +24	5.498	2:2	+ coupled	50
	-27 : +28	0.591	-		
	-4 : -2	0.009	-		
	-4 : -1	0.652	-		
	-4 : +10	3.635	-		
	-4 : +23	35.54	3:3	++ coupled	26
	-4 : +24	3.584	-		
	-4 : +28	4.28	-		
	-2 : -1	0.152	-		
	-2 : +10	0.261	-		
	-2 : +23	0.204	-		
	-2 : +24	0.096	-		
	-2 : +28	0.005	-		
	-1 : +10	0.291	2:2	+ coupled	10
	-1 : +23	0.278	-		
	-1 : +24	0.013	2:2	+ coupled	24
	-1 : +28	0	-		
	+10 : +23	0.193	-		
	+10 : +24	0.425	2:2	+ coupled	14
	+10 : +28	0.587	-		
	+23 : +24	1.661	-		
+23 : +28	2.476	-			
+24 : +28	1.163	-			
<i>5-ht2c</i>	AB	375.7	1:1	++ coupled	2
	AC'	1.989	-		
	AC	8.331	1:3	+ coupled	7
	AD	29.37	1:1	++ coupled	12
	BC'	0.477	-		
	BC	3.715	-		
	BD	45.76	1:1	++ coupled	10
	C'C	5.761	-		
	C'D	3.148	-		
CD	1.541	-			
<i>gluR-6</i>	I/V : Y/C	132.2	-	coupled	13