





O. sativa												
GeneID (CDS intron positions; * indicates new intron position)	Ortholog1 (CDS intron positions)	Ortholog2 (CDS intron positions)	New Intron Position (Type) EST evidence	Internal duplicated Region								
				Query id	Subject id	% identity	q_start	q_end	s_start	s_end	e-value	bit score
LOC_060637430.1(292*(1)1272/484/628/843/1021)	PGRNESL_PG.C.CHW_4000117(205/272/484/628/843/1021)	AT2045320.1(272/484/628/843/1021)	92(new/est)	LOC_060637430.2.exon.2	LOC_060637430.2.exon.2	87.5	42	85	81	104	4.00E-19	23.5
LOC_0612041890.1(422/762*(2)1)	S801001690(422)	AT4021120.1(422/1088)	762(new)	LOC_0612041890.1.exon.2	LOC_0612041890.1.exon.2	55.56	41	94	167	220	6.00E-07	21.7
LOC_060932380.1(168*(1)1271/2379)	E_GMI_8_13429.1(838/2173/2293)	AV7022220.2(1271/2379/2606/2688)	168(new/est)	LOC_060932380.1.exon.2	LOC_060932380.1.exon.2	78.87	462	379	548	463	2.00E-11	56.1
LOC_060649300.1(155/214*(2)1)	E_GMI_10_16242.1(155)	AV3018170.1(1)	212(new)	LOC_060649300.1.exon.1	LOC_060649300.1.exon.3	46.67	788	744	884	840	5.00E-77	56.1
LOC_0611027440.1(888/3078*(2)1)	E_GMI_6_2078.1(888)	AT3046730.1(1)	3078(new)	LOC_0611027440.1.exon.1	LOC_0611027440.1.exon.3	46.43	902	889	892	789	5.00E-15	61.1
LOC_060932550.1(162*(1)1421)	ESTEXT_PGRNESL_PG.C.CHW_2268480(1421)	AT3007320.1(897/1421)	62(new/est)	LOC_060932550.1.exon.2	LOC_060932550.1.exon.2	38.71	991	899	198	106	6.00E-12	22.6
LOC_060704550.1(187/565*(2)121/6*(3)2596*(4)2694*(5)1038*(6)4914*(7)5389)	S807002670(1387/342/5389)	AT5018960.1(527/3216/4218/5389)	2178(dup);2038(dup);2596(new);2694(new);4914(new);5389(new)	LOC_060704550.1.exon.1	LOC_060704550.1.exon.6	64.44	73	207	164	295	8.00E-18	75.3
				LOC_060704550.1.exon.1	LOC_060704550.1.exon.6	42.31	30	183	118	273	1.00E-08	44.6
				LOC_060704550.1.exon.2	LOC_060704550.1.exon.7	61.43	14	118	17	121	1.00E-10	23.7
				LOC_060704550.1.exon.3	LOC_060704550.1.exon.7	46.78	107	829	740	1178	1.00E-88	237
				LOC_060704550.1.exon.3	LOC_060704550.1.exon.8	38.48	318	104	318	1	2.00E-18	89.3
				LOC_060704550.1.exon.4	LOC_060704550.1.exon.9	62.81	43	405	40	402	3.00E-49	180
				LOC_060704550.1.exon.7	LOC_060704550.1.exon.3	43.33	5	94	1166	1245	5.00E-08	32.3
LOC_060305310.1(8*(1)211)	PGRNESL_PG.C.CHW_4001136(91)	AT3004530.1(91)	91(new)	LOC_060305310.1.exon.2	LOC_060305310.1.exon.2	65.58	360	287	426	372	3.00E-11	21.7
LOC_060305310.1(324*(1)180/346*(3)1046)	AT3013570.1(180/346)	S803002890(180/346)	234(new);985(new)	LOC_060305310.1.intron.1	LOC_060305310.1.exon.2	65.26	376	381	237	350	1.00E-13	65.6
				LOC_060305310.1.exon.2	LOC_060305310.1.exon.2	61.19	354	354	1	203	1.00E-28	96.8
LOC_0612040070.1(61/1408/609/655*(4)993/1117/1201/1398/1644/1782)	E_GMI_8_14415.1(61/1335/409/603/993/1117/1201/1398/1644/1784/1786)	AT3018990.1(61/1408/1163/1399)	655(dup)	LOC_0612040070.1.exon.2	LOC_0612040070.1.exon.5	68.97	16	276	18	276	4.00E-40	148
				LOC_0612040070.1.exon.2	LOC_0612040070.1.exon.7	56.52	5	73	5	73	1.00E-05	34.5
				LOC_0612040070.1.exon.9	LOC_0612040070.1.exon.1	34.04	115	235	118	258	2.00E-08	42.8
				LOC_0612040070.1.intron.2	LOC_0612040070.1.exon.6	61.11	557	504	124	71	3.00E-04	31.3
				LOC_0612040070.1.intron.2	LOC_0612040070.1.exon.6	62.94	492	442	53	31	3.00E-08	21.3
				LOC_0612040070.1.intron.6	LOC_0612040070.1.exon.6	58.18	115	280	115	82	3.00E-28	109.3
				LOC_0612040070.1.intron.7	LOC_0612040070.1.exon.5	63.85	7	201	82	276	3.00E-28	93.2
LOC_060242150.1(2147/1325/2220*(2)1469/1631)	PGRNESL_PG.C.CHW_4002215(950/1631/1469)	AT3021230.1(1469/1631)	1325(new/est)	LOC_060242150.2.exon.1	LOC_060242150.2.exon.2	64.55	189	204	24	89	2.00E-07	40.9
				LOC_060242150.2.exon.1	LOC_060242150.2.exon.3	61.9	844	806	81	143	1.00E-06	38.6
LOC_0601018280.1(1392*(1)1637/700/874/1057/1188/1387/1482)	S803001650(637/700/874/1057/1188/1357/1487/1)	AT3062080.1(637/700/874/1057/1188/1357/1487/1)	392(new)	LOC_0601018280.1.intron.1	LOC_0601018280.1.exon.1	62.35	260	361	277	378	7.00E-21	76.7
				LOC_0601018280.1.intron.1	LOC_0601018280.1.exon.1	60	128	186	178	216	7.00E-21	76.7
				LOC_0601018280.1.intron.1	LOC_0601018280.1.exon.1	58.24	287	287	280	280	3.00E-20	76.7
				LOC_0601018280.1.intron.1	LOC_0601018280.1.exon.1	71.43	81	19	224	2.00E-20	76.7	
				LOC_0601018280.1.intron.1	LOC_0601018280.1.exon.1	67.5	78	165	110	215	1.00E-18	81.6
				LOC_0601018280.1.exon.1	LOC_0601018280.1.exon.1	100	390	391	816	177	3.00E-10	46.6
LOC_060641760.1(1273*(1)11183/1222*(3)1288/1412/1644/1807/1928/2022/2101/2260/2350/2484/2644/2738/2941/3067/3205/3369/3373/3442/3604/3668/3756/3859/3925/4067/4159)	ESTEXT_ORN601081100.C.CHW_107133(1183/1288/1412/1644/1807/1928/2022/2101/2260/2350/2484/2644/2738/2941/3067/3205/3369/3373/3442/3604/3668/3756/3859/3925/4067/4159)	AT4010320.1(11183/1288/1810/1924/2022/2101/2260/2350/2484/2644/2738/2941/3067/3205/3369/3373/3442/3604/3668/3756/3859/3925/4067/4159)	1222(new/est);273(new/est)	LOC_060641760.1.exon.2	LOC_060641760.1.exon.2	76.92	318	280	357	319	3.00E-66	151
LOC_060642730.1(1330/367/604/652/1137*(5)1)	AT5014390.1(1330/367/604/652)	ESTEXT_PGRNESL_PG.C.L10009(330/367/604/652/1)	1137(new/est)	LOC_060642730.1.exon.5	LOC_060642730.1.exon.5	57.89	319	375	241	297	4.00E-09	27.4
LOC_0603041418.1(1425/514*(2)1640*(3)1399*(4)1)	PGRNESL_PG.C.CHW_9000030(424)	AT1047710.1(424)	2399(new);611(new);640(new)	LOC_0603041418.1.exon.4	LOC_0603041418.1.exon.5	60.9	1	597	1	597	5.00E-121	56.1
				LOC_0603041418.1.exon.4	LOC_0603041418.1.exon.5	60.8	48	141	801	896	3.00E-22	76.8
				LOC_0603041418.1.exon.5	LOC_0603041418.1.exon.5	100	1	47	952	800	3.00E-22	76.8
LOC_0603055704.1(1323*(1)1)	S803001970(1)	AT5066950.1(1)	323(new)	LOC_0603055704.1.intron.1	LOC_0603055704.1.exon.1	61.82	72	137	248	311	1.00E-13	46.4
				LOC_0603055704.1.intron.1	LOC_0603055704.1.exon.1	63.33	33	77	208	212	1.00E-13	45.5
LOC_0602050174.1(1110*(1)17236*(2)732*(3)1530*(4)1665/751/846/972)	E_GMI_4_16471.1(1665/751/846/972)	AT1070680.1(1287/665/751/846/972)	110(dup);est1236(dup);est1321(new);est1830(new)	LOC_0602050174.1.exon.1	LOC_0602050174.1.exon.4	60	275	201	204	130	3.00E-07	40.5
				LOC_0602050174.1.exon.2	LOC_0602050174.1.exon.5	60.77	48	125	67	114	4.00E-15	52.8
				LOC_0602050174.1.exon.2	LOC_0602050174.1.exon.5	76.47	10	80	19	69	4.00E-10	48.3
				LOC_0602050174.1.exon.1	LOC_0602050174.1.exon.6	63.74	16	88	68	68	3.00E-13	41
				LOC_0602050174.1.intron.3	LOC_0602050174.1.exon.9	64	5752	5603	237	88	1.00E-15	73.9
				LOC_0602050174.1.intron.3	LOC_0602050174.1.exon.7	82.61	5494	5562	22	90	1.00E-07	47.3
LOC_0607069920.1(1024*(1)1)	PGRNESL_PG.C.CHW_3000223(1)	AT3029710.1(1)	1024(new)	LOC_0607069920.1.exon.1	LOC_0607069920.1.exon.2	65.42	322	819	163	660	1.00E-73	214
				LOC_0607069920.1.exon.1	LOC_0607069920.1.exon.2	63.04	163	163	118	118	3.00E-73	93.5
				LOC_0607069920.1.intron.1	LOC_0607069920.1.exon.2	67.74	1	83	829	921	2.00E-14	83.4
LOC_0604054020.1(11349/1490/1467/1684/1895/1895/1817/2133/2294/2559*(7)2632*(8)2643*(9)2962*(10)1)	E_GMI_6_16380.1(11349/1496/1684/1895/2133/2294/2559)	AT4021380.1(11349/1490/1684/1895/2133/2284)	2862(dup);2559(new);2632(new);2962(new)	LOC_0604054020.1.exon.4	LOC_0604054020.1.exon.9	66.36	1	132	1	132	1.00E-21	85.4
				LOC_0604054020.1.exon.6	LOC_0604054020.1.exon.1	71.43	38	121	6	89	2.00E-10	48.3
				LOC_0604054020.1.exon.7	LOC_0604054020.1.exon.1	64.86	1	222	1	222	4.00E-30	119
				LOC_0604054020.1.intron.2	LOC_0604054020.1.exon.5	79.22	124	354	6	216	1.00E-40	150
				LOC_0604054020.1.intron.7	LOC_0604054020.1.exon.9	83.33	6	77	119	210	5.00E-12	84.2
LOC_060305310.1(722*(1)1)	ESTEXT_PGRNESL_PG.C.CHW_11471(1)	AT5065860.2(1)	722(new/est)	LOC_060305310.1.exon.1	LOC_060305310.1.exon.1	47.87	208	264	303	357	2.00E-15	36.3
LOC_060938510.1(89*(1)1)	S802032510(1)	AT3024220.1(1)	89(new/est)	LOC_060938510.1.exon.2	LOC_060938510.1.exon.2	47.06	928	878	843	793	3.00E-52	21.7
LOC_061103980.1(457*(1)1)	AT5021274.1(95)	E_GMI_5_854.1(95)	457(new)	LOC_061103980.1.exon.1	LOC_061103980.1.exon.1	46.67	91	235	310	444	2.00E-32	82.6

L0C_0e07g27790.1(226*(11)232*(2))504*655;763;856;940;1009;1080 150;1403;1009;1080;1249;1243;1333;1414;1507;1588 1658;1)	R_GML_9_327.1(1504;655;763;856;940;1009;1080 13149;1243;1333;1414;1507;1588;1658;1)	AT4023100.1(1504;655;763;856;940;1009;1080;1 149;1243;1333;1414;1507;1588;1658;1)	226(new;rest:232(new;rest 1)	L0C_0e07g27790.1.exon.1	L0C_0e07g27790.1.exon.1	75	173	138	114	79	8,000-13	45.5
L0C_0e04g2900.1(1334*516;1596;716;831;912;937;9 94;1060;1150;1243;1338;1488;1579;1747;1888;209 5;2194;2347;2431*(20))281;2992;3316;4073;4195 14441;4543;4865;1)	ESTXAT_GENNEWDB1PL08_C_CHR_47681(1341516;95 6;716;831;912;937;994;1060;1150;1243;1338;1 488;1579;1747;1888;2095;2194;2347;2811;2992 73316;4073;4195;4441;4543;4865;1)	AT2034660.1(1334;513;556;716;831;912;937;994 1060;1150;1243;1338;1488;1579;1747;1888;20 95;2194;2347;2811;2992;3316;4195;4441;4865; 7)	2413(new;1)	L0C_0e04g2900.1.exon.19	L0C_0e04g2900.1.exon.2 6	35.9	19	135	1	117	2,000-06	36.5
L0C_0e07g47410.1(1925*(11)1750*1769*(3)1787;19 231;1)	AT3082770.2(11507;153211793;17901923;1) 1)	ESTXAT_GENNEWDB1_C_CHR_30985(11507;17901923;1 1)	1769(new;rest:1925(new;1 1)	L0C_0e07g47410.1.exon.1	L0C_0e07g47410.1.exon.2	47.62	659	744	454	579	4,000-10	49.6
L0C_0e07g03890.1(1798*(11)1852*(2)1)	PERNSB1_PG_C_CHR_10001242(1)	AT2027710.1(1)	1798(new;11852(new;1)	L0C_0e07g03890.1.exon.1	L0C_0e07g03890.1.exon.3	65.1	295	1764	271	1740	0	807
				L0C_0e07g03890.1.exon.1	L0C_0e07g03890.1.exon.3	58.33	55	270	34	249	0	313
				L0C_0e07g03890.1.intron.2	L0C_0e07g03890.1.exon.3	61.02	4	180	8744	1950	5,000-23	92.3
L0C_0e04g39030.1(1105;4;126;454;1026*(4)1)	AT3032670.1(11276;1454;1)	ESTXAT_GENNEWDB1_PG_C_CHR_31826(45;1026;454;1) 1)	1026(new;1)	L0C_0e04g39030.1.exon.5	L0C_0e04g39030.1.exon.5	75	555	630	373	608	5,000-13	43.7
L0C_0e11g03270.1(1352;415*(7)1544;601;900;993;1 210;1400;1495*(8)1552*(10)1607*(11)1)	SB050070001(352;544;601;694;900;993;1210;14 90;1)	AT5018280.1(1352;544;601;694;900;993;1210;14 90;1)	1495(new;1552(new;1607(new 1415(new;1)	L0C_0e11g03270.1.exon.4	L0C_0e11g03270.1.exon.1 9	67.5	3	50	3	50	2,000-08	40.5
				L0C_0e11g03270.1.exon.6	L0C_0e11g03270.1.exon.1 9	64.12	38	88	1	91	6,000-09	42.8
				L0C_0e11g03270.1.exon.9	L0C_0e11g03270.1.exon.1 9	74.19	3	95	3	95	5,000-13	56.3
				L0C_0e11g03270.4.intron.9	L0C_0e11g03270.1.exon.3	62.79	800	672	129	1	1,000-13	82.5
				L0C_0e11g03270.4.intron.10	L0C_0e11g03270.1.exon.9	29.28	192	431	58	1	1,000-41	112
				L0C_0e11g03270.4.intron.10	L0C_0e11g03270.1.exon.9	60.79	157	119	1	63	1,000-45	115.9
				L0C_0e11g03270.4.intron.11	L0C_0e11g03270.1.exon.9	75.86	355	441	94	180	3,000-23	98.3
				L0C_0e11g03270.4.intron.11	L0C_0e11g03270.1.exon.8	76.92	270	347	1	78	3,000-23	53.1
L0C_0e07g03760.1(1311;312;388*(3);495*(4)1577; 90;973;1)	AT5023540.1(1117312;477;790;973;1) 1)	ESTXAT_GENNEWDB1PL08_C_CHR_22208(1117312;47 7;790;973;1)	388(new;495(new;1)	L0C_0e07g03760.1.intron.5	L0C_0e07g03760.1.exon.3	68.42	343	287	74	18	6,000-06	35
L0C_0e09g41040.1(487;1210*(3)1)	SB03006970(487;1)	AT5048930.1(487;1)	1210(new;rest:1)	L0C_0e09g41040.1.exon.2	L0C_0e09g41040.1.exon.2	66.36	161	166	35	100	5,000-11	51.9
L0C_0e04g18030.1(1389*(11)1508*(2))774*(3)813*(4) 1)1260;1265;1342*(7)1415;1494;1585;1640;1675 1804;1936;2080;2164;2251;2298*(18);2395;2521; 2620;2740;2818;3021;3112;3202;1)	ESTXAT_GENNEWDB1_C_CHR_61061(1180;1246;1415 1444;1545;1641;1675;1804;1936;2080;2179;22 53;2395;2521;2620;2740;2818;3021;3112;3202; 1)	AT1012360.1(1180;1246;1415;1494;1545;1642;1 675;1804;1936;2080;2179;2253;2395;2521;2620 2740;2818;3021;3112;3202;1)	1342(new;rest:2398(new;389(n ew;rest:550(new;rest:774(new;1 813(new;rest:1)	L0C_0e04g18030.1.exon.5	L0C_0e04g18030.1.exon.5	94.21	148	204	5	61	2,000-11	45.5
L0C_0e03g30200.1(1678*(1)1)	ESTXAT_GENNEWDB1PL08_C_CHR_210274(1)	AT1020350.1(1)	278(new;rest:1)	L0C_0e03g30200.1.exon.1	L0C_0e03g30200.1.exon.1	42.86	470	388	326	1,000-34	105	
L0C_0e07g34370.1(11350*(4)13440*(2)1)	OMI_2_408.1(1)	AT1047480.1(1390;1)	1351(new;1440(new;1)	L0C_0e07g34370.1.exon.1	L0C_0e07g34370.1.exon.3	88.87	292	396	2	106	1,000-18	76.7
				L0C_0e07g34370.1.intron.1	L0C_0e07g34370.1.exon.3	84.21	19	75	232	288	5,000-10	45.5
L0C_0e01g02080.1(170*(1)179;127)439;629;656;810 859;974;1066;1223;1386;1492;1)	ESTXAT_GENNEWDB1_PG_C_CHR_33373(439;629;656; 810;859;974;1066;1223;1386;1492;1)	AT1033570.1(448;629;656;810;859;974;1066;12 23;1386;1492;1)	70(new;79(new;1)	L0C_0e01g02080.1.exon.3	L0C_0e01g02080.1.exon.3	88.89	111	157	100	126	2,000-52	126
L0C_0e09g37390.1(288*(11)423*(2)1)	R_GML_9_35999.1(1)	AT1029430.1(1)	288(new;423(new;1)	L0C_0e09g37390.1.exon.1	L0C_0e09g37390.1.exon.3	71.53	115	285	140	310	2,000-30	100
				L0C_0e09g37390.1.exon.3	L0C_0e09g37390.1.exon.3	63.16	1	23	67	23	2,000-30	82.3
				L0C_0e09g37390.1.intron.1	L0C_0e09g37390.1.exon.3	65.81	2	130	314	442	1,000-11	54.7
L0C_0e04g52614.1(1125;315;387;459;531;603;675;7 47;819;968;1170;1260;1672;1874;2108;2227;2438; 2670;2822;2935*(20)1)	ESTXAT_GENNEWDB1_C_CHR_67621(125;315;387;45 9;531;603;675;747;819;968;1170;1260;1672;1874; 2108;2227;2438;2670;2822;1)	AT1061440.1(1125;315;387;459;531;603;675;747 819;968;1170;1260;1672;1874;2108;2227;2438; 2670;2822;1)	2935(new;rest:1)	L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.1 3	79.65	11315	11653	42	380	2,000-59	220
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.1 3	88.89	11305	11279	29	3	2,000-51	188
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.1 3	92.11	13088	13312	3	230	2,000-42	164
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.1	92.86	12778	12987	1	210	2,000-40	157
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.1	86.57	11745	11945	1	201	1,000-37	148
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.1	91.84	13904	13950	2	148	1,000-26	111
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.2	84.65	5	103	4	102	2,000-21	68.9
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.1	89.74	12247	12463	3	119	2,000-18	84.5
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.2	78.38	14024	14134	1	111	3,000-15	73.9
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.2	75.86	4539	4326	27	113	2,000-14	58.8
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.8	100	4589	4424	2	67	1,000-11	82
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.8	65.65	5614	5662	2	70	2,000-09	54.7
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.1	70.97	1885	1877	23	115	4,000-08	48.7
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.4	81.82	5457	5522	2	67	2,000-07	48.3
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.9	78.28	6924	6992	2	70	4,000-07	46.9
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.7	70.83	6205	6276	1	72	3,000-06	45.3
				L0C_0e04g52614.1.intron.1	L0C_0e04g52614.1.exon.1	76	7348	7274	75	1	5,000-06	43.2
L0C_0e01g03170.1(217;924*(2)1235*(3)1)	ESTXAT_GENNEWDB1_PG_C_CHR_30842(1217;1)	AT5037870.1(1217;1)	1235(dup;1924(new;1)	L0C_0e01g03170.1.exon.2	L0C_0e01g03170.1.exon.4	34.55	82	246	70	234	2,000-10	51
				L0C_0e01g03170.1.exon.2	L0C_0e01g03170.1.exon.2	46.15	383	460	17	94	8,000-11	23.1
L0C_0e06g44890.1(173*(1)195;295;364;607;785;918;1081;1 138;1329;1330;1486;1555;1624;1762;1891;2039;2050; 2080;2191;2320;2386;2726;2965;1)	SB100026330(195;295;364;607;785;918;1081;13 8;1330;1486;1555;1624;1762;1891;2039;2050; 2080;2191;2320;2386;2726;2965;1)	AT4010160.1(195;295;364;607;785;918;1081;13 8;1330;1486;1555;1624;1762;1891;2039;2050; 2191;2320;2386;2726;2965;1)	73(new;rest:1)	L0C_0e06g44890.1.exon.10	L0C_0e06g44890.1.exon.1	90	107	78	227	198	6,000-22	25.8
L0C_0e03g3788.1(178*(1)1)	ESTXAT_GENNEWDB1_C_CHR_70942(4)1)	AT1013830.2(1)	178(new;rest:1)	L0C_0e03g3788.1.exon.1	L0C_0e03g3788.1.exon.1	100	1	80	89	4,000-21	71.9	
L0C_0e03g46100.1(1539*(11)725;796*(11)1)	SB010005440(725;796*(11)1)	AT3022640.1(725;796*(11)1489;1)	539(new;rest:1)	L0C_0e03g46100.1.exon.1	L0C_0e03g46100.1.exon.1	41.94	104	410	502	8,000-06	34.2	
L0C_0e05g40790.1(1177;43;310;482;792;849;905;10 971;1096;1171;1317;1370;1812;1967;2068*(14);248 4*(15)1)	ESTXAT_GENNEWDB1_PG_C_CHR_90406(37;143;310;6 89;905;1007;1063;1137;1317;1370;1812;1967;1)	AT6059710.1(310;489;905;1007;1096;1177;1717 1370;1812;1967;1)	2068(new;1249(new;1)	L0C_0e05g40790.1.exon.10	L0C_0e05g40790.1.exon.1	70.37	241	321	133	213	7,000-10	49.5
				L0C_0e05g40790.1.exon.15	L0C_0e05g40790.1.exon.1	43.78	281	328	347	394	6,000-18	22.1
L0C_0e08g08140.1(1335*(11)1503*(2))785*(3)813*(4) 1)957;1161;1005*(6)1237;1441;2668;2879;3117;32 1(1)	R_GML_11_4912.1(1237;2371;2668;2879;3117;327 1;1)	AT4011390.1(1243;1268;1289;1317;3271(1) 1)	785(dup;1005(new;735(new;1 803(new;943(new;957(new;1)	L0C_0e08g08140.1.exon.1	L0C_0e08g08140.1.exon.7	34.65	91	288	698	895	2,000-14	52.4
				L0C_0e08g08140.1.exon.2	L0C_0e08g08140.1.exon.7	58.38	6	101	1061	1156	3,000-13	51.9
				L0C_0e08g08140.1.exon.3	L0C_0e08g08140.1.exon.1	78.32	30	160	6	316	3,000-33	165
				L0C_0e08g08140.1.exon.4	L0C_0e08g08140.1.exon.1	82.35	2	52	2	52	2,000-12	55.9
				L0C_0e08g08140.1.intron.2	L0C_0e08g08140.1.exon.1	82.22	1084	1198	76	210	4,000-30	95.9

				LOC_0a09g08140.1.instron.2	9	68.38	990	1067	1	70	4,000-50	86.3
				LOC_0a09g08140.1.instron.7	LOC_0a09g08140.1.exon.1	68.58	769	891	60	182	3,000-14	86.7
				LOC_0a09g08140.1.instron.4	LOC_0a09g08140.1.exon.3	67.45	283	383	1	141	2,000-15	71.2
LOC_0a02g29220.1(215*(1+1280*(2)+448+559))	SB06016950(448+559)	AT017010.1(448+559)	215(new 280(new))	LOC_0a02g29220.1.instron.1	LOC_0a02g29220.1.exon.1	85.19	84	164	134	214	7,000-06	35
				LOC_0a02g29220.1.exon.1	LOC_0a02g29220.1.exon.1	90	84	123	3	62	6,000-10	47.8
LOC_0a06g12060.1(123*(1+1280*(2)+1342*(3)))	SB040091820(1)	AT1011150.1(1)	123(new 128(new) 1342(new))	LOC_0a06g12060.1.exon.1	LOC_0a06g12060.1.exon.4	74.87	109	2158	238	1287	2,000-178	588
				LOC_0a06g12060.1.exon.1	LOC_0a06g12060.1.exon.4	59.09	34	99	178	243	2,000-178	318
				LOC_0a06g12060.1.instron.3	LOC_0a06g12060.1.exon.2	72.73	2	87	1345	2,000-12	46.4	
LOC_0a02g25910.1(1195*(1+1265+375+466))	AT5010980.1(1268+466)	ESTTEXT_PGENRESL_PG_C_CHR_60083(268+375+466)	195(new)	LOC_0a02g25910.1.exon.1	LOC_0a02g25910.1.exon.1	100	143	169	79	105	5,000-21	76.2
LOC_0a03g48524.1(1375*(1+1375*(2)))	ESTTEXT_PGENRESL_PG_C_CHR_10448(1)	AT5049280.1(1)	1375(new new 375(new))	LOC_0a03g48524.1.exon.1	LOC_0a03g48524.1.exon.2	81.76	75	333	678	830	1,000-68	154
				LOC_0a03g48524.1.exon.1	LOC_0a03g48524.1.exon.2	86	1	75	585	869	3,000-64	144
LOC_0a03g07130.2(140+371+776+1203*(5))	PGENRESL_PG_C_CHR_800555(140+371+776+1517)	AT101980.1(140+371+776)	1203(new new)	LOC_0a03g07130.2.exon.6	LOC_0a03g07130.2.exon.6	91.3	202	334	274	406	7,000-10	49.2
LOC_0a08g14700.1(74+146*(2)+1717(7))	PGENRESL_PG_C_CHR_200302(74+1717)	AT2005790.1(74+1717)	146(dup new)	LOC_0a08g14700.1.exon.2	LOC_0a08g14700.1.exon.3	88.82	1055	1284	6	242	9,000-37	138
LOC_0a03g1810.1(3315(1*(2)))	SB02003190(123+880)	AT1010870.1(123)	311(new new)	LOC_0a03g1810.1.exon.1	LOC_0a03g1810.1.exon.3	34	593	477	267	173	2,000-41	134
LOC_0a09g38830.1(1455*(1+1178*(2)+1861*(3)+2851/2948+1211*(5)))	PGENRESL_PG_C_CHR_30062(12948+3101)	AT1021270.1(12948+3125)	1786(new 1861(new) 3211(new 1455(new))	LOC_0a09g38830.1.exon.1	LOC_0a09g38830.1.exon.4	89.77	520	448	880	1008	9,000-34	78.9
				LOC_0a09g38830.1.exon.1	LOC_0a09g38830.1.exon.4	83.85	488	528	800	878	9,000-34	54.2
				LOC_0a09g38830.1.exon.1	LOC_0a09g38830.1.exon.4	83.25	359	358	130	188	9,000-34	54.2
				LOC_0a09g38830.1.exon.2	LOC_0a09g38830.1.exon.2	86.48	165	932	1	768	2,000-24	582
				LOC_0a09g38830.1.instron.1	LOC_0a09g38830.1.exon.5	80.28	95	241	26	197	2,000-24	277
				LOC_0a09g38830.1.instron.2	LOC_0a09g38830.1.exon.6	89.71	3	84	973	1056	2,000-15	53.3
				LOC_0a09g38830.1.instron.5	LOC_0a09g38830.1.exon.7	79.53	266	427	2	363	3,000-30	118
				LOC_0a09g38830.1.exon.2	LOC_0a09g38830.1.exon.1	87.74	430	379	194	308	1,000-20	22.1
				36	3	439	1,000-20	22.1				
LOC_0a08g1940.1(131190+247318+618+889590+694748+804+994+1182+1253+1326+1388+2319+2610)	AT5049900.1(851190+247318+618+889590+694748+804+994+1182+1253+1326+1388+2319+2610)	SB02007160(190+247318+618+889590+694748+804+994+1182+1253+1326+1388+2319+2610)	1810(new new)	LOC_0a08g1940.1.exon.18	LOC_0a08g1940.1.exon.1	85	504	383	129	184	1,000-49	21.7
LOC_0a04g7430.1(169*(1))	OMI_B_16898(1)	AT4006744.1(1)	169(new)	LOC_0a04g7430.1.exon.2	LOC_0a04g7430.1.exon.2	36.11	325	432	535	642	5,000-99	130
LOC_0a08g31910.1(1375*(1+1484*(2)+419*(3)+588*(4)+288*(5)))	ESTTEXT_PGENRESL_PG_C_CHR_52167(1281)	AT1081600.1(1281)	375(new 441(new) 510(new new 585(new) 881(new))	LOC_0a08g31910.1.exon.9	LOC_0a08g31910.1.exon.6	89.23	119	196	109	186	4,000-10	60.1
				LOC_0a08g31910.1.instron.4	LOC_0a08g31910.1.exon.2	82	78	252	2	76	1,000-11	57
				LOC_0a08g31910.1.instron.5	LOC_0a08g31910.1.exon.1	84.17	454	423	83	188	9,000-06	35.9
				LOC_0a08g31910.1.instron.6	LOC_0a08g31910.1.exon.1	70	251	262	31	2	7,000-04	35.9
				LOC_0a08g31910.1.exon.1	LOC_0a08g31910.1.exon.1	86.85	234	320	147	233	2,000-42	77.1
LOC_0a08g2500.1(1109+292+982*(132*(4)))	E_GMI_7_400.1(1109+292+982)	AT1012420.1(63+109+224+292+977+982)	132(new)	LOC_0a08g2500.1.exon.3	LOC_0a08g2500.1.exon.4	36	463	612	28	177	2,000-07	40
LOC_0a08g1480.1(124*(1+187*(2)+65*(3)+1751*(4)+986+1036+1137+1263+1266+1294+1381+1468+1534+1627+1684+1816+1907+1996+2190+2302))	ESTTEXT_PGENRESL_PG_C_CHR_2881(1038+1177+1263+1266+1294+1381+1468+1534+1627+1684+1816+1907+1996+2190+2302)	AT4010800.1(986+1036+1137+1263+1266+1294+1381+1468+1534+1627+1684+1816+1907+1996+2190+2302)	1294(new new 2101(new) 25(new 986 167(new new 693(new new 1751(new new))	LOC_0a08g1480.1.exon.3	LOC_0a08g1480.1.exon.3	50	219	160	325	265	8,000-14	27.2
LOC_0a10g40934.5(1268+516+691*(5)+847)	E_GMI_1_1355.1(1268+516+847)	AT1017020.1(1268+516+847)	691(new new)	LOC_0a10g40934.5.exon.1	LOC_0a10g40934.5.exon.3	74.29	210	1	1545	1358	6,000-48	124
				LOC_0a10g40934.5.exon.2	LOC_0a10g40934.5.exon.4	91.12	1	246	1	246	8,000-44	193.4
				LOC_0a10g40934.5.exon.2	LOC_0a10g40934.5.exon.5	85.71	329	496	2	169	2,000-11	120
				LOC_0a10g40934.5.exon.2	LOC_0a10g40934.5.exon.6	86.42	305	852	1	78	1,000-12	58.8
				LOC_0a10g40934.5.exon.3	LOC_0a10g40934.5.exon.7	79.35	278	3	278	3	4,000-52	169
				LOC_0a10g40934.5.instron.2	LOC_0a10g40934.5.exon.2	84	2	76	499	972	8,000-13	55.1
				LOC_0a10g40934.5.instron.3	LOC_0a10g40934.5.exon.2	95.24	22	85	264	326	6,000-11	55.8
LOC_0a01g71860.1(8*(1)+85*(2))	ESTTEXT_PGENRESL_PG_C_CHR_30415(971+230)	AT507260.1(974)	8(new 955(new new))	LOC_0a01g71860.1.exon.2	LOC_0a01g71860.1.exon.3	66.88	462	932	471	941	4,000-123	262
				LOC_0a01g71860.1.exon.2	LOC_0a01g71860.1.exon.3	56.3	9	365	30	386	4,000-123	158
LOC_0a07g39250.1(2308*(1))	ESTTEXT_PGENRESL_PG_C_CHR_30432(1185+969)	AT1082780.1(1)	3308(new)	LOC_0a07g39250.1.exon.1	LOC_0a07g39250.1.exon.1	50	1393	1494	1293	1364	3,000-139	139
LOC_0a09g39090.1(530+922+1119*(3)+1126*(4))	ESTTEXT_PGENRESL_PG_C_CHR_71989(530+781)	AT506260.1(530+922)	1119(new 1126(new))	LOC_0a09g39090.1.exon.3	LOC_0a09g39090.1.exon.5	62.5	78	195	67	186	1,000-17	72.5
LOC_0a06g10730.1(29*(1+12050+2371+2458+3070+3219+3530+3745+4051+4135+4385))	SB02004080(2060+2371+2458+3070+3219+3530+3745+4051+4135+4385)	AT3021250.1(2060+2371+2458+3070+3219+3530+3745+4051+4135+4385)	29(new new)	LOC_0a06g10730.1.exon.2	LOC_0a06g10730.1.exon.2	82.94	626	976	920	870	2,000-71	178
LOC_0a01g1160.1(11353*(1))	E_GMI_3_262(1)	AT2034960.1(1)	1353(new new)	LOC_0a01g1160.1.exon.1	LOC_0a01g1160.1.exon.1	39.13	613	545	523	455	7,000-48	39.6
				LOC_0a01g1160.1.exon.2	LOC_0a01g1160.1.exon.2	37.5	241	146	455	360	5,000-44	26.3
LOC_0a01g15910.1(178*(1)+522+573+665+766+817+894+6100+1091+1131+1226+1331+1486+1513+1597+1696+1801+1873+2063)	AT5017310.2(522+573+665+766+817+894+6100+1091+1131+1226+1331+1486+1513+1597+1696+1801+1873+2063)	ESTTEXT_PGENRESL_PG_C_CHR_2072(522+573+665+766+817+894+6100+1091+1131+1226+1331+1486+1513+1597+1696+1801+1873)	78(new)	LOC_0a01g15910.1.exon.2	LOC_0a01g15910.1.exon.2	77.78	65	91	34	60	5,000-42	121
LOC_0a06g51130.1(1078*(1))	ESTTEXT_PGENRESL_PG_C_CHR_102758(1229+547+684+1029)	AT5042340.1(547+684+1029)	1078(new)	LOC_0a06g51130.1.exon.2	LOC_0a06g51130.1.exon.2	81.71	324	202	450	328	1,000-118	131
LOC_0a02g29450.1(1251+421+532+1037+1085*(6)+1373+1513+2003)	ESTTEXT_PGENRESL_PG_C_CHR_41283(1251+422+533+211037+1373+1513+2003)	AT508870.1(1158+422+532+1037+1373+1513+2003)	1085(new new)	LOC_0a02g29450.1.exon.3	LOC_0a02g29450.1.exon.3	46.15	6	83	9	86	1,000-10	83.6
LOC_0a02g56760.1(298+417+1030*(3)+1248*(4))	ESTTEXT_PGENRESL_PG_C_CHR_41265(298+417)	AT502160.1(298+417)	1030(dup 1248(new))	LOC_0a02g56760.1.exon.2	LOC_0a02g56760.1.exon.4	77.27	1	66	1	66	2,000-09	44.1
				LOC_0a02g56760.1.exon.3	LOC_0a02g56760.1.exon.5	43.08	6	200	9	200	4,000-12	56.1
LOC_0a01g61820.1(167162*(2)+289*(3)+423*(4)+61673+799)	ESTTEXT_PGENRESL_PG_C_CHR_36573(61676+672+799)	AT5002960.1(61676+672+799)	1671(dup new 289(dup new 423(new))	LOC_0a01g61820.1.exon.2	LOC_0a01g61820.1.exon.6	100	1	156	1	156	2,000-36	138
				LOC_0a01g61820.1.exon.3	LOC_0a01g61820.1.exon.7	100	126	6	126	1	6,000-27	103
				LOC_0a01g61820.1.instron.4	LOC_0a01g61820.1.exon.8	88.82	6	134	6	134	9,000-13	118
				LOC_0a01g61820.1.instron.4	LOC_0a01g61820.1.exon.8	78	204	46	195	204	5,000-36	90.4
				LOC_0a01g61820.1.instron.4	LOC_0a01g61820.1.exon.8	100	1	54	135	188	5,000-30	87.2



L0C_0a02g56200.1(410*(11:650:826;1007:1060;1204:1309:1462:1642:1767:1930:1996:2090:2203:2274:2482))	SBO0036510(826:1007:1060:1204:1309:1462:1642:1767:1930:1996:2090:2203:2274:2482)	AV2039190.2(1650:847;826:1007:1060:1204:1309:1462:1660:1767:1930:1996:2090:2203:2274:2482)	410(new)	L0C_0a02g56200.1.exon.2	L0C_0a02g56200.1.exon.3	75	3	62	3	62	3,000-07	39.1
L0C_0a03g27580.1(313*(11))	BTXYT_PGNSB1_XG-C_CHR_6006(1)	AV4002360.1(1)	313(new)	L0C_0a03g27580.1.intron.1	L0C_0a03g27580.1.exon.2	88.89	89	36	94	41	1,000-09	46
				L0C_0a03g27580.1.intron.1	L0C_0a03g27580.1.exon.1	93.75	393	440	243	290	9,000-09	42.8
L0C_0a02g20720.1(163*(11:198*(2):241*(3):377(354*(4):378*(5):421*(6):482*(7):499*(8):624*(9)))	R_GM1.5.16579.1(13387)	AV5019000.1(1086:1450:1336)	163(new) 198(new) 241(new) 374(new) 378(new) 421(new) 482(new) 499(new) 624(new)	L0C_0a02g20720.1.exon.1	L0C_0a02g20720.1.exon.4	97.06	60	161	3	104	8,000-21	83.5
				L0C_0a02g20720.1.exon.1	L0C_0a02g20720.1.exon.4	87.5	3	50	36	83	5,000-07	37.7
				L0C_0a02g20720.1.intron.3	L0C_0a02g20720.1.exon.1	79.31	247	191	139	92	3,000-12	57.4
				L0C_0a02g20720.1.intron.3	L0C_0a02g20720.1.exon.1	100	202	255	3	56	3,000-10	49.2
				L0C_0a02g20720.1.intron.3	L0C_0a02g20720.1.exon.4	77.78	247	167	81	1	1,000-21	34.2
				L0C_0a02g20720.1.intron.9	L0C_0a02g20720.1.exon.9	100	32	71	54	113	3,000-09	46.9
				L0C_0a02g20720.1.exon.1	L0C_0a02g20720.1.exon.1	87.5	93	140	3	50	5,000-07	37.7
L0C_0a05g43910.1(967(1624:1621*(21)))	BTXYT_PGNSB1GB10JUB-C_CHR_91120(967)	AV3048280.1(967)	1624(new)	L0C_0a05g43910.1.exon.1	L0C_0a05g43910.1.exon.1	35.48	322	230	854	762	3,000-09	22.5
				L0C_0a05g43910.1.exon.3	L0C_0a05g43910.1.exon.3	88.89	52	1	152	100	3,000-10	66.4
L0C_0a06g41880.1(32*(11:404*(12):435(449:733(843:971(1130:1248:1792:1887:2175:2290:2504)))	BTXYT_PGNSB1S81-C_CHR_106910(733:843:971:1130:1248:1792:1887:2142:2290:2504)	AV4034960.1(1)	382(new) 404(new)	L0C_0a06g41880.1.intron.1	L0C_0a06g41880.1.exon.1	65	4	123	228	347	5,000-13	61.6
				L0C_0a06g41880.1.intron.1	L0C_0a06g41880.1.exon.1	88.46	3	80	140	226	3,000-12	59.3
				L0C_0a06g41880.1.intron.1	L0C_0a06g41880.1.exon.1	84.62	3	80	71	168	2,000-13	56.5
				L0C_0a06g41880.1.intron.1	L0C_0a06g41880.1.exon.1	85.21	76	14	66	4	1,000-08	46.9
				L0C_0a06g41880.1.exon.1	L0C_0a06g41880.1.exon.1	93.75	147	4	381	238	9,000-10	118
L0C_0a07g35520.1(74(1448(21:1708)))	PGNSB1_PG-C_CHR_200302(74:1708)	AV505180.1(74:1708)	1448(new) 1404(new)	L0C_0a07g35520.1.exon.2	L0C_0a07g35520.1.exon.3	87.07	1050	1295	3	248	3,000-38	144

**C. elegans**

GeneID (CDS intron positions; * indicates new intron position)	Ortholog1 (CDS intron positions)	Ortholog2 (CDS intron positions)	New Intron Position (Type) EST evidence	Internal duplicated Region								
				Query id	Subject id	% identity	q. start	q. end	s. start	s. end	e-value	bit score
C4107.21(8:212;440;749;777;922;1161*(7);1351;1472;2044;2623;)	CM005961(96:232;740;649;777;961;1161;1072;2044;1472;2044;2623;)	NM_061117(481;458;652;784;778;970;926;1363;1364;1501;1395;1676;1062;2053;)	1161(new);	C4107.2.intron.6	C4107.2.exon.8	100	258	299	136	177	3.00E-07	39.6
Y618A.1(1362;1004;995*(2);)	CM016980(216;362;738;)	NM_064059(216;364;556;702;883;)	1004(new);	Y618A.1.intron.1	Y618A.1.exon.1	100	871	1027	3	359	2.00E-81	286
				Y618A.1.intron.1	Y618A.1.exon.2	100	81	131	3	83	4.00E-15	66.6
Z8184.1(826;1190*(2);)	CM020329(826;)	NM_371584(784;)	1190(new);	Z8184.3.exon.1	Z8184.3.exon.3	46.95	394	747	393	746	1.00E-90	200
				Z8184.3.exon.1	Z8184.3.exon.3	82.35	81	98	128	128	1.00E-90	135
Y0584.8(159*(1);289;548;)	NM_071747(286;388;506;811;)	CM010420(289;548;)	159(new);	Y0584.8.exon.1	Y0584.8.exon.1	92.03	1	138	171	308	1.00E-51	186
E02C12.1(101;42;229;409;1054;1260*(5);1402*(6);1466*(7);1823*(8);)	CM019264(142;229;409;958;1054;)	NM_073870(112;136;217;)	1402(dup);1659(dup);1260(new);1823(new);	E02C12.10.exon.1	E02C12.10.exon.6	55.32	1	141	2	142	1.00E-16	65.1
				E02C12.10.exon.2	E02C12.10.exon.9	55.17	1	87	1	87	3.00E-08	39.6
				E02C12.10.exon.9	E02C12.10.exon.9	48.28	1	87	1	87	4.00E-07	35.9
				E02C12.10.exon.9	E02C12.10.exon.9	53.81	1	160	68	261	2.00E-26	81.2
				E02C12.10.exon.3	E02C12.10.exon.9	48.57	1	105	88	192	3.00E-07	37.7
				E02C12.10.exon.4	E02C12.10.exon.9	57.14	1	84	1	84	2.00E-08	43.7
				E02C12.10.exon.7	E02C12.10.exon.9	60.94	1	132	1	132	2.00E-23	62.1
				E02C12.10.intron.8	E02C12.10.exon.1	63.81	15	195	1	141	4.00E-19	74.4
				E02C12.10.intron.8	E02C12.10.exon.6	61.7	55	195	2	142	5.00E-18	67.5
Y5402A.38(151;1388*(2);526*(3);715;835;1072;1210;2139);)	CM013903(1072;1210;1399;1525;1604;)	NM_00102833(151;217;712;835;895;1069;1399;)	388(dup);526(dup);	Y5402A.38.exon.2	Y5402A.38.exon.6	96.2	1	237	1	237	5.00E-54	194
				Y5402A.38.exon.9	Y5402A.38.exon.9	56.52	1	138	1	138	3.00E-16	68
				Y5402A.38.exon.4	Y5402A.38.exon.9	49.52	1	109	1	109	2.00E-06	62
				Y5402A.38.exon.7	Y5402A.38.exon.9	80.53	13	202	13	202	1.00E-13	105.5
				Y5402A.38.intron.5	Y5402A.38.exon.1	98	728	878	1	150	2.00E-36	119
R07C3.1(151;241;1386;509*(4);616*(5);709*(6);895*(7);)	CM009432(386;1456;)	NM_073870(247;386;1456;1390;1783;1732;)	616(dup);709(dup);509(new);616(new);	R07C3.1.exon.4	R07C3.1.exon.7	65.38	3	80	151	228	5.00E-11	48.7
F35R12.1(1308(1);1421;559;777;)	CM01148(421;559;777;)	NM_070103(1;)	308(new);	F35R12.1.intron.1	F35R12.1.exon.1	90.91	69	37	226	258	2.00E-21	71.6
M153.3(135*(1);244;456;563;741;7870;1100;)	CM016222(563;134741;870;1100;)	NM_072631(244;456;)	35(new);	M153.3.exon.2	M153.3.exon.5	44.19	51	179	48	176	4.00E-12	54.2
F56A4.11(102*(1);1338*(2);816*(3);858*(4);7197(1);085;1553;1864;2026;2143;)	CM01115(978;1085;1307;1563;1864;2026;2143;)	NM_071251(980;1057;1303;1560;1840;2026;)	102(dup);1338(new);816(new);78(new);	F56A4.11.exon.1	F56A4.11.exon.5	65.22	31	99	50	118	9.00E-09	42.3
				F56A4.11.exon.2	F56A4.11.exon.6	88.57	2	106	2	106	5.00E-20	61.2
				F56A4.11.exon.3	F56A4.11.exon.7	80.62	81	467	81	467	1.00E-75	260
				F56A4.11.exon.7	F56A4.11.exon.7	90	3	32	3	32	1.00E-75	236
T19A5.5(954*(1);593;754;976;1072;1438;)	CM019142(534;593;754;976;1072;1438;)	NM_072912(456;535;876;1141;1435;)	354(new);	T19A5.5.exon.1	T19A5.5.exon.2	77.03	52	273	17	218	2.00E-42	156
K1102.40(314;484;680;693*(4);)	CM008722(179;314;484;680;)	NM_00104722(226;283;343;484;682;685;781;)	693(new);	K1102.40.exon.2	K1102.40.exon.4	44	118	192	6	80	5.00E-06	31.1
C0205.3a(44*(1);485*(2);738*(3);893;1358;)	CM018105(893;1358;)	NM_00104377(1219;1339;1498;)	44(dup);485(dup);738(new);	C0205.3a.exon.2	C0205.3a.exon.5	77.61	39	440	63	464	3.00E-78	205
				C0205.3a.exon.2	C0205.3a.exon.5	86.67	1	45	24	68	3.00E-78	203
				C0205.3a.exon.3	C0205.3a.exon.6	73.49	3	251	3	251	8.00E-44	146
T04C12.1(194;109*(2);350*(3);527*(4);)	CM023095(194;)	NM_071341(97;)	527(dup);527(new);350(new);	T04C12.1.exon.2	T04C12.1.exon.5	89.36	36	82	36	82	9.00E-12	54
				T04C12.1.exon.1	T04C12.1.exon.4	62.75	40	192	24	176	2.00E-21	84.3
H25R10.1(1334;258;571;1076;1211*(5);1370*(6);)	CM00344(134;286;571;1076;)	NM_070491(133;284;288;766;889;1076;)	1370(dup);1211(new);	H25R10.1.exon.2	H25R10.1.exon.6	96.23	1	159	1	159	1.00E-75	268
				H25R10.1.exon.3	H25R10.1.exon.7	92.18	2	179	2	179	3.00E-68	244
C33C12.8(41*(1);380;533;667;740;1078;1210;1297;1461;1483;)	CM01050(380;533;667;740;1078;1210;1297;1461;1483;)	NM_00104285(274;380;667;1078;1210;1459;1483;)	41(new);	C33C12.8.intron.1	C33C12.8.exon.2	67.5	293	174	121	2	6.00E-15	65.2
F12R12.1(1163*(1);1363*(2);404;1003;)	CM012129(404;832;1003;)	NM_071350(640;832;)	163(dup);1363(new);	F12R12.11.exon.1	F12R12.11.exon.4	94.44	1	162	438	599	8.00E-33	122
				F12R12.11.exon.9	F12R12.11.exon.9	90.97	3	198	3	198	4.00E-40	147
Y104H12D.1(197;310*(2);1484;)	NM_067649(197;403;)	CM011937(197;403;484;)	310(new);est;	Y104H12D.1.intron.2	Y104H12D.1.exon.4	100	730	880	3	51	8.00E-08	44.6
M03A1.3(205;313;556;744;985;1144*(6);1285*(7);1713*(8);1793*(9);1957*(10);)	NM_062404(739;985;)	CM013459(205;313;556;744;985;1144;1045;)	1285(dup);744(dup);1713(dup);est;1144(new);1793(new);est;1957(new);est;	M03A1.3.exon.3	M03A1.3.exon.8	49.3	31	243	28	240	1.00E-22	90
				M03A1.3.exon.4	M03A1.3.exon.6	67.21	1	242	242	242	8.00E-20	110
				M03A1.3.exon.5	M03A1.3.exon.10	36.11	110	317	110	317	4.00E-08	111.5
				M03A1.3.exon.5	M03A1.3.exon.9	73.68	2	58	2	58	1.00E-07	40
				M03A1.3.exon.6	M03A1.3.exon.11	48	25	24	135	135	2.00E-07	36.2
M01R10.2(970;126;385;673*(4);1111;1404*(6);13580;12065;2056;2362;2425;2926;3334;3487;3562;3641;3785;3855;)	NM_065501(979;709;1311;1378;1538;1618;1851;1995;2359;2425;2560;2659;2923;3334;3487;3641;3784;3844;)	CM015118(970;126;1111;1350;1786;2050;2057;2362;2425;2684;2926;3334;3481;3562;3641;3785;3855;)	1404(new);673(new);	M01R10.2.exon.5	M01R10.2.exon.5	61.64	282	244	321	283	4.00E-34	46
Y19D10A.10(102*(1);209*(2);1687*(3);1729*(4);449;1958;1434;1735;1897;2011;)	CM01116(649;956;1278;1434;1735;1897;2011;)	NM_071251(851;928;1174;1431;1711;1897;)	102(dup);209(dup);1687(new);77(2)(new);	Y19D10A.10.exon.1	Y19D10A.10.exon.5	65.22	31	99	60	118	9.00E-09	42.3
				Y19D10A.10.exon.2	Y19D10A.10.exon.6	88.57	2	106	2	106	1.00E-20	61.2
				Y19D10A.10.exon.3	Y19D10A.10.exon.7	80.42	81	467	81	467	1.00E-75	260
				Y19D10A.10.exon.7	Y19D10A.10.exon.7	90	3	32	3	32	1.00E-75	236
T22P7.5(311*(1);1751;890;1267;1376;)	NM_071066(334;697;889;1036;1267;)	CM015281(751;890;1267;)	311(new);	T22P7.5.exon.2	T22P7.5.exon.3	31.11	481	615	4	138	1.00E-07	40.6
C37E2.3(127*(1);235*(2);379;487;639;705;854;)	CM016110(379;487;639;705;854;)	NM_00102977(364;640;)	127(dup);235(dup);	C37E2.3.exon.2	C37E2.3.exon.4	48.57	1	105	1	105	8.00E-10	45.1
				C37E2.3.intron.2	C37E2.3.exon.5	59.13	227	274	22	150	7.00E-10	49.2
AKC.1(64;165;262;773;1002*(5);)	CM010231(64;161;773;)	NM_071665(67;421;534;640;643;772;)	1002(new);	AKC.1.exon.5	AKC.1.exon.6	81.25	100	215	71	166	6.00E-14	59.8

C4507.1(1413511258:325141394)	CB010836(351351:2681394)	NM_067806(1511258)	325(new)	C4507.1.exon.4	C4507.1.exon.5	94.74	1	57	13	69	5.05E-23	89.7
W04C9.6(134143:338727:9661090:11861257:1437 *)	CB022670(143:291332:727:9661090:11861257)	NM_058336(133:346:316:703:964:1186:125 8(1249))	1437(new)	W04C9.6.exon.10	W04C9.6.exon.10	66.67	88	62	31	5	7.05E-55	24.9
ZK792.1a(131521110:238468:63073771297:148071 623*(10113711111113769*(1212392*(13112611*(1 4)))	CB006999(52110:323:468:63073771297:14807)	NM_069806(238:469:628:1297:1300:14807)	2192(dup);1623(new);1711(new );11789(new);2811(new)alt;	ZK792.1a.exon.8	ZK792.1a.exon.14	29.79	258	398	273	413	3.05E-09	35.4
				ZK792.1a.exon.8	ZK792.1a.exon.14	42.31	93	170	102	179	1.05E-09	30.4
				ZK792.1a.exon.9	ZK792.1a.exon.15	38.24	82	183	229	330	1.05E-09	37.3
				ZK792.1a.exon.9	ZK792.1a.exon.15	50	5	48	142	189	1.05E-09	26.3

D. melanogaster												
GeneID(CDS intron positions)	Ortholog1(CDS intron positions)	Ortholog2(CDS intron positions)	New Intron Type(position type) EST evidence	Internal duplicated Region Query id	Subject id	% identity	q. start	q. end	s. start	s. end	e-value	bit score
gdp-PA(90*(1125*(211316*(3318761031))	FB000199155(8761031)	FB00021628(8761031)	257(new eat:1316 new eat:90 new eat:	gdp-PA.intron.3	gdp-PA.exon.4	44.36	2460	3038	25	423	9.00E-57	139
				gdp-PA.intron.3	gdp-PA.exon.4	47.08	972	1124	1	151	3.00E-46	138
				gdp-PA.intron.3	gdp-PA.exon.6	69.87	7619	7756	21	159	1.00E-16	75.9
				gdp-PA.intron.3	gdp-PA.exon.6	58.14	5004	5312	21	159	5.00E-13	67.5
				gdp-PA.intron.3	gdp-PA.exon.6	53.03	3600	3600	15	144	3.00E-12	64.8
				gdp-PA.intron.3	gdp-PA.exon.5	42	2011	2163	15	144	4.00E-10	57.6
				gdp-PA.intron.3	gdp-PA.exon.5	64	1846	1935	2	151	5.00E-16	73.6
OC935-DB(89:254:494:661:898:1051:1255:1459:1564:200:2252:2617:1251)	FB000214308(254:494:661:898:1051:1255:1459:1564:200:2252:2617:1251)	FB000204700(254:494:661:898:1051:1255:1459:1564:200:2152:2899)	2411(new eat:	OC935-DB.intron.12	OC935-DB.exon.5							
				OC935-DB.intron.12	OC935-DB.exon.6	88.73	1682	1446	1	237	3.00E-51	189
						100	1281	1281	3	152	4.00E-31	122
OD34402-PC(149:318:545:1127*(412547*(51749*(61))	FB000209964(545)	FB000213893(545)	1547(dup eat:1127 new eat:1749 new eat:	OD34402-PC.exon.4	OD34402-PC.exon.6							
						44.12	96	197	72	173	8.00E-07	40.9
oohA-DB(70:11084:1437(725:4715:1468(61))	FB000210009(70:11084:1437(725:4715:1468(61))	FB000210367(70:11084:1437(725:4715:1468(61))	4468(new :	oohA-DB.exon.3	oohA-DB.exon.3	36.84	2218	2105	938	825	3.00E-40	29.5
glic1alpha-DB(43:176:244:314:551:686:839:1019:1126:1263:1251:1368*(11))	FB000198248(43:176:244:314:551:686:839:1019:1126:1251)	FB000241336(43:176:244:314:551:699:690:839:1019:1126:1251)	1368(new eat:	glic1alpha-DB.intron.11	glic1alpha-DB.exon.11							
						100	6960	7001	3	104	5.00E-20	89
shagap-DB(28:305:1481:1485*(31))	FB000197864(28:305)	FB000226327(28:305)	1481(new eat:	shagap-DB.exon.3	shagap-DB.exon.3	28.85	651	806	27	182	2.00E-07	40.9
omocur-DB(2055*(11:3035*(2113244))	FB000207072(3089:3244)	FB000215700(3089:3244)	2055(new eat:3035 new eat:	omocur-DB.exon.1	omocur-DB.exon.1							
						57.14	1492	1576	1039	1122	3.00E-19	64.9
OD13582-PA(1714*(113005*(21))	FB000208733()	FB00021464()	1714(new :3005 new :	OD13582-PA.exon.1	OD13582-PA.exon.3							
				OD13582-PA.exon.1	OD13582-PA.exon.3	65.87	718	1987	876	1543	6.00E-174	166
				OD13582-PA.exon.1	OD13582-PA.exon.3	56.9	344	711	323	670	6.00E-174	164
				OD13582-PA.exon.1	OD13582-PA.exon.2	49.54	152	363	98	319	6.00E-174	164
				OD13582-PA.exon.1	OD13582-PA.exon.2	49.8	928	1683	520	1275	1.00E-138	100
				OD13582-PA.exon.2	OD13582-PA.exon.3	63.82	408	697	4	207	1.00E-138	148
				OD13582-PA.exon.2	OD13582-PA.exon.3	72.04	723	1185	893	1549	3.00E-142	250
				OD13582-PA.exon.2	OD13582-PA.exon.3	65.87	4	294	365	655	3.00E-140	127
OD11718-PA(90*(11239*(211073*(31105))	FB000213628(457)	FB000210345(1105)	1071(new 1139 new 90 new :	OD11718-PA.exon.3	OD11718-PA.exon.3	38.1	805	743	601	539	3.00E-49	52.8
Mat39FB-DB(705:875:1252*(311860*(412021*(512376*(61))	FB000206919(705:875:1252)	FB000225737(705:875:1279)	1860(dup eat:1021 dup eat:1252 new eat:2376 new eat:1856 new eat:2659 new eat:948 new :	Mat39FB-PA.exon.1	Mat39FB-PA.exon.4							
				Mat39FB-PA.exon.3	Mat39FB-PA.exon.6	61.39	85	690	1	606	3.00E-85	259
						63.45	6	353	6	353	1.00E-39	146
OC32972-PA(103:596:3034:5172:3380:3610*(613638*(71))	FB000207106(103:596:3034:3572:3380)	FB000205228(103:844:3034:3572:3380)	3610(dup :3838 new :	OC32972-PA.exon.3	OC32972-PA.exon.3							
				OC32972-PA.exon.8	OC32972-PA.exon.8	44.44	241	188	79	26	0	21.7
						83.33	451	212	348	45	0	543
OD516-DB(154:280:820*(81))	FB000215818(154:280:1017:530)	FB000209820(154:280)	820(dup eat:	OD516-DB.exon.1	OD516-DB.exon.3							
				OD516-DB.exon.2	OD516-DB.exon.4	34.29	19	133	315	419	9.00E-08	32.2
				OD516-DB.exon.3	OD516-DB.exon.4	50	67	222	70	225	5.00E-16	67
						61.64	78	165	310	387	2.00E-07	39.6
OD981-DB(1264:1268*(311348*(213420*(312587))	FB000208505(2587)	FB00021556(2587)	1264(new eat:1348 new eat:1420 new eat:	OD981-PA.exon.1	OD981-PA.exon.2							
						72	1069	1143	7	81	5.00E-08	43.2
OD13569-DB(621:729:948*(311491*(411596*(511856*(612400*(712659*(812659*(91))	FB000209254(211:621:729)	FB000225161(621)	1491(dup eat:1596 dup eat:1400 dup eat:2499 dup eat:1856 new eat:2659 new eat:948 new :	OD13569-PA.exon.1	OD13569-PA.exon.7							
				OD13569-PA.exon.1	OD13569-PA.exon.4	53.49	501	45	431	8	0.00E-53	150
				OD13569-PA.exon.1	OD13569-PA.exon.4	54.84	211	501	140	430	4.00E-50	134
				OD13569-PA.exon.2	OD13569-PA.exon.5	60	156	223	50	124	4.00E-50	134.5
				OD13569-PA.exon.2	OD13569-PA.exon.5	70	91	2	81	4	0.00E-13	66.1
				OD13569-PA.exon.3	OD13569-PA.exon.6	67.88	2	85	2	85	4.00E-12	52.8
				OD13569-PA.exon.3	OD13569-PA.exon.6	63.46	2	157	2	157	2.00E-25	56.2
				OD13569-PA.exon.4	OD13569-PA.exon.7	61.11	2	163	2	163	2.00E-24	56.5
				OD13569-PA.exon.4	OD13569-PA.exon.7	48.44	155	538	156	539	1.00E-54	159
				OD13569-PA.exon.5	OD13569-PA.exon.8	41.7	09	157	18	155	1.00E-18	108
				OD13569-PA.exon.6	OD13569-PA.exon.9	75	2	85	2	85	1.00E-12	54.7
						65.38	2	157	2	157	8.00E-26	100
OD1334-DB(615*(311051))	FB000220384(149:350:1051:1200)	FB000197778()	617(new eat:	OD1334-DB.exon.3	OD1334-DB.exon.2							
						100	316	357	76	117	9.00E-04	34.1
Slp1-PA(605:341:617*(21))	FB000208751()	FB000219876()	605(new eat:651 new eat:	Slp1-PA.exon.3	Slp1-PA.exon.3							
						60	613	604	712	763	2.00E-140	146
shakB-DB(101*(11537*(21451*(31841:996:1061:1228:1407))	FB000206059(841:996:1061:1228:1407)	FB000222046(841:996:1061:1228:1407)	360(new eat:517 new eat:651 new eat:	shakB-DB.intron.4	shakB-DB.exon.4							
				shakB-DB.intron.4	shakB-DB.exon.3	70.75	7902	8024	2	124	3.00E-21	79.9
						72.73	7767	7898	1	152	2.00E-17	82.6
TexA1-PC(174*(11241*(2151))	FB000212697(511)	FB000201306(511)	174(new :241 new :	TexA1-PC.exon.4	TexA1-PC.exon.4							
						26	978	1127	749	898	2.00E-14	64.8
OD10512-DB(231*(11183))	FB000218815(183)	FB000201096(183)	231(new eat:	OD10512-PA.exon.2	OD10512-PA.exon.2							
						50	606	447	603	552	4.00E-07	21.7
OD6161-DB(35:385:1061*(311421(4411631))	FB000201339(49:230:1050:1142(1444:1631))	FB000202319(49:230:1050:1142(1444:1631))	1068(new eat:	OD6161-DB.exon.3	OD6161-DB.exon.3							
						77.78	320	294	638	609	4.00E-11	60.1
OD13351-DB(228:281*(211571(695))	FB000228171(141:228(1571:695))	FB000224067(141:228(1571:695))	281(new :	OD13351-PA.exon.1	OD13351-PA.exon.3							
						38.46	7	84	57	134	5.00E-06	32.7
OD13908-DB(258:1036*(21))	FB000219367(258)	FB000219367(258)	1038(new :	OD13908-DB.exon.2	OD13908-DB.exon.2							
						47.05	2106	2056	412	372	2.00E-11	26.3
VecC-DB(88:264:418:782:883:956:1140:1288:1800:1905:1201:2564)	FB000207134(88:264:418:599:782:883:956:1140:1288:1800:2564)	FB000225027(88:418:782:883:956:1140:1288:1800:2564)	1905(new eat:	VecC-PA.exon.11	VecC-PA.exon.11							
						71.33	341	331	285	285	3.00E-66	127

Ion748-DA(231:494:779*131:)	FB90200328(7:231:)	FB90219011(231:494:)	779(new):	Ion748-DA-exon_2	Ion748-DA-exon_4	41.25	14	195	7	170	3,008*12	43.4
				Ion748-DA-exon_3	Ion748-DA-exon_4	59.35	189	251	405	500	3,008*21	55.8
				Ion748-DA-exon_3	Ion748-DA-exon_4	46.34	39	161	267	389	3,008*23	50.2

<b>M. Musculus</b>												
GeneID (CDS intron positions; * indicates new intron position)	Ortholog1 (CDS intron positions)	Ortholog2 (CDS intron positions)	New Intron Position (Type) EST evidence	Internal duplicated Region Query id	Subject id	% identity	q. start	q. end	s. start	s. end	e-value	bit score
ENSMUS0000108949(47:131:474*131)	ENSBTAT0000029731(131:192:7)	ENMTO000039732(4:131:192:7)	474(new:est)	ENSMUS0000108949.exon.4	ENSMUS0000108949.exon.4	97.14	2488	2428	2892	2590	7.00E-08	35.4
ENSMUS0000086278(10:4:146:137:263*(6):1370*(1):2)	ENSBTAT0000005498(10:137:7)	ENMTO000037995(10:137:7)	263(new:est;370(new:est)	ENSMUS0000086278.exon.3	ENSMUS0000086278.exon.6	65.38	3	80	3	80	1.00E-07	40.5
ENSMUS0000079395(1213*(1):1)	ENSBTAT0000010877(28:7)	ENMTO0000244314(1)	1213(new:est)	ENSMUS0000079395.exon.1	ENSMUS0000079395.exon.2	88.87	701	792	697	788	8.00E-18	79.8
				ENSMUS0000079395.exon.1	ENSMUS0000079395.exon.2	78.95	224	489	223	486	8.00E-15	69.9
				ENSMUS0000079395.exon.1	ENSMUS0000079395.exon.2	57.58	29	263	28	124	1.00E-07	27.7
												138
ENSMUS0000097494(1216*(1):1)	ENSBTAT0000020977(28:7)	ENMTO0000244314(1)	1216(new:est)	ENSMUS0000097494.exon.3	ENSMUS0000097494.exon.4	94.74	700	776	695	770	5.00E-29	119
				ENSMUS0000097494.exon.3	ENSMUS0000097494.exon.4	79.7	229	307	223	305	5.00E-22	65.6
				ENSMUS0000097494.exon.3	ENSMUS0000097494.exon.4	61.62	30	326	28	324	2.00E-07	31.2
												139
ENSMUS0000039271(160:287:404*(3):557*(4):724*(5):1)	ENSBTAT0000029730(287:383:7)	ENMTO000032768(160:287:386:7)	404(new:est;557(new:est;724(new:est)	ENSMUS0000039271.exon.3	ENSMUS0000039271.exon.4	48.28	91	5	91	5	1.00E-06	37.3
ENSMUS00000101295(1216*(1):1)	ENSBTAT0000020877(28:7)	ENMTO0000244314(1)	1216(new:est)	ENSMUS00000101295.exon.3	ENSMUS00000101295.exon.4	58.24	309	1129	304	1122	3.00E-138	352
				ENSMUS00000101295.exon.3	ENSMUS00000101295.exon.4	60.61	30	326	28	324	1.00E-138	306
ENSMUS0000005678(23:143:197:260:323:386*(7):449:539:691:798)	ENSBTAT0000045513(23:143:197:260:323:449:539:691:798)	ENMTO0000394208(23:143:197:260:323:449:539:691:798)	386(new:est)	ENSMUS0000005678.exon.7	ENSMUS0000005678.exon.8	88.89	9	44	9	44	5.00E-07	40.1
ENSMUS0000016427(106:258:1070:2100*(4):1)	ENSBTAT0000008414(106:258:1070:2100*(4):1)	ENMTO0000301421(106:258:1070:2100*(4):1)	3010(new)	ENSMUS0000016427.exon.4	ENSMUS0000016427.exon.4	42.43	170	170	1531	1631	5.00E-06	36.6
ENSMUS0000072567(119:233:827*(6):192*(6):1)	ENSBTAT0000024544(119:233:7)	ENMTO0000356725(119:233:7)	827(new;920(new)	ENSMUS0000072567.exon.6	ENSMUS0000072567.exon.7	75.17	3	74	162	233	2.00E-11	51.6
				ENSMUS0000072567.intron.3	ENSMUS0000072567.exon.7	78.57	98	181	350	433	4.00E-12	55.6
				ENSMUS0000072567.exon.7	ENSMUS0000072567.exon.7	96	426	500	159	233	5.00E-11	41.8
ENSMUS0000010961(77:4:134:637*(4):1)	ENSBTAT0000039732(77:4:134:666:7)	ENSBTAT0000040334(134:140:147:243:9)	537(new:est)	ENSMUS0000010961.intron.2	ENSMUS0000010961.exon.5	100	6673	6754	2	86	2.00E-13	72.1
				ENSMUS0000010961.intron.2	ENSMUS0000010961.exon.1	100	61127	61047	81	1	8.00E-12	67
ENSMUS000003782(77:4:134:276*(3):1)	ENSBTAT0000039732(77:4:134:192:7)	ENSBTAT000005056208(134:140:102:1277:7)	276(new:est)	ENSMUS000003782.exon.4	ENSMUS000003782.exon.4	89.47	1880	1911	1380	1417	3.00E-04	64.1
ENSMUS000005939(1189*(1):1)	ENSBTAT0000020977(28:7)	ENMTO0000244314(1)	1189(new:est)	ENSMUS000005939.exon.2	ENSMUS000005939.exon.3	94.29	672	741	695	764	4.00E-25	107
				ENSMUS000005939.exon.2	ENSMUS000005939.exon.3	80.40	250	362	353	486	4.00E-10	58
				ENSMUS000005939.exon.2	ENSMUS000005939.exon.3	54.78	284	1099	307	1122	5.00E-332	332
				ENSMUS000005939.exon.2	ENSMUS000005939.exon.3	57.75	86	524	112	524	5.00E-125	157
				ENSMUS000005939.intron.3	ENSMUS000005939.exon.3	93.64	1362	1497	105	1485	0	2032
				ENSMUS000005939.intron.3	ENSMUS000005939.exon.3	82.04	4370	5104	306	1040	1.00E-114	410
				ENSMUS000005939.intron.3	ENSMUS000005939.exon.2	92.62	24140	25263	84	1207	0	1570
				ENSMUS000005939.intron.1	ENSMUS000005939.exon.2	95.54	24052	24094	23	67	4.00E-13	73.8
				ENSMUS000005939.intron.1	ENSMUS000005939.exon.2	87.3	4758	4820	671	733	1.00E-09	61.9
				ENSMUS000005939.intron.3	ENSMUS000005939.exon.1	87.98	64845	65077	1	223	3.00E-66	250
				ENSMUS000005939.intron.3	ENSMUS000005939.exon.3	85.78	44849	43458	1392	1	0	91.7
				ENSMUS000005939.intron.3	ENSMUS000005939.exon.3	65.25	4170	5369	106	1305	0	636
				ENSMUS000005939.intron.1	ENSMUS000005939.exon.2	52.57	4371	5185	284	1059	6.00E-107	347
				ENSMUS000005939.intron.1	ENSMUS000005939.exon.2	57.04	4226	4267	136	297	6.00E-107	289
				ENSMUS000005939.intron.3	ENSMUS000005939.exon.2	39.33	4385	4119	295	29	3.00E-67	101
ENSMUS0000042280(331:718*(2):1363:1)	ENSBTAT0000037258(59:157:214:258:331:517:646:954:1009:1091:1109:1192:1362:1)	ENSBTAT0000028162(59:157:214:258:331:403:517:646:954:1009:1091:1109:1192:1362:1)	718(new)	ENSMUS0000042280.exon.1	ENSMUS0000042280.exon.3	30.77	124	240	439	555	2.00E-06	34.8
ENSMUS000004773(4:143:239:362:402:497:419:74(4):1)	ENSBTAT000004093(143:242:239:278:1285:7)	ENMTO0000302609(16:143:242:239:312:309:7)	497(new;740(new)	ENSMUS000004773.intron.3	ENSMUS000004773.exon.8	58.33	15	86	99	170	2.00E-08	42.3
				ENSMUS000004773.exon.2	ENSMUS000004773.exon.8	55.26	318	611	66	179	7.00E-12	57
ENSMUS0000089001(55:121:214:571:617*(5):859:911:988:1042:1068:1226:1400:1408:1)	ENSBTAT0000045899(214:565:859:911:988:1043:1068:1226:1400:1408:1)	ENMTO0000312373(55:121:214:565:859:911:988:1043:1068:1226:1400:1408:1)	617(new)	ENSMUS0000089001.intron.8	ENSMUS0000089001.exon.8	93.22	4416	4474	73	15	5.00E-18	85.7
ENSMUS0000010808(124*(1):251:274:421:646:812*(9):301)	ENSBTAT0000036427(151:274:421:646:812:936:7)	ENMTO0000340142(151:274:421:646:812:936:7)	14(new:est)	ENSMUS0000010808.intron.1	ENSMUS0000010808.exon.9	88.89	217	252	63	98	4.00E-06	40.1
ENSMUS0000003175(150:142:269:401*(7):1)	ENSBTAT0000021140(269:365:1834:1872:7)	ENMTO0000315475(142:136:269:365:7)	401(new:est)	ENSMUS0000003175.exon.8	ENSMUS0000003175.exon.8	96.25	831	878	411	458	1.00E-15	62.3
ENSMUS0000020227(159:268:411:596:685:826:1138:11290:1493:1668*(10):1738:1)	ENSBTAT000008927(159:268:411:596:685:826:1138:11290:1493:1668:1738:1)	ENSBTAT0000057061(159:268:411:596:685:826:1142:1169:1226:1257:1290:1493:1589:1738:1)	1446(new:est)	ENSMUS0000020227.exon.10	ENSMUS0000020227.exon.10	88.89	95	148	35	88	2.00E-08	45.1
ENSMUS0000009443(86:181:221:276:342:415:518*(8):02:697:820:904:1022:947:1060:1132:1226:1431:1526:1)	ENSBTAT0000087076(86:181:221:276:342:415:518:602:697:820:904:1022:947:1060:1132:1226:1431:1526:1)	ENSBTAT0000016813(86:181:221:276:342:415:518:602:697:820:904:1022:1060:1132:1177:1226:1431:1526:1)	1355(new:est)	ENSMUS0000009443.intron.15	ENSMUS0000009443.intron.16	84.25	1733	1859	1	127	2.00E-20	93.7
				ENSMUS0000009443.intron.15	ENSMUS0000009443.intron.16	66.67	1163	1225	3	65	5.00E-06	38.2
ENSMUS0000032796(11:131:233*(4):1)	ENSBTAT0000005498(10:200:7)	ENSBTAT0000037995(10:200:7)	233(new:est)	ENSMUS0000032796.exon.5	ENSMUS0000032796.exon.5	50	419	478	503	582	0	84.5
ENSMUS0000009396(16:143:901*(6):1)	ENSBTAT0000043746(16:143:239:7)	ENSBTAT0000032762(16:143:239:1336:7)	901(new:est)	ENSMUS0000009396.intron.6	ENSMUS0000009396.exon.7	73.91	7	75	7	75	1.00E-11	51

ENSMIST000010899(4131;414*)	ENSBTAT000002297(131;132*)	ENST0000039732(4;131;132*)	474(new eat)	ENSMIST000010899.intron.1	ENSMIST000010899.exon.1	97.06	97381	97280	103	2	5.00E-16	83.5
				ENSMIST000010899.intron.2	ENSMIST000010899.exon.1	94.12	63037	62936	2	103	1.00E-15	81.7
				ENSMIST000010899.intron.3	ENSMIST000010899.exon.5	100	50848	50756	2	94	4.00E-15	79.9
				ENSMIST000010899.intron.1	ENSMIST000010899.exon.5	87.5	9642	9713	2	73	8.00E-07	52.4
				ENSMIST000010899.intron.2	ENSMIST000010899.exon.2	100	59424	59478	55	1	2.00E-23	109
ENSMIST000000919(229;116;459;535;644;697;849;982;1084;1287;1378;1479;1528*(14;1682;1888;2232;2254;2383);2;2254;2383))	ENSBTAT000003979(229;310;459;535;644;697;849;982;1084;1287;1378;1479;1482;1588;2232;2254;2383))	ENST000002297(145;229;310;459;535;644;697;849;982;1084;1241;1287;1378;1479;1682;1888;2232;2254;2383))	1518(new eat)	ENSMIST000000919.intron.15	ENSMIST000000919.exon.17	96.67	407	416	203	232	3.00E-09	52
ENSMIST000000911(32(15*(1);94;253;329;377;433;449;618;647;784;892);)	ENSBTAT000000539(94;253;329;377;433;496;518;616;67;784;892);)	ENST000003259(94;253;329;377;433;496;518;647;784;892);)	15(new eat)	ENSMIST000000911.intron.2	ENSMIST000000911.exon.1	91.86	1558	1643	262	347	7.00E-28	115
ENSMIST0000106559(6*(2);416;626*(4);)	ENSBTAT000000597(3(16;579);)	ENST00000401057(94;416);)	68(new eat;698(new ))	ENSMIST0000106559.intron.1	ENSMIST0000106559.exon.3	89.49	2202	2546	3	347	4.00E-64	240
				ENSMIST0000106559.intron.2	ENSMIST0000106559.exon.4	81.72	16208	16486	2	280	4.00E-48	187
ENSMIST0000113183(42;6*(2);345;984;)	ENSBTAT0000040359(345;984;)	ENST00000402697(22;345;984;)	42(new )	ENSMIST0000113183.intron.3	ENSMIST0000113183.exon.3	61.11	744	691	225	172	2.00E-06	33.6
				ENSMIST0000113183.intron.3	ENSMIST0000113183.exon.3	47.06	843	895	121	71	2.00E-06	24.4
ENSMIST0000005933(43;71*(1);357;951;)	ENSBTAT0000003560(357;951;)	ENST0000035728(357;951;)	43(new eat)	ENSMIST0000005933.intron.2	ENSMIST0000005933.exon.1	40.54	43	153	219	109	3.00E-07	40.5
ENSMIST0000004653(31*(1);342;920;927;)	ENSBTAT000002072(342;927;)	ENST0000035726(342;927;)	31(new eat)	ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.5	81.94	14761	15274	152	39	3.00E-71	268
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.5	79.92	57210	57662	1	473	3.00E-46	184
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.5	96.67	14507	14536	787	98	3.00E-06	52
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.2	84.01	35171	35439	37	305	1.00E-49	192
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.2	84.94	17121	17286	226	61	5.00E-30	131
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.3	80.7	56130	56499	169	141	3.00E-40	165
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.3	79.24	119173	119514	55	396	3.00E-25	115
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.3	78.45	16119	16466	395	48	2.00E-19	95.6
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.1	89.8	20475	20523	72	24	5.00E-08	58
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.6	100	14450	14477	28	1	2.00E-07	56
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.5	62.9	14753	15310	160	3	3.00E-79	254
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.5	54.55	14592	14690	721	623	3.00E-79	245
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.5	39.39	14705	14908	608	805	3.00E-66	207
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.3	56.25	55969	56024	2	49	4.00E-59	190
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.3	61.11	16512	16789	2	325	2.00E-52	190
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.3	51.67	16140	15961	374	553	2.00E-52	190
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.3	56.28	16511	15963	3	551	1.00E-48	190
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.2	68.93	35135	35443	1	309	9.00E-41	164
				ENSMIST0000004653.intron.5	ENSMIST0000004653.exon.2	65.31	17343	17050	4	297	7.00E-37	151
ENSMIST00000053910(14*(2);385;445;742;)	ENSBTAT0000042316(185;445;742;)	ENST00000001160(1)	14(new eat)	ENSMIST00000053910.intron.2	ENSMIST00000053910.exon.3	91.89	14657	14693	19	55	5.00E-06	50.1
ENSMIST0000004493(35*(2);170;369;435;601;733;853;912;53;912;979;1176;1242;1341;1503;1615;1693;1824;1846;199;203;222;2496;2639;2601;2751;2848;)	ENSBTAT000003268(170;369;435;601;733;853;912;979;1176;1242;1341;1503;1615;1693;1824;1846;199;203;222;2496;2639;2601;2751;2848;)	ENST000003268(170;369;435;601;733;853;912;979;1176;1242;1341;1503;1615;1693;1824;1998;2095;2;253;2322;2496;2639;2601;2751;2848;)	38(new eat)	ENSMIST0000004493.intron.3	ENSMIST0000004493.exon.3	100	56	76	112	132	3.00E-06	42.1
ENSMIST0000003265(77;182;426*(3);365*(4);704*(44;860);)	ENSBTAT0000005975(66;182;704;844;950;)	ENST000003265(77;182;704;844;950;)	428(dup eat;558(dup eat))	ENSMIST0000003265.exon.3	ENSMIST0000003265.exon.5	97.37	1246	1233	138	25	1.00E-23	95.9
				ENSMIST0000003265.exon.3	ENSMIST0000003265.exon.4	75.56	110	244	2	136	8.00E-21	86.3
				ENSMIST0000003265.exon.4	ENSMIST0000003265.exon.5	84.44	2	136	2	136	4.00E-21	62.7
ENSMIST00000041860(184;288;382;442;541;635;713;859;942;1099;1321;1476;1624;1707;172;205*(17);13)	ENSBTAT0000001177(288;382;442;541;635;713;859;942;1099;1321;1476;1624;)	ENST0000037421(288;382;442;541;635;713;859;942;1099;1321;1476;1624;1707;172;1700;1775;)	2054(new eat)	ENSMIST00000041860.intron.16	ENSMIST00000041860.exon.18	97.8	19422	19350	1040	768	2.00E-93	229
				ENSMIST00000041860.intron.16	ENSMIST00000041860.exon.18	90.18	19304	19172	773	591	2.00E-93	229
ENSMIST000000787(85*(1);1119;1374;1481;1581;1614;1645;1753;1870;1986;2159;2307;2371;2556;2659;2823;297;1;3124;3251;3345;3478;3679;3674;3899;4046;4243;4265;4442;4580;)	ENSBTAT000007850(1119;1374;1481;1581;1614;1645;1753;1870;1986;2159;2307;2371;2556;2659;2823;297;1;3124;3251;3345;3478;3679;3674;3899;4046;4243;4265;4442;4580;)	ENST000002297(1198;2159;2307;2371;2556;2659;2823;297;4084;4243;4366;4441;4580;)	857(new eat)	ENSMIST000000787.intron.1	ENSMIST00000047817.exon.2	97.1	1	69	1	69	2.00E-30	121
				ENSMIST00000047817.exon.3	ENSMIST00000047817.exon.10	100	1765	1735	1715	1686	0	537
ENSMIST0000101548(157;151*(1);379;485;)	ENSBTAT0000005577(379;485;)	ENST0000031765(379;485;)	157(new )	ENSMIST0000101548.intron.2	ENSMIST0000101548.exon.2	94.12	117342	117562	2	222	5.00E-91	335
				ENSMIST0000101548.intron.2	ENSMIST0000101548.exon.1	94.67	117188	117337	1	150	1.00E-60	234
				ENSMIST0000101548.intron.2	ENSMIST0000101548.exon.3	95.28	118993	119058	1	106	2.00E-41	170
				ENSMIST0000101548.intron.2	ENSMIST0000101548.exon.3	91.84	1398	1493	1	98	2.00E-29	131
				ENSMIST0000101548.intron.2	ENSMIST0000101548.exon.4	94.9	5105	5201	1	98	3.00E-34	147
ENSMIST00000089334(14*(1);2823;2959;3018;3049;3210;337;210;3370;3458;3509;3568;3640;3709;3793;3873;3973;4111;4241;4275;4504;4659;)	ENSBTAT0000016893(2823;2959;3018;3049;3210;337;458;3509;3568;3640;3709;3793;3873;3973;4111;4241;4275;4504;4659;)	ENST0000028504(2823;2959;3018;3049;3210;3370;3;458;3509;3568;3640;3709;3793;3873;3973;4111;4241;4275;4504;4659;)	14(new eat)	ENSMIST00000089334.exon.2	ENSMIST00000089334.exon.2	72.22	465	412	570	517	0	233
ENSMIST00000068340(42;6*(2);345;984;)	ENSBTAT0000040359(345;984;)	ENST00000402697(22;345;984;)	42(new )	ENSMIST00000068340.intron.3	ENSMIST00000068340.exon.3	61.11	744	691	225	172	2.00E-06	33.6
				ENSMIST00000068340.intron.3	ENSMIST00000068340.exon.3	47.06	845	895	121	71	2.00E-06	24.4

ENSMUST00000091522 143;692; 21;	ENST00000140708 143;249;1406;2856;3470;	ENST00000000528 143;154;187;233;706;2330;2344;12352;2781;12782;	692 new est;	ENSMUST00000091522.exon.3	ENSMUST00000091522.exon.3	54.04	2573	2713	252	392	2.00E-09	48
ENSMUST00000108894 62;837; 2; 7757;836;1007;	ENST000000000146 62;810;757;836;1007;	ENST000000250091 62;810;757;836;1007;	837 new ;	ENSMUST00000108894.exon.2	ENSMUST00000108894.exon.2	100	201	187	129	115	2.00E-39	25.8
ENSMUST00000088331 6*; 2; 126;	ENST000000003874 137;	ENST00000110248 1	6 new est;	ENSMUST00000088331.exon.2	ENSMUST00000088331.exon.3	98.33	1	120	1	120	4.00E-61	222
				ENSMUST00000088331.intron.2	ENSMUST00000088331.exon.4	96.97	1627	2579	1	956	0	1661
				ENSMUST00000088331.intron.2	ENSMUST00000088331.exon.1	97.76	14513	14646	37	170	8.00E-65	242

H. sapiens													
GeneID (CDS intron positions; * indicates new intron position)	Ortholog1 (CDS intron positions)	Ortholog2 (CDS intron positions)	New Intron Position (Type) EST evidence	Internal duplicated Region	Query id	Subject id	% identity	q. start	q. end	s. start	s. end	e-value	bit score
ENST00000320491(299*(1))	ENSMST00000053911(1)	ENSBTAG0000031236(33)	299(new)	ENST00000320491.intron.1	ENST00000320491.exon.2	74.09	1	660	4	661	0	993	
				ENST00000320491.exon.1	ENST00000320491.exon.1	88.35	1131	11569	41	289	5.00E-76	274	
				ENST00000320491.intron.2	ENST00000320491.exon.1	80.82	11293	11293	233	3	1.00E-40	238	
ENST00000337801(124*(1);608(728))	ENSMST0000005976(608(728))	ENSBTAG000004395(608(648(728)))	124(new)	ENST00000337801.exon.2	ENST00000337801.exon.2	63.64	354	322	225	194	1.00E-40	22.2	
ENST00000303766(110(217);339(548);663(8);774*(7);1889(8);896(19)(1110;1189))	ENSMST0000007698(110(217);339(548);763(1110;1189))	ENSMST0000014736(110(217);339(548);763(1110;1189))	691(dup);1774(dup);683(dup);1889(dup);896(dup);1110(dup);1189(dup)	ENST00000303766.exon.7	ENST00000303766.exon.2	86.11	110	3	110	3	7.00E-19	77.6	
				ENST00000303766.exon.8	ENST00000303766.exon.8	77.78	2	109	2	109	6.00E-17	91	
				ENST00000303766.exon.7	ENST00000303766.exon.9	62	121	3	101	3	8.00E-13	57.4	
				ENST00000303766.exon.8	ENST00000303766.exon.9	90.91	2	100	2	100	2.00E-19	79.4	
				ENST00000303766.exon.8	ENST00000303766.exon.1	77.78	2	109	2	109	1.00E-16	70.3	
				ENST00000303766.exon.9	ENST00000303766.exon.1	66.67	2	100	2	100	4.00E-12	55.2	
				ENST00000303766.intron.9	ENST00000303766.exon.1	83.33	435	542	2	109	4.00E-17	79.8	
				ENST00000303766.intron.9	ENST00000303766.exon.7	80.56	435	542	2	109	7.00E-17	74.8	
				ENST00000303766.intron.9	ENST00000303766.exon.8	83.33	435	542	2	109	1.00E-16	74.6	
				ENST00000303766.intron.9	ENST00000303766.exon.9	74.73	435	543	2	100	5.00E-12	69.9	
ENST00000398732(170(270);827*(3))	ENSMST00000066208(170(268);1052)	ENSMST00000078817(27(2);48(170);268(1003))	827(new)	ENST00000398732.intron.3	ENST00000398732.exon.1	79.07	33024	33024	34	152	3.00E-17	86.3	
				ENST00000398732.intron.3	ENST00000398732.exon.2	45.82	33552	33747	3	98	9.00E-08	53.3	
ENST00000292414(12(166);219(319);433(522);671(7);89(866);1027(1254);1417(1488)(13);1599(14))	ENSBTAG0000007170(12(166);219(319);433(522);671(7);89(866);1027(1254);1417(1488))	ENSMST00000031741(12(166);219(319);433(522);671(7);89(866);1027(1254);1417(1488))	1498(new);1599(new)	ENST00000292414.exon.2	ENST00000292414.exon.1	80	3	92	10	399	2.00E-17	73.5	
				ENST00000292414.intron.13	ENST00000292414.exon.1	74.14	5378	5551	3	176	5.00E-25	107	
ENST00000312161(30(31);150(2124*(1));2338(240(9);2577))	ENSBTAG0000014281(350(278);2109(2238);2409(2577))	ENSMST00000106045(30(31);150(2106);2338(2409(2577)))	2124(new);2577(new)	ENST00000312161.exon.4	ENST00000312161.exon.4	30.56	430	537	256	363	1.00E-136	146	
ENST00000398399(127(413);947*(13))	ENSBTAG0000037060(413(652))	ENSMST0000016587(127(188);413(754(715)))	947(new);1587(new)	ENST00000398399.exon.4	ENST00000398399.exon.4	66.67	1384	1349	964	920	0	714	
ENST00000298932(155(220);376(502);881(663);788(84);1006(1164);1281(1366);1451(1533);2029(2126(12366);2437(2557);2548(2585);4396))	ENSMST0000014115(12(155);208(376);502(881);666(788);84(1006);1164(1281);1366(1451);1533(2029(2126);2437(2557);2548(2585);4396))	ENSMST000000060(155(208);376(502);881(663);788(84);1006(1164);1281(1366);1451(1533);2029(2126);2437(2557);2548(2585);4396))	2116(new);2585(new)	ENST00000298932.intron.19	ENST00000298932.exon.1	94.12	696	544	65	217	3.00E-32	126	
ENST00000302699(146(273);377(626);802(1006*(6);1049(1355))	ENSMST0000003483(146(273);377(626);802(1049(1355)))	ENSBTAG0000018926(146(273);377(626);802(1049(1355)))	1006(new);1355(new)	ENST00000302699.intron.7	ENST00000302699.exon.4	88.11	212	354	67	208	8.00E-37	141	
ENST00000404756(16(113*(2));267(41*(4);435*(8);524(533(700)))	ENSMST00000024591(66(267);533(700))	ENSBTAG00000037576(62(267);533(700))	113(new);415(new);435(new)	ENST00000404756.intron.1	ENST00000404756.exon.3	91.45	151	341	1	152	2.00E-50	190	
				ENST00000404756.intron.1	ENST00000404756.exon.4	59.9	438	536	1	59	2.00E-28	117	
				ENST00000404756.intron.1	ENST00000404756.exon.8	85.1	2900	2746	5	152	6.00E-13	63.8	
				ENST00000404756.intron.1	ENST00000404756.exon.9	64	2874	2948	1	75	2.00E-08	48.7	
ENST00000398291(436(500*(2));529(535);769(766(782);893))	ENSBTAG0000003889(436(535);769(766(792);893))	ENSMST0000008760(436(535);769(792);893))	500(new)	ENST00000398291.intron.7	ENST00000398291.exon.8	50.83	50982	50623	117	476	1.00E-37	152	
				ENST00000398291.intron.7	ENST00000398291.exon.1	42.66	1436	1864	45	473	1.00E-33	139	
				ENST00000398291.intron.7	ENST00000398291.exon.1	41.27	61068	61256	70	258	8.00E-21	82.9	
				ENST00000398291.intron.7	ENST00000398291.exon.5	41.1	62738	62956	7	221	1.00E-11	54.8	
ENST00000396844(938*(1);953*(2))	ENSMST00000098164(1)	ENSBTAG0000005100(12)	938(new);953(new)	ENST00000396844.intron.1	ENST00000396844.exon.1	74.58	22759	22052	166	873	2.00E-145	441	
				ENST00000396844.intron.1	ENST00000396844.exon.1	62.9	22921	22778	1	144	2.00E-145	236	
				ENST00000396844.intron.1	ENST00000396844.exon.1	38.41	12386	11973	166	878	2.00E-40	127	
				ENST00000396844.intron.1	ENST00000396844.exon.1	87.5	13777	13262	183	878	2.00E-40	91.8	
				ENST00000396844.intron.1	ENST00000396844.exon.1	48	11800	11826	652	726	2.00E-40	91.8	
ENST00000400435(218*(1))	ENSBTAG0000046261(36(6);98(205);291(388))	ENSMST00000039527(36(6);98(205);291(388))	218(new)	ENST00000400435.intron.1	ENST00000400435.exon.1	100	49	81	185	217	7.00E-16	65.9	
ENST00000304751(97(169);250(352);382*(5);486*(8);832)	ENSBTAG00000037485(97(169);250(352);486(782);93(2))	ENSMST00000064635(97(169);250(352);486(782);93(2))	382(new);832(new)	ENST00000304751.intron.6	ENST00000304751.exon.6	93.75	30	77	54	101	5.00E-16	71.9	
ENST00000300544(481(593*(3));644(808(931);956(1))	ENSBTAG00000013174(481(597);808(848);938(969))	ENSMST00000022627(481(597);808(848);931(956))	593(new);956(new)	ENST00000300544.exon.1	ENST00000300544.exon.1	93.33	448	404	373	239	1.00E-15	86.1	
ENST00000266524(66(271);431(505);674(719);804(1124);1276(1538(11));1373(1867);2038(2186);2289(2518);2648(2770);2828(2912);3089(3173);3334(3415);3596(3820);4042(4170);4261(4330);4433(4633);4676))	ENSMST00000060574(67(271);431(484);505(674(719);804(1124);1276(1538);1373(1867);2038(2186);2289(2518);2648(2770);2828(2912);3089(3173);3334(3415);3596(3820);4042(4170);4261(4330);4433(4633);4676))	ENSBTAG0000024146(67(271);431(484);505(674(719);804(1124);1276(1538);1373(1867);2038(2186);2289(2518);2648(2770);2828(2912);3089(3173);3334(3415);3596(3820);4042(4170);4261(4330);4433(4633);4676))	1518(new)	ENST00000266524.intron.3	ENST00000266524.exon.5	61.79	5478	5645	1	168	5.00E-132	66.1	
				ENST00000266524.intron.4	ENST00000266524.exon.1	47.76	914	1134	1	201	1.00E-15	78	
				ENST00000266524.intron.4	ENST00000266524.exon.1	42.11	7197	7367	1	171	9.00E-11	63.4	
				ENST00000266524.intron.4	ENST00000266524.exon.1	42	5833	5981	41	190	1.00E-08	54.7	
				ENST00000266524.intron.4	ENST00000266524.exon.1	50	6311	6480	1	150	9.00E-08	51.9	
ENST00000370468(175(244);323(402);469(618);1708*(7))	ENSMST00000089845(175(244);323(402);469(618);1708(1708))	ENSBTAG00000020676(175(244);323(402);469(618))	1708(new);1708(new)	ENST00000370468.exon.7	ENST00000370468.exon.7	56.25	395	442	316	363	2.00E-27	56.1	
ENST00000190447(227(1703);1905*(3))	ENSMST0000007239(227(1703))	ENSBTAG00000037812(1703)	1905(new);227(new)	ENST00000190447.exon.2	ENST00000190447.exon.2	88.71	1064	1156	305	397	8.00E-36	68	
ENST00000378061(81(22(168);494*(3))	ENSBTAG0000001430(81(168);254(372);437(815);720(512075);3101))	ENSMST00000005740(81(164))	494(new);81(new)	ENST00000378061.exon.4	ENST00000378061.exon.4	58.04	1106	1004	1462	1340	1.00E-164	56.1	
ENST00000393221(456*(1);1311*(2))	ENSBTAG00000004817(1)	ENSMST00000006044(1)	1311(new);456(new);1311(new)	ENST00000393221.exon.2	ENST00000393221.exon.1	92.59	340	393	2	55	1.00E-17	75.8	
ENST00000299921(68(107);925(6))	ENSBTAG00000028661(68(107))	ENSMST00000039827(68(107))	723(new)	ENST00000299921.intron.4	ENST00000299921.exon.5	100	466	507	3	44	5.00E-06	39.1	

ENST0000037590(811511213229336154461614 885851937107412551360155916681733 5205422142239229*(11)2331*(22)237024 091)	ENST000000031468(811511213229336154461 61885851937107412551360155916681733 175911851804161918361863186119452054 225423322091)	ENST000000041251(8511307213229336154461 61885851937107412551360155916681861 19452054221422392293)	2292(new:est:2331(new:est:	ENST0000037590.exon.20	ENST0000037590.exon.2 1	93.1	11	39	11	39	1.00E-06	42.1
ENST0000037759(1096*(11)2330*(21))	ENST000000039053(12811891)	ENST000000022971(1281897)	1096(new:12330(new:est:	ENST0000037759.exon.1	ENST0000037759.exon.3	60.66	247	425	2	184	7.00E-25	96.4
				ENST0000037759.exon.1	ENST0000037759.exon.3	57.89	178	345	14	184	4.00E-23	90.4
				ENST0000037759.exon.1	ENST0000037759.exon.3	54.84	78	157	1	187	3.00E-22	84.9
				ENST0000037759.exon.1	ENST0000037759.exon.3	55	1	180	6	187	2.00E-21	84.9
				ENST0000037759.exon.1	ENST0000037759.exon.2	52.27	112	243	2	132	1.00E-13	59.3
				ENST0000037759.exon.1	ENST0000037759.exon.2	45.45	28	112	1	112	2.00E-12	55.2
				ENST0000037759.exon.2	ENST0000037759.exon.1	52.38	1	126	16	160	2.00E-13	56.1
				ENST0000037759.exon.1	ENST0000037759.exon.1	64.29	446	405	362	321	2.00E-24	91.3
ENST0000034006(51*(4)1177*(5)312*(6)14491 7871828211012170208624582743128022864 3026333213251)	ENST00000004268(1234491767182821108220 30127022862458274312802286430263332 1323253)	ENST00000008804(1234491767182821108220 30127022862458274312802286430263332 253)	177(new:est:312(new:est:51(new:est:	ENST0000034006.exon.3	ENST0000040076.exon.3	31.15	4451	4269	104	286	9.00E-06	29.9
ENST0000039928(1462453294936147191920* 171158023711880202921672075233924202 263127101)	ENST000000048938(1462453294936147191920 151896118861330014802151615601371188020 1921617227523292432263127336)	ENST000000014766(1462453294936147191920 1215602187416711388020392167207524322 6313017)	920(dup:est:	ENST0000039928.exon.8	ENST0000039928.exon.8	46.15	91	129	43	81	9.00E-07	29.7
ENST0000025838(148317587597671*(5)7557837 76274021132119311931142115111644)	ENST000000020915(175877557837982111127 1189113431469114091)	ENST000000015924(14831758759767158379591 1121193115111644)	671(new:est:	ENST00000258382.exon.5	ENST00000258382.exon.6	59.26	4	84	4	84	2.00E-06	38.8
				ENST00000258382.exon.9	ENST00000258382.exon.1	65.96	145	5	145	5	3.00E-16	71.2
ENST0000031028(8*(11)182437167414681690178 17872456259027651)	ENST00000002768(182437167414681690178 72456259027651)	ENST00000001689(182437167414681690178 72456259027651)	3(new:1	ENST0000031028.exon.2	ENST0000031028.exon.4	69.97	74	142	126	194	5.00E-07	38.6
ENST0000031519(179*(1)292*(2)3595037602 9261136128011471165730403082)	ENST00000004402(99126359503760270792 611361128011471165730403082)	ENST000000088117(973595037602926113 611361128011471165730403082)	179(new:est:292(new:est:	ENST0000031519.intron.4	ENST0000031519.exon.2	90.32	164	256	2	94	2.00E-17	74.8
ENST0000034149(77*(1)784*(2))	ENST000000015816(8237051)	ENST00000005587(1)	777(new:784(new:	ENST0000034149.intron.2	ENST0000034149.intron.2	41.60	18	68	11	68	4.00E-27	41.6
				ENST0000034149.intron.2	ENST0000034149.exon.1	89.76	338	269	25	776	0	82.0
ENST0000038025(71*(1)27113254655566367 17188619791078118012841393148016521785138 5118931252293361544616147191920*17115802 3711880202921672075233924202263127101 47132013481359237471384140284036446334 470146224761484446951099157815977156991 58971582166147121688370247204173667441 176127813806516721844316931862187761888 178920)	ENST000000087204(271132546555663671718 8619791078118012841393148016521785138 931252293361544616147191920*17115802 3711880202921672075233924202263127101 32013481359237471384140284036446334 445146224761484446951099157815977156991 156991589715821661471216883702472041736 677441761278138065167218443169318621877 61886718920)	ENST000000035784(271132546555663671718 8619791078118012841393148016521785138 931252293361544616147191920*17115802 3711880202921672075233924202263127101 32013481359237471384140284036446334 445146224761484446951099157815977156991 156991589715821661471216883702472041736 677441761278138065167218443169318621877 61886718920)	71(new:est:	ENST00000380250.exon.1	ENST00000380250.exon.1	61.54	358	396	373	311	2.00E-62	22.6
ENST0000029118(73594239*(5))	ENST00000005043(221710828427)	ENST00000001074(194732211)	239(new:est:	ENST00000291187.exon.6	ENST00000291187.exon.8	76.92	1326	1403	1407	1484	0	147
ENST00000376178(288781*(2)793*(3)8851)	ENST00000002073(28818851)	ENST000000037356(128818851)	783(new:793(new:	ENST00000376178.intron.2	ENST00000376178.exon.4	95.83	82	105	69	92	1.00E-06	40.1
				ENST00000376178.intron.2	ENST00000376178.exon.4	59.26	105	25	82	112	9.00E-08	40.9
ENST00000306346(42127291*(4))	ENST000000002428(424272)	ENST000000066497(424272)	917(new:est:	ENST00000306346.intron.4	ENST00000306346.exon.4	53.85	3	80	264	241	2.00E-07	42.8
				ENST00000306346.intron.4	ENST00000306346.exon.4	53.13	1	22	280	267	6.00E-07	40.2
ENST00000290863(2003374965847289201038 119114151560165917821970207*(14)215 61)	ENST000000001964(2003374965847289201038 018119114151560165917821970207)	ENST00000005428(3374965847289201038 119114151560165917821970207)	2027(new:est:	ENST00000290863.exon.6	ENST00000290863.exon.1	87.5	49	192	49	192	5.00E-37	143
				ENST00000290863.exon.12	ENST00000290863.exon.2	84.34	21	103	21	103	9.00E-13	81.9
				ENST00000290863.exon.5	ENST00000290863.exon.1	61.36	12	143	9	140	8.00E-16	69.3
				ENST00000290863.exon.6	ENST00000290863.exon.1	74.6	3	193	3	193	2.00E-30	118
				ENST00000290863.exon.8	ENST00000290863.exon.2	62.5	4	171	4	171	4.00E-24	97.3
				ENST00000290863.exon.9	ENST00000290863.exon.2	55.1	59	205	58	204	2.00E-19	68.8
				ENST00000290863.exon.9	ENST00000290863.exon.2	52.38	2	64	2	64	2.00E-19	46.9
				ENST00000290863.exon.10	ENST00000290863.exon.2	67.39	6	143	6	143	4.00E-21	86.6
				ENST00000290863.exon.11	ENST00000290863.exon.2	75	2	73	2	73	2.00E-11	55.8
				ENST00000290863.exon.13	ENST00000290863.exon.2	48.94	5	145	5	145	4.00E-15	67.9
				ENST00000290863.intron.24	ENST00000290863.exon.2	89.09	13	67	42	95	5.00E-09	94
ENST0000037398(1191452413384034961975 2184*(8))	ENST000000002677(1191452413384034961975 75190716721)	ENST00000008476(1191452413384034961975 751)	2184(new:est:	ENST0000037398.exon.8	ENST0000037398.exon.8	53.97	1197	1220	699	762	2.00E-06	41.1
ENST0000033702(128*(1)7808*(2)7604*(3)835*(4) 1188*(5)189*(6)798*(7)14861192181318 16633312641)	ENST000000007366(14861192181318361937 1964)	ENST00000002555(14861192181318361937 1964)	508(dup:est:7604(dup:est:783(dup:est 786(dup:est:18(new:est:959(new:est 2961(new:	ENST0000033702.exon.2	ENST0000033702.exon.8	92.39	365	456	375	466	1.00E-31	127
				ENST0000033702.exon.2	ENST0000033702.exon.8	88.37	103	186	111	198	6.00E-21	91.7
				ENST0000033702.exon.1	ENST0000033702.exon.8	82.87	23	86	23	86	2.00E-08	66.2
				ENST0000033702.exon.4	ENST0000033702.exon.1	84	132	231	132	231	5.00E-15	71.9
				ENST0000033702.exon.4	ENST0000033702.exon.1	0	0	0	0	0	0	0
				ENST0000033702.exon.2	ENST0000033702.exon.8	63.64	62	490	72	500	4.00E-63	129
				ENST0000033702.exon.4	ENST0000033702.exon.1	53.95	2	229	2	229	2.00E-20	86.3
				ENST0000033702.exon.6	ENST0000033702.exon.1	61.52	2	100	2	100	4.00E-09	46.4
				ENST0000033702.intron.5	ENST0000033702.exon.1	89.55	362	438	193	195	4.00E-15	77.8
				ENST0000033702.intron.7	ENST0000033702.exon.1	63.64	218	283	3	88	4.00E-54	89
ENST0000037641(281351511868*(5))	ENST000000003940(155251)	ENST000000003797(281155251)	1868(new:est:	ENST0000037641.exon.5	ENST0000037641.exon.6	88.06	931	664	50	223	4.00E-15	139
				ENST0000037641.exon.5	ENST0000037641.exon.6	55.17	448	534	4	90	1.00E-38	112
				ENST0000037641.intron.5	ENST0000037641.exon.6	41.18	143	93	67	75	3.00E-23	60.9
				ENST0000037641.intron.5	ENST0000037641.exon.6	80	67	292	1166	1156	1.00E-28	116
				ENST0000037641.intron.5	ENST0000037641.exon.6	96.97	259	291	703	735	2.00E-11	58
				ENST0000037641.intron.5	ENST0000037641.exon.6	46.44	218	316	679	528	4.00E-16	54
				ENST0000037641.intron.5	ENST0000037641.exon.6	93.75	150	181	510	941	2.00E-08	48.1
				ENST0000037641.intron.5	ENST0000037641.exon.6	59.46	3	335	447	775	8.00E-47	173
				ENST0000037641.intron.5	ENST0000037641.exon.6	49.55	3	335	693	951	1.00E-19	149
				ENST0000037641.intron.5	ENST0000037641.exon.6	47.22	12	335	288	611	3.00E-37	141
				ENST0000037641.intron.5	ENST0000037641.exon.6	44.79	132	512	51	251	3.00E-24	78.5
				ENST0000037641.intron.5	ENST0000037641.exon.6	56.17	74	74	74	74	3.00E-24	77.6
				ENST0000037641.exon.5	ENST0000037641.exon.6	58.25	1366	1371	1114	1059	1.00E-72	159
				ENST0000037641.exon.6	ENST0000037641.exon.6	54.85	90	155	2	68	8.00E-13	92.6

ENST00000395193 263*(11 301*(2))	ENST000000050442(1)	ENSMUST0000099898(1)	263(new rest)	ENST00000395193.Intron.1	ENST00000395193.exon.2	60.17	3	355	3	355	3.00E-74	243
				ENST00000395193.Intron.2	ENST00000395193.exon.1	64.37	28709	28969	1	261	1.00E-33	137
				ENST00000395193.Intron.3	ENST00000395193.exon.1	55.87	12405	12148	1	55	1.00E-35	110
ENST0000034591(495*(1))	ENST000000025024(4 82 261 161 516 494)	ENSMUST000003363(4 82 261 161 516 494)	439(new rest)	ENST0000034591.Intron.1	ENST0000034591.exon.1	87.17	63408	63823	20	439	4.00E-108	388
				ENST0000034591.Intron.2	ENST0000034591.exon.2	85.14	19	255	25	273	1.00E-55	214
ENST000000049001(11 7 877 237 380 481 804 9 43 1007 1217 1498 1951 2048 2096 2310 2403 2 472 2650 2755 2800 3079 3384*(12) 3501*(23)  3935*(24) 3865*(25) 3838*(26))	ENST000000011338(10 11 7 877 237 380 481 804 9 6 643 862 1007 1217 1498 1951 2048 2096 2310 240 3 2472 2650 2755 2800)	ENSMUST0000097624(10 11 7 877 237 380 481 804 9 6 643 1007 1217 1498 1951 2048 2096 2310 240 3 2472 2650 2755 2800)	3501(dup rest);351(dup rest);360(dup  rest);3343(new rest);3938(new rest)	ENST00000254900.exon.18	ENST00000254900.exon.2	83.16	80	174	80	174	1.00E-12	61.9
				ENST00000254900.exon.15	ENST00000254900.exon.2	52.78	55	162	13	120	2.00E-08	45.8
				ENST00000254900.exon.18	ENST00000254900.exon.2	69.49	2	178	2	178	1.00E-26	105
ENST000000042658(59 139*(2) 331 451 587 788*9 14 1020 1389 1396)	ENST000000003397(59 223 331 451 587 788*9 2 954 1020 1386 1323 1468 1355)	ENSMUST00000056106(59 223 331 451 587 788*9 4 1020 1386 1323 1468 1355)	139(new rest)	ENST00000042658.exon.1	ENST00000042658.exon.1	76.92	214	176	94	56	9.00E-36	24.9
ENST000000294905(148 192 1348 1964 2258 2319  2428 2510*(13) 2741 2834 2896 2962 3028 3079  3139 3280 3358 3750 3850 4069 4132 4277 4493 9 5216 5372 5533 5739 5980 6127 6393 6537* )	ENST000000004602(1897 146 1364 554 748 952 1 348 1364 2258 2319 2428 2741 2834 2896 2962  3028 3079 3139 3280 3358 3750 3850 4069 4132  4277* )	ENSMUST00000112553(146 197 386 554 748 952 1 348 1364 2258 2319 2428 2741 2834 2896 2962  3028 3079 3139 3280 3358 3750 3850 4069 4132  4277* )	2530(new rest)	ENST00000294905.exon.14	ENST00000294905.exon.1	70	55	84	118	147	5.00E-24	84
ENST000000039287(31 138 494*(3))	ENST00000001430(31 138 494 372 437 812 13 02 2072 3098)	ENSMUST0000005740(11 144)	494(new rest)	ENST0000039287.exon.4	ENST0000039287.exon.4	58.34	1126	1054	1452	1340	8.00E-165	361
ENST00000003598(31 25 190 235 324 391 479 612*7 79 877 932*(10) 1033)	ENST000000007611(25 190 235 324 391 479 612*7 9 779 877 1033)	ENSMUST00000012608(25 190 235 324 391 479 612*7 9 779 877 1033)	912(new rest)	ENST0000003598.Intron.11	ENST00000035981.exon.1	90.62	4943	5038	358	263	1.00E-17	72.5
ENST000000014584(56*(11 139 386 478 730 824*7 12 1000 1147 1393 1891 2009 2070)	ENST000000016308(476*7 10 824 912 1000 1147  1793 1891 2009 2070)	ENSMUST0000009056(139 133 284 478 730 824*9 12 1000 1147 1393 1891 2009 2070)	55(new rest)	ENST00000014584.Intron.2	ENST00000014584.exon.2	59.26	43369	43479	3	83	2.00E-06	61
ENST000000018168(41 131 192 1439*(4))	ENST000000002297(131 192)	ENSMUST0000014419(4 131 192)	1439(new rest)	ENST00000018168.exon.4	ENST00000018168.exon.6	59.26	290	370	610	690	4.00E-11	44.1
				ENST00000018168.exon.4	ENST00000018168.exon.6	59	245	311	104	278	4.00E-11	34.5
				ENST00000018168.exon.4	ENST00000018168.exon.6	49	319	209	190	51	4.00E-09	34.5
				ENST00000018168.exon.6	ENST00000018168.exon.6	44.83	604	690	229	91	7.00E-07	32.7
ENST000000039878(280 445 637 800*(4))	ENSMUST0000010051(59 146 280 445 637)	ENST000000049139(146 280 445 637 763)	800(new rest)	ENST00000039878.exon.3	ENST00000039878.exon.4	44.83	97	183	0	90	7.00E-06	32
ENST0000001379(21 418 134*(13))	ENSMUST0000005448(21 418)	ENST0000000208(2 869)	1344(new rest)	ENST0000001379.exon.1	ENST00000013791.exon.1	63.64	398	430	437	469	8.00E-13	28.7
				ENST0000001379.exon.3	ENST00000013791.exon.3	55.63	620	545	613	358	1.00E-87	314
ENST00000007934(187 933 1135 1221 1368 1538  1777*(14) 2958 3127 3325 3441)	ENST000000009917(220 248 274 285 310 349 3 73 474 549 641 725 797 933 1135 1221 1368 15 38 2958 3127 3325 3441)	ENSMUST0000004855(193 230 373 370 474 549 64 1 725 797 933 1135 1221 1368 1538 2958 3127  3325 3441)	1777(new rest)	ENST0000007934.Intron.13	ENST0000007934.exon.1	96.55	2603	2611	192	190	6.00E-07	50.1
ENST0000000508(11 10 117 395 548 663*(5) 774*( 7) 885*(8) 986*(9) 1110(1199))	ENST000000017694(110 217 395 548 753 1110  1199)	ENSMUST0000014726(110 217 395 548 753 1110  1199)	651(dup rest);774(dup rest);885(dup rest; );986(dup rest)	ENST00000050831.exon.7	ENST00000050831.exon.1	86.11	110	3	110	3	1.00E-19	77.6
				ENST00000050831.exon.7	ENST00000050831.exon.8	77.78	2	109	2	109	6.00E-17	71
				ENST00000050831.exon.7	ENST00000050831.exon.9	69.7	101	3	101	3	3.00E-13	57.4
				ENST00000050831.exon.8	ENST00000050831.exon.9	90.91	2	100	2	100	2.00E-19	79.4
				ENST00000050831.exon.8	ENST00000050831.exon.1	77.78	2	109	2	109	1.00E-16	70.3
				ENST00000050831.exon.9	ENST00000050831.exon.1	66.67	2	100	2	100	4.00E-12	55.2
				ENST00000050831.Intron.9	ENST00000050831.exon.1	83.33	435	542	2	109	4.00E-17	75.8
				ENST00000050831.Intron.9	ENST00000050831.exon.2	80.56	435	542	2	109	7.00E-17	74.8
				ENST00000050831.Intron.9	ENST00000050831.exon.2	83.33	435	542	2	109	1.00E-16	74.6
				ENST00000050831.Intron.9	ENST00000050831.exon.9	72.73	435	533	2	100	3.00E-12	59.2
ENST000000040291(1 27 376 1097 1327*(4))	ENST000000002463(4 227 376 1097)	ENSMUST0000003233(4 227 376 1097)	1327(new rest)	ENST00000040291.Intron.4	ENST000000402917.exon.3	79.39	2699294	269984	5	876	6.00E-40	276
				ENST000000402917.Intron.4	ENST000000402917.exon.4	89.23	2693458	2693358	130	1	6.00E-31	147
				ENST000000402917.Intron.4	ENST000000402917.exon.2	87.5	2757933	275743	13	76	6.00E-06	83.9
				ENST000000402917.Intron.4	ENST000000402917.exon.3	80	2699548	2699138	122	681	8.00E-97	232
				ENST000000402917.Intron.4	ENST000000402917.exon.4	86.67	2683457	2683336	8	233	2.00E-29	138
				ENST000000402917.Intron.4	ENST000000402917.exon.1	66.22	2755870	2756009	1	222	3.00E-22	116
ENST000000298139(97 210 356 505 656 725 840 1 270 1381 1432*(11) 1517 1693 1721 1830 1899 1982 200 8 2077 2452 2484 2736 2831 2977 3148 3244 3 319 3396 3472 3585 3786 3838 4001 4216* )	ENST000000028778(97 210 356 505 656 725 84 0 1270 1381 1432 1517 1693 1721 1830 1899 1982 200 8 2077 2452 2484 2736 2831 2977 3148 3244 3 319 3396 3472 3585 3786 3838 4001 4216* )	ENSMUST0000003990(97 210 356 505 656 725 84 0 1270 1381 1432 1517 1693 1721 1830 1899 1982 200 8 2077 2452 2484 2736 2831 2977 3148 3244 3 319 3396 3472 3585 3786 3838 4001 4216* )	1432(new rest)	ENST000000298139.exon.10	ENST000000298139.exon.1	100	1	81	1	81	3.00E-42	161
ENST0000000303005(435*(1))	ENST000000003368(13)	ENSMUST000000080698(1)	435(new rest)	ENST000000303005.Intron.1	ENST000000303005.exon.2	66.22	63	506	52	505	3.00E-73	252
				ENST000000303005.Intron.1	ENST000000303005.exon.2	66.67	5	58	5	58	3.00E-73	176
				ENST000000303005.Intron.2	ENST000000303005.exon.1	66.42	20229	20239	1	411	1.00E-57	218
ENST00000000297(110 217 395 548 663*(5) 774*( 6) 885*(7) 986*(8) 1110(1199))	ENST000000017694(110 217 395 548 753 1110  1199)	ENSMUST0000014726(110 217 395 548 753 1110  1199)	651(dup rest);774(dup rest);885(dup rest; );986(dup rest)	ENST00000029902.exon.6	ENST00000029902.exon.9	86.11	110	3	110	3	6.00E-19	77.6
				ENST00000029902.exon.6	ENST00000029902.exon.7	77.78	2	109	2	109	5.00E-17	71
				ENST00000029902.exon.6	ENST00000029902.exon.8	69.7	101	3	101	3	7.00E-13	57.4
				ENST00000029902.exon.7	ENST00000029902.exon.8	90.91	101	3	101	3	2.00E-19	79
				ENST00000029902.exon.7	ENST00000029902.exon.9	77.78	2	109	2	109	8.00E-17	70.3
				ENST00000029902.exon.8	ENST00000029902.exon.9	63.64	101	3	101	3	4.00E-12	54.7
				ENST00000029902.Intron.8	ENST00000029902.exon.9	83.33	435	542	2	109	3.00E-17	75.8
				ENST00000029902.Intron.8	ENST00000029902.exon.6	80.56	435	542	2	109	6.00E-17	74.8
				ENST00000029902.Intron.8	ENST00000029902.exon.7	83.33	435	542	2	109	8.00E-17	74.4
				ENST00000029902.Intron.8	ENST00000029902.exon.8	69.7	435	533	2	100	4.00E-11	55.6
ENST0000000389400(68*(1))	ENST000000013079(63 167 355 570 680)	ENSMUST0000002972(63 167 355 570 680)	486(new rest)	ENST000000389400.Intron.1	ENST000000389400.exon.1	100	9	29	442	462	4.00E-09	42.1
ENST0000000083030(1 201*(1) 249 341 409 630 713  851 1004 1246)	ENST000000017858(630 713 851 1004 1249)	ENSMUST00000085240(249 341 409 630 713 851 1 004 1246)	201(new rest)	ENST000000083030.Intron.1	ENST000000083030.exon.6	45.07	87553	87341	1	213	2.00E-18	92.3
ENST000000043374(1*(11 117*(13) 133 350 450 550  0 687 844 916 988)	ENSMUST0000002648(133 261 450 550 657 844 9 16 988)	ENSMUST0000009453(133 261 450 550 657 844 9 16 988)	13(new 13(new rest))	ENST000000043374.Intron.1	ENST000000043374.exon.1	98.71	124	305	48	225	2.00E-07	47.8

ENST00000395180(952*(1);956*(2);)	ENSMUT00000099917(1)	ENSBTAT0000008346(15;)	992(new new):	ENST00000395180.Intron.2	ENST00000395180.exon.1	65.96	2535	2254	25	306	6.00E-116	150
				ENST00000395180.Intron.3	ENST00000395180.exon.1	65.82	1584	1676	583	851	6.00E-115	145
				ENST00000395180.Intron.2	ENST00000395180.exon.1	64.04	2259	1993	304	570	6.00E-115	142
ENST00000317221(34;161;409*(6);)	ENSBTAT0000004598(34;161;)	ENSMUT00000109060(4;141;291;)	409(new est):	ENST00000317221.exon.7	ENST00000317221.exon.7	55.56	1316	1369	1238	1291	2.00E-108	345
ENST00000368197(34*(1);228;303;376;444;596;739;872;1200;1202;1276;1379;1526;1657;1830;2071;2320;)	ENSBTAT00000003960(228;303;376;444;596;739;872;1202;1200;1276;1379;1526;1657;1830;2071;2320;)	ENSMUT00000029713(228;303;376;444;596;739;872;1202;1200;1276;1379;1526;1657;1830;2071;2320;)	34(new):	ENST00000368197.exon.2	ENST00000368197.exon.1	66.67	113	33	116	196	3.00E-08	44.1
				ENST00000368197.Intron.1	ENST00000368197.exon.1	60.71	25309	25826	4	87	3.00E-11	47.3
				ENST00000368197.Intron.1	ENST00000368197.exon.1	62.5	25689	25618	88	159	3.00E-11	38.6
ENST00000356478(423*(1);942*(2);)	ENSBTAT00000024378(1)	ENSMUT0000007698(1)	423(new 942 new):	ENST00000356478.Intron.1	ENST00000356478.exon.2	91.71	1	519	1	519	0	698
				ENST00000356478.Intron.1	ENST00000356478.exon.1	92.09	1584	16280	1	417	2.00E-162	565
ENST00000303915(86;178;305;1036*(6);)	ENSBTAT00000037194(86;178;305;)	ENSMUT00000049393(86;178;305;)	1036(new est):	ENST00000303915.Intron.6	ENST00000303915.exon.7	60.78	7080	6928	256	4	6.00E-21	51.8
				ENST00000303915.Intron.6	ENST00000303915.exon.7	63.66	7092	6880	162	40	5.00E-12	82
				ENST00000303915.exon.7	ENST00000303915.exon.7	62.9	72	1	156	85	2.00E-09	47.8
ENST00000393865(236;338;317;427;2041*(1);)	ENSMUT00000008186(26;109;236;344;317;427;)	ENSBTAT00000005383(26;317;401;436;519;670;222;)	2041(new est):	ENST00000393865.exon.11	ENST00000393865.exon.1	33.33	276	374	42	140	7.00E-66	174
ENST00000382658(1107217;395;548;663*(6);7774*(7);885*(8);996;1085;)	ENSBTAT00000017696(1107217;395;548;753;996;1085;)	ENSMUT00000114726(1107217;395;548;753;996;1085;)	663(dup est:7774 dup est:885 new est:996):	ENST00000382658.exon.7	ENST00000382658.exon.8	77.78	2	109	2	109	6.00E-17	71
				ENST00000382658.exon.7	ENST00000382658.exon.9	70.97	95	3	95	3	1.00E-12	57
				ENST00000382658.exon.8	ENST00000382658.exon.9	90.62	98	3	98	3	4.00E-19	98.5
				ENST00000382658.Intron.9	ENST00000382658.exon.7	89.11	1831	824	110	2	1.00E-17	77.8
				ENST00000382658.Intron.9	ENST00000382658.exon.7	80.66	426	542	2	109	8.00E-17	74.8
				ENST00000382658.Intron.9	ENST00000382658.exon.8	83.33	436	542	2	109	1.00E-16	74.4
				ENST00000382658.Intron.9	ENST00000382658.exon.9	68.7	436	533	2	109	5.00E-11	65.4
ENST00000343158(168;475;569;1263*(4);2286;)	ENSBTAT00000005678(17;66;467;483;545;879;598;666;757;961;1085;1089;1102;)	ENSMUT00000005110(1)	1263(new):	ENST00000343158.Intron.2	ENST00000343158.exon.3	90.59	1063	1147	2	86	1.00E-25	105
				ENST00000343158.Intron.2	ENST00000343158.exon.3	86.02	2	91	2	94	3.00E-17	77.8
ENST00000355988(110;303;422;592;1125*(5);)	ENSBTAT00000002404(110;303;422;592;)	ENSMUT00000113938(110;303;422;592;)	1125(new est):	ENST00000355988.Intron.4	ENST00000355988.exon.3	96.3	676	902	66	92	6.00E-08	46.1
ENST00000399779(50;211*(2);)	ENSBTAT00000005498(50;)	ENSMUT00000101281(50;)	211(new):	ENST00000399779.Intron.2	ENST00000399779.exon.2	53.66	1291	1303	9	131	2.00E-11	81.1
ENST00000304219(58;124;181;107;418;589;640;94;96;774;950;1023;1234;1396;1483;1705;2098;2205;2357;2456;2464;2640;2761;2879;3050;3194;3329;3430;3860;3860;)	ENSMUT00000072441(58;124;181;107;418;589;640;94;96;774;950;1023;1234;1396;1483;1705;2098;2205;2357;2456;2464;2640;2761;2879;3050;3194;3329;3430;3860;3860;)	ENSBTAT00000004658(107;418;480;589;640;1057;74;950;1023;1234;1396;1483;1705;2098;2205;2357;2456;2640;2761;2879;3050;3194;3329;3430;3860;3860;)	1867(new est):	ENST00000304219.exon.15	ENST00000304219.exon.1	50	71	30	128	87	3.00E-13	58.8