







Α



В 23 0.2 0 43 0.2 Probability 0 0.2 101 0 215 0.2 0 5 10 15 0 End-to-end distance of DNA [nm]





В

















Miyazono et al., Fig. S12



| | name | [bp] | sequence |
|---|--|---|--|
| A | K20T13 | 33 | GGATGGT <u>GGTACC</u> CTTCCCGTTTTTTTTTTTT |
| Β | GC6_S GC7_S GC8_S GC10_S K13_S K15_S K16_S K16_S K18_S K20_S K22_S K25_S K30_S K35_S K40_S | 6 7 8 10 13 15 16 18 20 22 25 30 35 40 | CCGCCC CCGCCCC GGGGCGGG CCCGTCCCCC CGT <u>GGTACC</u> CTTCC TCGT <u>GGTACC</u> CTTCG ATGGT <u>GGTACC</u> CTTCC GATGGT <u>GGTACC</u> CTTCCC GATGGT <u>GGTACC</u> CTTCCCG GGATGGT <u>GGTACC</u> CTTCCCG ATGGATGGT <u>GGTACC</u> CTTCTCG CGGATGGT <u>GGTACC</u> CTTCTCG GAGCCGGATGGT <u>GGTACC</u> CTTCGCG TAGAG GAGACCGGATGGT <u>GGTACC</u> CTTCGCGTAGAGAGAG |
| С | K8_S K10_S | 8 10 | C <u>GGTACC</u> C TG <u>GGTACC</u> GC |