

Table S3: Intra-genome comparison on mean $Z_{\Delta G}$ of the first window

Type	Species	GC			ENC		
		Highest 5%	Lowest 5%	P-value	Highest 5%	Lowest 5%	P-value
Bacteria	<i>Acaerochloris marina</i>	0.37	0.03	1.0×10^{-5}	0.21	0.09	1.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Acholeplasma laidlawii</i>	-0.02	0.09	4.6×10^{-1}	0.02	0.29	9.6×10^{-2}
Bacteria	<i>Acidiphilium cryptum</i>	0.48	0.09	2.8×10^{-3}	0.02	0.45	1.0×10^{-3}
Bacteria	<i>Acidithiobacillus ferrooxidans</i>	0.29	0.11	1.0×10^{-1}	0.30	0.57	1.5×10^{-2}
Bacteria	<i>Acidobacteria bacterium</i>	0.44	0.27	6.7×10^{-2}	0.29	0.42	1.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Acidobacterium capsulatum</i>	0.73	0.14	4.1×10^{-7}	0.18	0.40	7.3×10^{-2}
Bacteria	<i>Acidothermus cellulolyticus</i>	0.26	0.12	3.1×10^{-1}	0.22	0.15	6.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Acidovorax citrulli</i>	0.69	0.21	2.2×10^{-7}	0.22	1.00	2.7×10^{-14}
Bacteria	<i>Acinetobacter baumannii</i>	0.22	0.02	3.6×10^{-2}	0.07	0.07	9.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Actinobacillus pleuropneumoniae</i>	0.33	-0.06	3.9×10^{-3}	0.14	0.17	8.3×10^{-1}
Bacteria	<i>Aeromonas hydrophila</i>	0.68	0.36	2.2×10^{-3}	0.31	0.66	1.1×10^{-3}
Bacteria	<i>Agrobacterium radiobacter</i>	0.72	0.16	3.1×10^{-11}	0.28	0.67	4.1×10^{-6}
Bacteria	<i>Akkermansia muciniphila</i>	0.57	0.18	2.4×10^{-3}	0.25	0.74	9.9×10^{-5}
Bacteria	<i>Alcalivorax borkumensis</i>	0.44	0.22	5.6×10^{-2}	0.37	0.44	5.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Aliivibrio salmonicida</i>	0.25	-0.13	1.3×10^{-4}	0.67	0.23	9.1×10^{-5}
Bacteria	<i>Alkalicoccus ehrlichii</i>	0.54	0.30	4.1×10^{-2}	0.29	0.58	1.8×10^{-2}
Bacteria	<i>Alkaliphilus metallireducens</i>	0.18	-0.06	9.5×10^{-3}	0.22	0.21	9.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Alteromonas macleodii</i>	0.20	0.13	4.3×10^{-1}	0.21	0.25	7.3×10^{-1}
Bacteria	<i>Anabaena variabilis</i>	0.17	-0.01	3.5×10^{-2}	0.07	0.14	4.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Anaerocellum thermophilum</i>	0.08	-0.05	2.4×10^{-1}	0.09	0.18	4.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Anaeromyxobacter dehalogenans</i>	0.69	0.49	4.5×10^{-2}	0.39	0.74	2.8×10^{-4}
Bacteria	<i>Anaplasma marginale</i>	0.09	-0.13	3.3×10^{-1}	0.09	0.16	7.3×10^{-1}
Bacteria	<i>Anoxybacillus flavithermus</i>	0.09	-0.14	6.3×10^{-2}	-0.07	0.00	5.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Aquifex aeolicus</i>	0.29	-0.28	8.4×10^{-4}	0.03	0.09	6.8×10^{-1}
Bacteria	<i>Archaeoglobus fulgidus</i>	0.26	-0.04	2.0×10^{-2}	-0.03	-0.02	9.7×10^{-1}
Bacteria	<i>Arco bacter butzleri</i>	0.04	0.08	7.5×10^{-1}	-0.03	0.26	1.8×10^{-2}
Bacteria	<i>Aromatoleum aromaticum</i>	0.63	0.12	1.8×10^{-6}	-0.10	0.70	9.9×10^{-14}
Bacteria	<i>Arthrobacter aurescens</i>	0.30	0.09	3.8×10^{-2}	0.26	0.28	8.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Aster yellows</i>	-0.03	-0.26	3.2×10^{-1}	-0.07	0.16	3.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Azoarcus sp. BH72</i>	0.72	0.32	1.8×10^{-4}	0.21	0.91	9.7×10^{-11}
Bacteria	<i>Azorhizobium caulinodans</i>	0.49	0.30	4.7×10^{-2}	0.22	0.54	1.8×10^{-3}
Bacteria	<i>Azotobacter vinelandii</i>	0.67	0.08	2.4×10^{-9}	-0.13	0.69	1.0×10^{-16}
Bacteria	<i>Bacillus amyloliquefaciens</i>	0.29	0.12	5.6×10^{-2}	0.24	0.31	5.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Bacteroides fragilis</i>	0.69	0.08	5.5×10^{-11}	0.39	0.24	1.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Bartonella bacilliformis</i>	0.06	-0.08	4.6×10^{-1}	0.16	0.06	5.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Baumannia cicadellinicola</i>	0.24	-0.18	8.6×10^{-2}	0.06	0.02	8.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Bdellovibrio bacteriovorus</i>	0.46	0.24	3.9×10^{-2}	0.30	0.30	1
Bacteria	<i>Beijerinckia indica</i>	0.47	0.11	8.9×10^{-4}	0.18	0.55	2.6×10^{-4}
Bacteria	<i>Beutenbergia cavernae</i>	0.33	0.38	6.2×10^{-1}	0.30	0.61	3.6×10^{-3}
Bacteria	<i>Bifidobacterium adolescentis</i>	0.35	0.23	4.8×10^{-1}	0.16	0.52	4.5×10^{-2}
Bacteria	<i>Bordetella avium</i>	0.62	0.39	3.8×10^{-2}	0.35	0.65	7.6×10^{-3}
Bacteria	<i>Borrelia afzelii</i>	0.10	-0.02	6.3×10^{-1}	-0.31	-0.05	2.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Brachyspira hyodysenteriae</i>	-0.04	0.07	3.9×10^{-1}	0.23	0.17	5.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Bradyrhizobium japonicum</i>	0.62	0.01	4.9×10^{-16}	0.04	0.72	1.7×10^{-19}
Bacteria	<i>Brevibacillus brevis</i>	0.24	0.07	3.7×10^{-2}	0.12	0.09	6.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Brucella abortus</i>	0.57	0.03	2.7×10^{-6}	-0.06	0.57	8.3×10^{-7}
Bacteria	<i>Buchnera aphidicola</i>	0.07	-0.05	5.9×10^{-1}	0.11	-0.16	2.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Burkholderia ambifaria</i>	0.83	0.36	1.5×10^{-8}	0.18	1.12	3.2×10^{-25}
Bacteria	<i>Caldicellulosiruptor saccharolyticus</i>	0.15	0.03	3.1×10^{-1}	0.12	-0.06	1.7×10^{-1}
Bacteria	<i>Campylobacter concisus</i>	0.42	0.10	1.7×10^{-2}	0.12	0.14	9.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Candidatus Amoebophilus</i>	0.12	0.25	4.1×10^{-1}	0.07	0.08	9.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Carboxydotherrmus hydrogenoformans</i>	0.21	-0.05	6.6×10^{-2}	0.04	-0.03	5.7×10^{-1}
Bacteria	<i>Caulobacter crescentus</i>	0.64	0.12	6.2×10^{-6}	-0.13	0.78	5.3×10^{-14}
Bacteria	<i>Cellvibrio japonicus</i>	0.62	0.01	2.4×10^{-8}	0.04	0.54	4.7×10^{-6}
Bacteria	<i>Chlamydia muridarum</i>	0.07	-0.02	6.8×10^{-1}	0.16	-0.02	3.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Chlamydophila abortus</i>	0.10	0.04	7.6×10^{-1}	-0.13	0.04	3.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Chlorobaculum parvum</i>	0.51	0.15	7.8×10^{-3}	0.30	0.69	2.4×10^{-3}
Bacteria	<i>Chlorobium chlorochromatii</i>	0.23	0.06	2.7×10^{-1}	0.32	0.26	5.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Chloroflexus aggregans</i>	0.24	0.17	4.9×10^{-1}	0.24	0.25	9.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Chloroherpeton thalassium</i>	0.52	0.11	3.1×10^{-4}	0.25	0.26	9.1×10^{-1}
Bacteria	<i>Chromobacterium violaceum</i>	0.53	-0.03	2.1×10^{-7}	0.04	0.85	9.9×10^{-13}
Bacteria	<i>Chromohalobacter salexigens</i>	0.51	0.15	5.4×10^{-4}	0.19	0.62	2.3×10^{-5}
Bacteria	<i>Citrobacter koseri</i>	0.41	-0.16	1.1×10^{-8}	0.16	0.38	3.0×10^{-2}
Bacteria	<i>Clavibacter michiganensis</i>	0.65	0.36	1.6×10^{-2}	0.44	0.63	1.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Clostridium acetobutylicum</i>	0.12	-0.04	1.2×10^{-1}	0.12	0.17	5.8×10^{-1}
Bacteria	<i>Colwellia psychrerythraea</i>	0.22	0.12	2.7×10^{-1}	0.10	0.09	9.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Coprothermobacter proteolyticus</i>	0.09	-0.06	3.8×10^{-1}	0.19	-0.01	2.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Corynebacterium aurimucosum</i>	0.55	-0.07	1.5×10^{-6}	0.05	0.62	6.9×10^{-5}
Bacteria	<i>Coziella burnetii</i>	0.01	-0.02	8.1×10^{-1}	0.03	0.08	7.3×10^{-1}
Bacteria	<i>Cronobacter sakazakii</i>	0.60	0.01	6.6×10^{-9}	0.27	0.44	9.4×10^{-2}
Bacteria	<i>Cupriavidus taiwanensis</i>	0.80	0.28	1.1×10^{-8}	0.13	1.02	3.2×10^{-18}
Bacteria	<i>Cyanthece sp. PCC 7424</i>	0.23	0.07	7.1×10^{-2}	0.31	0.07	5.1×10^{-3}

Continued on next page

Type	Species	GC			ENC		
		Highest 5%	Lowest 5%	P-value	Highest 5%	Lowest 5%	P-value
Bacteria	<i>Cytophaga hutchinsonii</i>	0.34	-0.06	1.5×10^{-4}	0.19	0.12	4.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Dechloromonas aromatica</i>	0.63	0.22	3.1×10^{-5}	0.21	0.79	9.0×10^{-10}
Bacteria	<i>Dehalococcoides ethenogenes</i>	0.32	0.05	1.1×10^{-1}	0.19	0.27	6.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Deinococcus deserti</i>	0.45	0.31	2.4×10^{-1}	0.23	0.83	7.0×10^{-6}
Bacteria	<i>Delftia acidovorans</i>	0.78	0.17	6.5×10^{-12}	0.11	0.98	3.3×10^{-21}
Bacteria	<i>Desulfatibacillum alkenivorans</i>	0.66	0.24	9.1×10^{-6}	0.41	0.75	4.1×10^{-5}
Bacteria	<i>Desulfotobacterium hafniense</i>	0.52	0.12	2.9×10^{-6}	0.17	0.22	5.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Desulfotobacterium autotrophicum</i>	0.40	0.25	6.9×10^{-2}	0.24	0.16	3.1×10^{-1}
Bacteria	<i>Desulfococcus oleovorans</i>	0.60	0.06	1.3×10^{-6}	0.09	0.58	4.8×10^{-5}
Bacteria	<i>Desulfotalea psychrophila</i>	0.38	0.03	1.8×10^{-3}	0.16	0.48	5.0×10^{-3}
Bacteria	<i>Desulfotomaculum reducens</i>	0.10	0.06	6.8×10^{-1}	0.08	0.00	4.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Desulfovibrio desulfuricans</i>	0.33	0.10	5.8×10^{-2}	0.05	0.46	1.8×10^{-3}
Bacteria	<i>Diaphorobacter sp. TPSY</i>	0.78	0.52	1.2×10^{-2}	0.42	1.14	9.1×10^{-10}
Bacteria	<i>Dichelobacter nodosus</i>	0.24	0.08	4.3×10^{-1}	0.12	0.08	8.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Dickeya dadantii</i>	0.60	0.19	2.9×10^{-5}	0.19	0.53	1.7×10^{-3}
Bacteria	<i>Dictyoglomus thermophilum</i>	0.21	-0.24	1.9×10^{-3}	0.06	-0.09	3.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Dinoroseobacter shibae</i>	0.65	0.43	4.4×10^{-2}	0.44	0.77	2.3×10^{-3}
Bacteria	<i>Edwardsiella ictaluri</i>	0.58	-0.08	5.1×10^{-9}	0.07	0.53	3.9×10^{-5}
Bacteria	<i>Ehrlichia canis</i>	-0.30	0.03	1.8×10^{-1}	0.13	-0.18	1.3×10^{-1}
Bacteria	<i>Elusimicrobium minutum</i>	0.24	0.13	5.3×10^{-1}	0.37	0.28	5.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Enterobacter sp. 638</i>	0.53	0.11	9.9×10^{-6}	0.14	0.46	8.6×10^{-4}
Bacteria	<i>Enterococcus faecalis</i>	0.13	-0.05	1.3×10^{-1}	0.02	0.01	9.7×10^{-1}
Bacteria	<i>Erwinia tasmaniensis</i>	0.44	0.05	4.6×10^{-4}	0.18	0.55	5.7×10^{-4}
Bacteria	<i>Erythrobacter litoralis</i>	0.58	0.13	5.9×10^{-5}	0.23	0.63	3.5×10^{-4}
Bacteria	<i>Escherichia coli</i>	0.51	0.07	9.3×10^{-6}	0.18	0.39	2.9×10^{-2}
Bacteria	<i>Eubacterium eligens</i>	0.26	-0.06	4.7×10^{-2}	0.24	0.38	3.8×10^{-1}
Bacteria	<i>Exiguobacterium sibiricum</i>	0.53	0.14	2.2×10^{-4}	0.32	0.24	5.1×10^{-1}
Bacteria	<i>Fervidobacterium nodosum</i>	0.03	0.00	8.5×10^{-1}	0.17	0.02	3.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Finegoldia magna</i>	0.36	-0.08	1.5×10^{-3}	0.14	-0.32	2.8×10^{-1}
Bacteria	<i>Flavobacterium johnsoniae</i>	0.38	0.23	4.1×10^{-2}	0.26	0.23	7.1×10^{-1}
Bacteria	<i>Francisella novicida</i>	0.29	0.01	4.6×10^{-2}	0.25	0.13	3.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Frankia alni</i>	0.22	0.06	5.8×10^{-2}	-0.14	0.18	2.2×10^{-4}
Bacteria	<i>Fusobacterium nucleatum</i>	0.23	-0.04	8.2×10^{-2}	-0.25	-0.10	3.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Gemmatimonas aurantiaca</i>	0.46	0.27	6.6×10^{-2}	0.07	0.52	1.1×10^{-5}
Bacteria	<i>Geobacillus kaustophilus</i>	0.28	0.06	3.0×10^{-2}	0.06	0.31	2.3×10^{-2}
Bacteria	<i>Geobacter bemidjensis</i>	0.54	0.24	4.2×10^{-3}	0.32	0.83	4.0×10^{-8}
Bacteria	<i>Gloeobacter violaceus</i>	0.49	0.14	4.2×10^{-4}	0.27	0.62	7.1×10^{-5}
Bacteria	<i>Gluconacetobacter diazotrophicus</i>	0.63	0.30	1.6×10^{-3}	0.37	0.66	7.0×10^{-3}
Bacteria	<i>Gluconobacter oxydans</i>	0.54	0.02	8.7×10^{-5}	-0.05	0.51	7.2×10^{-5}
Bacteria	<i>Gramella forsetii</i>	0.36	0.09	2.7×10^{-3}	0.36	0.20	7.7×10^{-2}
Bacteria	<i>Granulibacter betshedensis</i>	0.33	0.04	3.9×10^{-2}	0.07	0.20	3.7×10^{-1}
Bacteria	<i>Haemophilus ducreyi</i>	0.17	-0.16	1.9×10^{-1}	0.04	0.24	2.3×10^{-1}
Bacteria	<i>Hahella chejuensis</i>	0.54	0.05	1.8×10^{-9}	0.17	0.44	4.0×10^{-4}
Bacteria	<i>Halorhodospira halophila</i>	0.43	0.32	4.1×10^{-1}	0.23	0.60	4.7×10^{-3}
Bacteria	<i>Halothermothrix orenii</i>	0.15	-0.08	8.7×10^{-2}	0.20	0.04	2.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Helicobacter acinonychis</i>	0.07	0.16	5.2×10^{-1}	-0.08	0.10	2.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Heliobacterium modesticaldum</i>	0.43	-0.11	1.1×10^{-4}	0.12	0.18	6.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Hermiimonas arsenicozydans</i>	0.58	0.13	3.4×10^{-5}	0.24	0.59	1.4×10^{-3}
Bacteria	<i>Herpetosiphon aurantiacus</i>	0.39	0.06	3.9×10^{-5}	0.24	0.22	8.3×10^{-1}
Bacteria	<i>Hydrogenobaculum sp. Y04AAS1</i>	-0.11	-0.08	8.7×10^{-1}	-0.25	-0.07	3.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Hyphomonas neptunium</i>	0.44	0.26	1.2×10^{-1}	0.21	0.58	1.3×10^{-3}
Bacteria	<i>Idiomarina loihiensis</i>	0.24	0.09	2.0×10^{-1}	0.05	0.15	4.3×10^{-1}
Bacteria	<i>Jannaschia sp. CCS1</i>	0.68	0.29	3.2×10^{-5}	0.36	0.69	8.6×10^{-4}
Bacteria	<i>Janthinobacterium sp. Marseille</i>	0.54	0.23	2.3×10^{-3}	0.18	0.70	1.7×10^{-6}
Bacteria	<i>Kneococcus radiotolerans</i>	0.40	0.21	7.2×10^{-2}	0.08	0.27	6.3×10^{-2}
Bacteria	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	0.72	0.12	2.3×10^{-11}	0.26	0.77	2.7×10^{-8}
Bacteria	<i>Kocuria rhizophila</i>	0.34	0.33	9.5×10^{-1}	0.35	0.51	2.7×10^{-1}
Bacteria	<i>Kosmotoga olearia</i>	0.17	-0.06	9.1×10^{-2}	0.11	-0.10	1.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Lactobacillus acidophilus</i>	0.14	0.05	4.8×10^{-1}	0.12	0.08	8.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Lactococcus lactis</i>	0.03	0.22	1.4×10^{-1}	0.23	0.10	3.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Laribacter hongkongensis</i>	0.67	0.03	3.6×10^{-8}	0.27	0.63	8.0×10^{-4}
Bacteria	<i>Lawsonia intracellularis</i>	0.10	-0.29	5.9×10^{-2}	-0.12	0.06	3.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Legionella pneumophila</i>	0.21	-0.04	2.4×10^{-2}	0.13	0.08	6.3×10^{-1}
Bacteria	<i>Leifsonia zyli</i>	0.37	0.09	4.8×10^{-2}	0.25	0.39	4.1×10^{-1}
Bacteria	<i>Leptospira biflexa</i>	0.39	0.06	4.7×10^{-4}	0.07	0.04	7.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Leptothrix cholodnii</i>	0.82	0.48	6.5×10^{-4}	0.49	0.89	1.2×10^{-4}
Bacteria	<i>Leuconostoc citreum</i>	0.11	0.16	7.2×10^{-1}	0.29	-0.05	2.8×10^{-2}
Bacteria	<i>Listeria innocua</i>	0.15	-0.08	1.1×10^{-1}	0.15	0.06	5.3×10^{-1}
Bacteria	<i>Lysinibacillus sphaericus</i>	0.03	0.06	7.0×10^{-1}	0.14	-0.04	9.2×10^{-2}
Bacteria	<i>Macrococcus caseolyticus</i>	0.43	0.21	8.6×10^{-2}	0.26	0.18	4.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Magnetococcus sp. MC-1</i>	0.34	-0.09	1.0×10^{-4}	0.10	0.26	1.3×10^{-1}
Bacteria	<i>Magnetospirillum magneticum</i>	0.39	0.29	2.9×10^{-1}	0.18	0.61	7.7×10^{-5}
Bacteria	<i>Mannheimia succiniciproducens</i>	0.37	0.04	1.2×10^{-2}	0.24	0.01	1.6×10^{-1}

Continued on next page

Type	Species	GC			ENC		
		Highest 5%	Lowest 5%	P-value	Highest 5%	Lowest 5%	P-value
Bacteria	<i>Maricaulis maris</i>	0.46	0.42	7.3×10^{-1}	0.36	0.47	3.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Marinobacter aquaeolei</i>	0.57	0.15	3.4×10^{-5}	0.24	0.67	9.8×10^{-6}
Bacteria	<i>Marinomonas</i> sp. MWYL1	0.33	0.20	1.3×10^{-1}	0.23	0.27	6.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Mesoplasma florum</i>	0.42	-0.12	2.7×10^{-1}	-0.15	0.11	6.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Mesorhizobium loti</i>	0.54	0.06	3.8×10^{-9}	0.05	0.62	3.1×10^{-11}
Bacteria	<i>Methylococcoides burtonii</i>	0.19	-0.25	3.0×10^{-3}	0.18	-0.09	6.1×10^{-2}
Bacteria	<i>Methylobacterium chloromethanicum</i>	0.56	0.21	3.9×10^{-5}	0.11	0.67	8.7×10^{-10}
Bacteria	<i>Methylobacterium petrolicophilum</i>	0.61	0.39	4.3×10^{-2}	0.25	0.83	5.3×10^{-7}
Bacteria	<i>Methylobacillus flagellatus</i>	0.65	0.14	2.8×10^{-5}	0.26	0.63	3.7×10^{-3}
Bacteria	<i>Methylobacterium chloromethanicum</i>	0.56	0.21	3.9×10^{-5}	0.11	0.67	8.7×10^{-10}
Bacteria	<i>Methylocella silvestris</i>	0.51	0.18	9.0×10^{-4}	0.16	0.63	1.8×10^{-5}
Bacteria	<i>Methylococcus capsulatus</i>	0.36	0.31	6.8×10^{-1}	0.10	0.54	4.8×10^{-4}
Bacteria	<i>Micrococcus luteus</i>	0.70	0.19	6.9×10^{-4}	-0.01	0.42	2.2×10^{-3}
Bacteria	<i>Microcystis aeruginosa</i>	0.28	0.12	5.0×10^{-2}	0.18	0.08	2.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Moorella thermoacetica</i>	0.29	0.14	2.1×10^{-1}	0.22	0.32	4.1×10^{-1}
Bacteria	<i>Mycobacterium avium</i>	0.33	0.07	6.8×10^{-3}	-0.01	0.53	5.2×10^{-9}
Bacteria	<i>Mycoplasma agalactiae</i>	0.04	-0.21	5.8×10^{-1}	0.16	-0.08	5.1×10^{-1}
Bacteria	<i>Myzococcus xanthus</i>	0.56	0.34	6.3×10^{-3}	0.16	0.56	1.0×10^{-6}
Bacteria	<i>Natronaerobius thermophilus</i>	-0.07	0.13	1.2×10^{-1}	0.05	0.01	7.8×10^{-1}
Bacteria	<i>Nautilia profundicola</i>	0.19	0.14	7.2×10^{-1}	0.16	0.04	3.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	0.46	0.05	4.3×10^{-3}	-0.20	0.50	3.5×10^{-5}
Bacteria	<i>Neorickettsia sennetsu</i>	-0.14	0.19	1.3×10^{-1}	-0.09	0.19	2.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Nitratiruptor</i> sp. SB155-2	0.41	-0.07	4.8×10^{-4}	0.22	-0.09	3.0×10^{-2}
Bacteria	<i>Nitrobacter hamburgensis</i>	0.52	0.24	4.6×10^{-3}	0.06	0.79	1.6×10^{-12}
Bacteria	<i>Nitrosococcus oceani</i>	0.35	0.17	1.3×10^{-1}	0.06	0.23	1.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Nitrosomonas europaea</i>	0.40	0.06	6.2×10^{-3}	0.21	0.36	2.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Nitrospira multififormis</i>	0.34	0.12	6.0×10^{-2}	0.32	0.35	8.1×10^{-1}
Bacteria	<i>Nocardia farcinica</i>	0.35	0.12	1.2×10^{-2}	0.11	0.62	1.0×10^{-8}
Bacteria	<i>Nocardioideus</i> sp. JS614	0.39	0.21	7.1×10^{-2}	0.19	0.50	1.2×10^{-3}
Bacteria	<i>Nostoc punctiforme</i>	0.13	0.09	6.0×10^{-1}	0.19	0.12	3.7×10^{-1}
Bacteria	<i>Novosphingobium aromaticivorans</i>	0.42	0.34	4.5×10^{-1}	0.34	0.63	1.7×10^{-2}
Bacteria	<i>Oceanobacillus theyensis</i>	0.01	0.06	7.0×10^{-1}	-0.03	0.13	1.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Ochrobactrum anthropi</i>	0.53	0.16	4.0×10^{-5}	0.21	0.53	4.1×10^{-4}
Bacteria	<i>Oenococcus oeni</i>	0.29	0.12	2.1×10^{-1}	0.05	0.07	9.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Oligotropha carboxidovorans</i>	0.59	0.14	1.5×10^{-5}	0.18	0.66	2.2×10^{-5}
Bacteria	<i>Onion yellow</i>	0.11	-0.03	5.8×10^{-1}	0.07	0.16	6.7×10^{-1}
Bacteria	<i>Opitutus terrae</i>	0.76	0.40	7.5×10^{-5}	0.32	0.96	2.2×10^{-11}
Bacteria	<i>Orientia tsutsugamushi</i>	-1.45	-0.26	4.2×10^{-5}	-0.18	-0.30	5.7×10^{-1}
Bacteria	<i>Parabacteroides distasonis</i>	0.75	0.17	4.8×10^{-9}	0.45	0.46	9.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Paracoccus denitrificans</i>	0.51	0.20	1.7×10^{-3}	0.08	0.81	2.4×10^{-14}
Bacteria	<i>Parvibaculum lavamentivorans</i>	0.56	0.27	6.0×10^{-3}	0.18	0.70	9.1×10^{-7}
Bacteria	<i>Pasteurella multocida</i>	0.38	0.06	3.6×10^{-2}	-0.03	0.21	1.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Pectobacterium atrosepticum</i>	0.40	0.03	6.9×10^{-5}	0.19	0.37	4.6×10^{-2}
Bacteria	<i>Pediococcus pentosaceus</i>	0.34	0.02	2.1×10^{-2}	0.32	0.27	6.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Pelobacter carbinolicus</i>	0.52	-0.12	1.5×10^{-8}	0.17	0.37	7.4×10^{-2}
Bacteria	<i>Pelodictyon luteolum</i>	0.44	0.12	1.2×10^{-2}	0.26	0.53	4.9×10^{-2}
Bacteria	<i>Pelotomaculum thermopropionicum</i>	0.39	0.06	3.0×10^{-3}	0.03	0.33	7.8×10^{-3}
Bacteria	<i>Persephonella marina</i>	0.10	0.14	7.9×10^{-1}	-0.05	0.20	7.3×10^{-2}
Bacteria	<i>Petrogala mobilis</i>	0.29	-0.04	2.8×10^{-2}	0.07	-0.05	4.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Phenyllobacterium zucineum</i>	0.66	0.45	6.2×10^{-2}	0.27	0.76	4.1×10^{-5}
Bacteria	<i>Photobacterium profundum</i>	0.19	-0.05	8.0×10^{-3}	0.17	0.08	3.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Photorhabdus luminescens</i>	0.34	0.03	1.7×10^{-3}	0.12	0.07	6.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Polaromonas naphthalenivorans</i>	0.97	0.10	1.1×10^{-17}	0.26	1.00	3.7×10^{-11}
Bacteria	<i>Polynucleobacter necessarius</i>	0.26	0.21	6.9×10^{-1}	0.18	0.20	8.7×10^{-1}
Bacteria	<i>Porphyromonas gingivalis</i>	0.54	0.12	1.2×10^{-3}	0.32	0.22	4.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Prochlorococcus marinus</i>	-0.09	-0.08	9.7×10^{-1}	0.11	0.08	7.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Propionibacterium acnes</i>	0.11	0.09	8.7×10^{-1}	0.19	0.08	4.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Prosthecochloris aestuarii</i>	0.53	0.29	4.5×10^{-2}	0.34	0.12	9.1×10^{-2}
Bacteria	<i>Proteus mirabilis</i>	0.25	-0.07	4.9×10^{-3}	0.19	0.00	1.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Pseudoalteromonas atlantica</i>	0.26	0.13	1.6×10^{-1}	0.14	0.26	2.1×10^{-1}
Bacteria	<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	0.60	0.26	2.0×10^{-5}	0.19	0.77	3.3×10^{-11}
Bacteria	<i>Psychrobacter arcticus</i>	0.40	0.31	4.3×10^{-1}	0.29	0.25	7.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Psychromonas ingrahamii</i>	0.40	0.24	7.7×10^{-2}	0.27	0.25	8.7×10^{-1}
Bacteria	<i>Ralstonia solanacearum</i>	0.98	0.27	1.4×10^{-10}	0.31	0.98	6.3×10^{-9}
Bacteria	<i>Renibacterium salmoninarum</i>	0.20	0.04	1.7×10^{-1}	0.04	0.09	6.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Rhizobium etli</i>	0.51	0.23	2.7×10^{-3}	0.25	0.64	6.5×10^{-5}
Bacteria	<i>Rhodobacter sphaeroides</i>	0.65	0.47	1.2×10^{-1}	0.33	0.61	2.7×10^{-2}
Bacteria	<i>Rhodococcus erythropolis</i>	0.37	0.12	3.3×10^{-3}	0.07	0.29	1.4×10^{-2}
Bacteria	<i>Rhodoferrax ferrireducens</i>	0.79	0.41	4.6×10^{-5}	0.37	0.82	2.6×10^{-6}
Bacteria	<i>Rhodospirillum baltica</i>	-0.04	-0.06	8.1×10^{-1}	-0.09	0.22	2.1×10^{-4}
Bacteria	<i>Rhodospseudomonas palustris</i>	0.67	0.06	3.2×10^{-10}	0.11	0.79	1.1×10^{-11}
Bacteria	<i>Rhodospirillum centenum</i>	0.66	0.25	3.2×10^{-4}	0.18	0.64	3.8×10^{-5}
Bacteria	<i>Rickettsia akari</i>	0.22	0.08	4.0×10^{-1}	0.11	0.01	5.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Roseiflexus castenholzii</i>	0.40	0.19	2.6×10^{-2}	0.17	0.42	5.1×10^{-3}

Continued on next page

Type	Species	GC			ENC		
		Highest 5%	Lowest 5%	P-value	Highest 5%	Lowest 5%	P-value
Bacteria	<i>Roseobacter denitrificans</i>	0.43	0.43	9.9×10^{-1}	0.43	0.53	3.1×10^{-1}
Bacteria	<i>Rubrobacter zylanophilus</i>	0.24	0.14	4.0×10^{-1}	0.17	0.41	4.8×10^{-2}
Bacteria	<i>Ruegeria pomeroyi</i>	0.55	0.38	1.2×10^{-1}	0.34	0.75	4.1×10^{-4}
Bacteria	<i>Saccharophagus degradans</i>	0.37	0.25	1.9×10^{-1}	0.20	0.06	1.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Saccharopolyspora erythraea</i>	0.33	0.08	1.2×10^{-3}	0.11	0.47	5.1×10^{-6}
Bacteria	<i>Salinibacter ruber</i>	0.67	0.42	4.3×10^{-2}	0.28	0.87	1.1×10^{-6}
Bacteria	<i>Salinispora arenicola</i>	0.38	0.24	1.4×10^{-1}	0.09	0.36	2.6×10^{-3}
Bacteria	<i>Salmonella enterica</i>	0.45	0.02	5.4×10^{-6}	0.09	0.39	3.0×10^{-3}
Bacteria	<i>Serratia proteamaculans</i>	0.58	0.08	4.9×10^{-8}	0.26	0.50	5.1×10^{-3}
Bacteria	<i>Shewanella amazonensis</i>	0.45	0.22	1.8×10^{-2}	0.18	0.39	4.1×10^{-2}
Bacteria	<i>Shigella boydii</i>	0.64	0.18	3.4×10^{-6}	0.15	0.40	1.2×10^{-2}
Bacteria	<i>Smorhizobium medicae</i>	0.50	0.17	1.4×10^{-3}	0.21	0.61	2.3×10^{-4}
Bacteria	<i>Sodalis glossinidius</i>	0.55	0.20	9.3×10^{-3}	0.24	0.43	1.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Solibacter usitatus</i>	0.35	0.24	1.1×10^{-1}	0.18	0.33	4.0×10^{-2}
Bacteria	<i>Sorangium cellulosum</i>	0.49	0.35	3.4×10^{-2}	0.20	0.62	8.3×10^{-10}
Bacteria	<i>Sphingomonas wittichii</i>	0.55	0.32	1.7×10^{-2}	0.27	0.66	3.2×10^{-5}
Bacteria	<i>Sphingopyxis alaskensis</i>	0.47	0.32	2.0×10^{-1}	0.27	0.56	1.3×10^{-2}
Bacteria	<i>Staphylococcus aureus</i>	0.06	-0.01	5.9×10^{-1}	-0.05	0.02	6.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	0.66	0.20	7.3×10^{-6}	0.11	0.96	6.9×10^{-14}
Bacteria	<i>Streptococcus agalactiae</i>	0.07	0.14	5.5×10^{-1}	0.20	-0.07	5.6×10^{-2}
Bacteria	<i>Streptomyces avermitilis</i>	0.54	0.19	8.9×10^{-6}	0.22	0.48	1.5×10^{-3}
Bacteria	<i>Sulfurihydrogenibium azorense</i>	0.05	-0.06	4.6×10^{-1}	-0.30	-0.05	1.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Sulfurimonas denitrificans</i>	0.27	0.13	3.3×10^{-1}	0.09	0.14	6.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Sulfurovum sp. NBC37-1</i>	0.43	0.20	3.7×10^{-2}	0.40	0.31	4.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Symbiobacterium thermophilum</i>	0.44	0.05	9.2×10^{-4}	-0.01	0.39	1.6×10^{-3}
Bacteria	<i>Synechococcus elongatus</i>	0.38	0.04	6.0×10^{-3}	0.17	0.44	2.2×10^{-2}
Bacteria	<i>Synechocystis sp. PCC 6803</i>	0.43	-0.09	9.3×10^{-7}	0.22	0.35	2.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Syntrophobacter fumaroxidans</i>	0.38	0.05	1.3×10^{-3}	0.19	0.47	6.0×10^{-3}
Bacteria	<i>Syntrophomonas wolfei</i>	0.20	-0.02	7.7×10^{-2}	0.16	0.23	5.8×10^{-1}
Bacteria	<i>Syntrophus aciditrophicus</i>	0.44	0.04	7.2×10^{-5}	0.07	0.33	2.2×10^{-2}
Bacteria	<i>Thauera sp. MZ1T</i>	0.72	0.35	5.4×10^{-4}	0.39	0.86	1.9×10^{-5}
Bacteria	<i>Thermoanaerobacter pseudethanolicus</i>	0.03	-0.09	3.7×10^{-1}	0.09	0.00	5.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Thermobifida fusca</i>	0.44	0.29	1.9×10^{-1}	0.06	0.18	3.2×10^{-1}
Bacteria	<i>Thermodesulfobivrio yellowstonii</i>	0.21	0.02	1.3×10^{-1}	-0.05	-0.02	8.3×10^{-1}
Bacteria	<i>Thermomicrobium roseum</i>	0.34	0.10	8.8×10^{-2}	0.15	0.43	5.3×10^{-2}
Bacteria	<i>Thermosipho africanus</i>	-0.12	-0.10	9.1×10^{-1}	-0.01	-0.08	6.7×10^{-1}
Bacteria	<i>Thermosynechococcus elongatus</i>	0.23	0.16	5.6×10^{-1}	0.12	0.19	6.0×10^{-1}
Bacteria	<i>Thermotoga lettingae</i>	0.12	-0.10	1.1×10^{-1}	-0.07	-0.07	9.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Thermus thermophilus</i>	0.11	0.09	8.6×10^{-1}	0.25	0.22	8.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Thioalkalivibrio sp. HL-EbGR7</i>	0.73	0.13	3.3×10^{-7}	0.08	0.90	1.2×10^{-9}
Bacteria	<i>Thiobacillus denitrificans</i>	0.42	0.26	1.7×10^{-1}	0.20	0.87	1.0×10^{-6}
Bacteria	<i>Thiomicrospira crunogena</i>	0.36	0.21	2.2×10^{-1}	0.35	0.30	7.1×10^{-1}
Bacteria	<i>Tolunoma auensis</i>	0.53	0.21	1.5×10^{-3}	0.17	0.39	5.9×10^{-2}
Bacteria	<i>Treponema denticola</i>	0.37	-0.01	1.9×10^{-3}	0.34	0.01	8.6×10^{-3}
Bacteria	<i>Trichodesmium erythraeum</i>	0.17	-0.03	3.8×10^{-2}	0.10	0.13	7.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Tropheryma whipplei</i>	-0.39	-0.23	5.0×10^{-1}	0.00	-0.10	6.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Ureaplasma parvum</i>	-0.17	-0.50	6.2×10^{-1}	-0.32	0.29	2.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Variovorax paradoxus</i>	0.82	0.46	8.3×10^{-6}	0.41	1.06	5.4×10^{-15}
Bacteria	<i>Verminephrobacter eiseniae</i>	0.53	0.29	1.3×10^{-2}	0.25	0.77	1.4×10^{-7}
Bacteria	<i>Vibrio cholerae</i>	0.41	0.10	2.1×10^{-3}	0.11	0.05	6.1×10^{-1}
Bacteria	<i>Wigglesworthia glossinidia</i>	-0.45	-0.22	4.3×10^{-1}	-0.15	-0.11	8.6×10^{-1}
Bacteria	<i>Wolbachia endosymbiont</i>	0.21	0.04	3.1×10^{-1}	0.06	0.06	9.8×10^{-1}
Bacteria	<i>Wolinella succinogenes</i>	0.21	-0.19	9.4×10^{-3}	0.23	0.40	1.9×10^{-1}
Bacteria	<i>Xanthobacter autotrophicus</i>	0.62	0.24	4.6×10^{-5}	0.16	0.68	4.5×10^{-7}
Bacteria	<i>Xanthomonas axonopodis</i>	0.59	0.17	2.8×10^{-5}	-0.03	0.80	1.5×10^{-14}
Bacteria	<i>Xylella fastidiosa</i>	0.45	-0.02	1.2×10^{-4}	0.05	0.21	2.5×10^{-1}
Bacteria	<i>Yersinia enterocolitica</i>	0.43	0.08	2.0×10^{-4}	0.13	0.24	2.4×10^{-1}
Bacteria	<i>Zymomonas mobilis</i>	0.08	-0.43	2.9×10^{-3}	0.21	-0.05	8.8×10^{-2}
Archaea	<i>Aeropyrum pernix</i>	0.32	-0.08	1.3×10^{-2}	-0.13	0.21	3.0×10^{-2}
Archaea	<i>Caldivirga maquilingensis</i>	-0.02	-0.03	9.1×10^{-1}	-0.10	-0.19	5.4×10^{-1}
Archaea	<i>Desulfurococcus kamchatkensis</i>	0.07	0.12	7.3×10^{-1}	0.22	-0.05	9.5×10^{-2}
Archaea	<i>Haloarcula marismortui</i>	0.30	0.13	1.1×10^{-1}	0.20	0.62	1.1×10^{-4}
Archaea	<i>Halobacterium salinarum</i>	0.24	0.17	5.8×10^{-1}	0.21	0.40	1.8×10^{-1}
Archaea	<i>Haloquadratum walsbyi</i>	0.02	-0.06	5.3×10^{-1}	0.12	0.10	8.9×10^{-1}
Archaea	<i>Halorubrum lacusprofundi</i>	0.38	0.28	3.8×10^{-1}	0.24	0.46	5.9×10^{-2}
Archaea	<i>Hyperthermus butylicus</i>	0.06	-0.14	2.5×10^{-1}	-0.12	-0.05	6.7×10^{-1}
Archaea	<i>Ignicoccus hospitalis</i>	-0.02	0.06	6.0×10^{-1}	0.24	0.10	4.1×10^{-1}
Archaea	<i>Metallosphaera sedula</i>	0.14	-0.21	7.7×10^{-3}	0.14	0.06	5.5×10^{-1}
Archaea	<i>Methanobrevibacter smithii</i>	0.22	0.18	7.4×10^{-1}	0.07	0.14	6.5×10^{-1}
Archaea	<i>Methanocaldococcus jannaschii</i>	0.06	-0.01	6.5×10^{-1}	0.25	-0.12	3.6×10^{-2}
Archaea	<i>Methanococcoides burtonii</i>	0.52	-0.02	5.8×10^{-6}	0.05	0.25	1.4×10^{-1}
Archaea	<i>Methanococcus aeolicus</i>	-0.07	0.02	6.1×10^{-1}	-0.02	0.04	7.2×10^{-1}
Archaea	<i>Methanocorpusculum labreanum</i>	0.45	0.00	7.3×10^{-3}	0.41	0.53	4.1×10^{-1}

Continued on next page

Type	Species	GC			ENC		
		Highest 5%	Lowest 5%	P-value	Highest 5%	Lowest 5%	P-value
Archaea	<i>Methanoculleus marisnigri</i>	0.46	0.03	3.3×10^{-3}	0.00	0.38	1.2×10^{-2}
Archaea	<i>Methanopyrus kandleri</i>	0.01	-0.19	1.6×10^{-1}	0.02	-0.03	7.6×10^{-1}
Archaea	<i>Methanosacta thermophila</i>	0.55	-0.17	8.8×10^{-5}	-0.27	0.09	5.6×10^{-2}
Archaea	<i>Methanosarcina acetivorans</i>	0.36	-0.15	2.0×10^{-7}	0.06	0.01	5.9×10^{-1}
Archaea	<i>Methanosphaera stadtmanae</i>	0.05	0.12	6.5×10^{-1}	0.16	0.09	6.5×10^{-1}
Archaea	<i>Methanosphaerula palustris</i>	0.44	0.24	9.2×10^{-2}	0.20	0.49	4.5×10^{-2}
Archaea	<i>Methanospirillum hungatei</i>	0.18	-0.10	9.1×10^{-3}	0.15	0.14	9.3×10^{-1}
Archaea	<i>Methanothermobacter thermautotrophicus</i>	0.23	-0.03	1.0×10^{-1}	-0.01	0.18	2.8×10^{-1}
Archaea	<i>Nanoarchaeum equitans</i>	-0.19	-0.11	7.8×10^{-1}	-0.58	-0.15	1.5×10^{-1}
Archaea	<i>Natronomonas pharaonis</i>	0.20	0.08	3.3×10^{-1}	0.19	0.31	3.4×10^{-1}
Archaea	<i>Nitrosopumilus maritimus</i>	-0.14	-0.11	8.1×10^{-1}	-0.13	-0.02	4.9×10^{-1}
Archaea	<i>Picrophilus torridus</i>	0.21	-0.19	1.8×10^{-2}	-0.06	-0.02	8.0×10^{-1}
Archaea	<i>Pyrobaculum aerophilum</i>	0.21	-0.12	7.9×10^{-3}	-0.03	0.08	4.1×10^{-1}
Archaea	<i>Pyrococcus abyssi</i>	-0.02	0.02	8.1×10^{-1}	0.10	0.18	6.1×10^{-1}
Archaea	<i>Staphylothermus marinus</i>	-0.05	-0.03	8.6×10^{-1}	-0.06	-0.10	8.2×10^{-1}
Archaea	<i>Sulfolobus acidocaldarius</i>	0.30	-0.03	4.5×10^{-3}	0.03	-0.06	5.0×10^{-1}
Archaea	<i>Thermococcus gammatolerans</i>	0.17	-0.03	1.5×10^{-1}	0.01	0.28	5.8×10^{-2}
Archaea	<i>Thermofilum pendens</i>	0.40	0.15	7.7×10^{-2}	0.19	0.37	1.9×10^{-1}
Archaea	<i>Thermoplasma acidophilum</i>	0.28	0.09	2.3×10^{-1}	-0.10	0.37	1.1×10^{-2}
Archaea	<i>Thermoproteus neutrophilus</i>	0.24	-0.10	3.9×10^{-2}	-0.17	0.08	1.3×10^{-1}
Fungi	<i>Aspergillus fumigatus</i>	0.59	0.00	1.8×10^{-21}	0.03	0.38	2.1×10^{-8}
Fungi	<i>Candida dubliniensis</i>	0.40	-0.11	7.5×10^{-10}	0.11	0.11	9.9×10^{-1}
Fungi	<i>Cryptococcus neoformans</i>	0.39	0.12	5.6×10^{-4}	0.15	0.45	1.2×10^{-4}
Fungi	<i>Debaryomyces hansenii</i>	0.38	-0.06	2.4×10^{-7}	0.19	0.42	4.1×10^{-3}
Fungi	<i>Encephalitozoon cuniculi</i>	0.09	0.09	1	0.14	0.35	1.4×10^{-1}
Fungi	<i>Eremothecium gossypii</i>	0.80	-0.05	7.4×10^{-18}	0.12	0.87	8.5×10^{-15}
Fungi	<i>Kluyveromyces lactis</i>	0.33	0.00	4.0×10^{-4}	0.04	0.49	3.5×10^{-6}
Fungi	<i>Pichia stipitis</i>	0.34	-0.04	9.8×10^{-6}	-0.01	0.57	3.7×10^{-10}
Fungi	<i>Saccharomyces cerevisiae</i>	0.50	0.02	1.1×10^{-10}	0.13	0.46	8.2×10^{-5}
Fungi	<i>Schizosaccharomyces pombe</i>	0.26	0.00	6.4×10^{-3}	-0.02	0.19	2.1×10^{-2}
Fungi	<i>Yarrowia lipolytica</i>	0.52	0.06	4.1×10^{-8}	0.01	0.57	3.5×10^{-10}
Plant	<i>Arabidopsis thaliana</i>	0.17	-0.04	5.0×10^{-8}	0.03	0.05	6.1×10^{-1}
Plant	<i>Oryza sativa</i>	0.34	-0.24	1.1×10^{-31}	-0.57	0.46	4.8×10^{-81}
Insect	<i>Anopheles gambiae</i>	0.47	0.04	4.8×10^{-11}	0.09	0.64	2.2×10^{-15}
Insect	<i>Drosophila melanogaster</i>	0.34	-0.08	1.2×10^{-13}	0.07	0.55	7.4×10^{-17}
Fish	<i>Danio rerio</i>	0.24	0.07	2.9×10^{-4}	-0.02	0.23	6.6×10^{-7}
Fish	<i>Gasterosteus aculeatus</i>	0.21	0.02	1.3×10^{-3}	0.11	0.35	3.6×10^{-5}
Fish	<i>Oryzias latipes</i>	0.14	0.03	8.2×10^{-2}	-0.03	0.23	1.9×10^{-5}
Fish	<i>Takifugu rubripes</i>	0.26	-0.01	2.3×10^{-4}	-0.01	0.30	5.1×10^{-6}
Bird	<i>Gallus gallus</i>	0.07	-0.14	2.2×10^{-3}	-0.51	0.02	3.5×10^{-12}
Bird	<i>Taeniopygia guttata</i>	0.03	-0.38	6.5×10^{-6}	-0.39	0.01	2.3×10^{-5}
Mammal	<i>Bos taurus</i>	0.11	-0.19	3.8×10^{-7}	-0.46	0.16	4.8×10^{-24}
Mammal	<i>Canis familiaris</i>	0.12	-0.31	7.9×10^{-11}	-0.46	0.20	4.2×10^{-21}
Mammal	<i>Equus caballus</i>	0.13	-0.22	1.5×10^{-9}	-0.37	0.11	4.5×10^{-14}
Mammal	<i>Homo sapiens</i>	0.12	-0.30	2.2×10^{-18}	-0.39	0.12	4.4×10^{-25}
Mammal	<i>Loxodonta africana</i>	0.13	-0.18	4.6×10^{-3}	-0.20	0.17	2.5×10^{-3}
Mammal	<i>Mus musculus</i>	0.07	-0.26	3.1×10^{-13}	-0.32	0.08	5.1×10^{-19}
Mammal	<i>Pteropus vampyrus</i>	0.14	-0.28	7.2×10^{-8}	-0.37	0.09	2.4×10^{-8}
Mammal	<i>Tursiops truncatus</i>	0.11	-0.26	7.3×10^{-6}	-0.44	0.20	8.4×10^{-14}

Note.—The P-values were obtained by t-test.