

smi_0091

(154)

VKDSIDVPAGVLEQAKATGPFAGVVKPLNVELFAGDGMLTRLLKASDKAPWSNDGVAQNEKIPPV.KNL.PDGKYVYQVVSINGNTGKQGDLLDLTRTNGTNTYEATLWYEAAGDKADLTKYVKGRKVNTLNGLVTRSDVNSAVENN
VKDSIDVPAAYLEKAEKGGPFTAGVNOQVIFYELFAGDGMLTRLLKASDKAPWSNDGVAQNEKIPPV.KNL.PDGKYVYQVVSINGNTGKQGDLLDLTRRANGTQTYKATVYVGNKDKGKADLTNIVATKNVDININGLVAKETVEKAVKDN
VKDSIDVPAAYLEKAEKGGPFTAGVNOQVIFYELFAGDGMLTRLLKASDKAPWSNDGVAQNEKIPPV.KNL.PDGKYVYQVVSINGNTGKQGDLLDLTRRANGTQTYKATVYVGNKDKGKADLTNIVATKNVDININGLVAKETVEKAVKDN
VKDSIDVPAAYLEKAEKGGPFTAGVNOQVIFYELFAGDGMLTRLLKASDKAPWSNDGVAQNEKIPPV.KNL.PDGKYVYQVVSINGNTGKQGDLLDLTRRANGTQTYKATVYVGNKDKGKADLTNIVATKNVDININGLVAKETVEKAVKDN

smi_0345

(1524)

PKLEVEETSTAFERQERPNLTVQORQIVQTVGEQIRRLIEVDSQGNELRLRAREVILKEASPEIVEVGTGLIPAN.PAP.QNTLPLPKFTNQPAYDQQKA
PKLEVOEKVAFDROEHEHADMLVGEQRILIQGRDGLLRHVFEVDENGQRRLRSDEVIQEAIPETVEIGTKVKTEPAVAPTQEKTAQNTAAK

smi_0810

(488)

AEEKQTARNAVDAASQAHQNDINAIDKGTGIDTAKNNGLSAIQNVPTTATFYKNTAKQEIATAANA...KKS AIDGQAGLT
AEEKQTAKNAVDAATQANENIDNATNQAGVDTAKNNGKQAINAVPANG
TAKAAVDTEAEKAKAAIDKATDQAGVDSAKAAGKQAIENVPTTATFSKDAKQEIATAANA...KKS AIDGQAGLT
SEKAAKAAVDTEAEKAKAAIDKATDQAGVDSAKAAGKQAIENVPTTATFSKDAKQEIATAANA...KKS AIDGQAGLT
KEEKAAKAAVDTEAEKAKQEI D K R A T D Q A G I D K A K N D G L T A I E N V P T T A T F S K D A K Q E I T A A N K K K A A T D
K A T D Q A G V D S A K V A G K K V I E N V P T T A T F S K D A K Q E I T A A N A E A K K S A I D G Q A G L T

smi_0979

(661)

LQKQAKLEVDKAKKLTALLEGTPNATKEEKDAAKQAAQDAATKANQAI DAATDNAGVATAQTDGIAAIEAVTPTV
AVKAAKAEVAKKLAEKLTALLEGTPNATKEEKDAAKQAAQDAATKANQAI DAATDNAGVATAQTDGIAAIEAVTPTV
AVKAAKAEVAKKLAEKLTALLEGTPNATKEEKDAAKQAAQDAATKANQAI DAATDNAGVATAQTDGIAAIEAVTPTV
AVKAAKAEVAKKLAEKLTALLEGTPNATKEEKDAAKQAAQDAATKANQAI DAATDNAGVATAQTDGIAAIEAVTPTV
AVKAAKAEVAKKLAEKLTALLEGTPNATKEEKDAAKQAAQDAATKANQAI DAATDNAGVATAQTDGIAAIEAVTPTV
AVKAAKAEVAKKLAEKLTALLEGTPNATKEEKDAAKQAAQDAATKANQAI DAATDNAGVATAQTDGIAAIEAVTPTV

smi_1002

(2512)

IYRKLGSYVVVEGITTFFADADLNPKFPYNATFADPTKEGTFTIEKPVV.PIYPGTTTYPGPNKELTTPKDPNDPTKGYEVPDLFTDPTENTTITTV
IFRKLGSYVEVIEPVGTVPTGTDLTPKPYENPTNEDPTREGTPTIETPV.PIYPGTTTYPGPNKELTTPKDPNDPTKGYEVPDLFTDPTENTTITTV
DSVNVVYTLGKXVFKVPPGFE.VPKVEKQYENDPTDPTKPGPTTIVPIYPGTTTYPGPNKELTTPKDPNDPTKGYEVPDLFTDPTENTTITTV
EPTDTPYENVGEPKXVVPSPTKQDFQDPNSPKVPVIEPIPGTTPVVPKDTKPISPDNPIVELTTPVDPNDPTKGYEVPDLFTDPTENTTITTV

ETIKDINEVTIYDKLGSWIRNIP.GTPTNFIYENDPKDTQPGGDKPKVYVPGFI PVDPEGGQLKPKVPDPNDPKGYEVEVPGDPTKDTPIINXI PKDPTPN

smi_ 1064

(1160)

VVYTKLGSWVFKVPGVETPTPLPYPNHPDPTTKPGDPTDNTPNVPIPVYGYTPKIGBTPLEVDPNPENPKVPPINPTPGEDTPIEYSKDPQKAVVKVFNNTTGTETEVELPEEKVELSGKTGERIPADSVTAKTAD
VVYKLGSWLPKVPGVETPTPLPYPNHPDPTTKPGDPMFNTPNVPIPVYGYTPKIGBTPLEVDPNPENPKVPPINPTPGEDTPIEYSKDPQKAVVKVFNNTTGTETEVELPEEKVELSGKTGERIPADSVTAKTAD

smi_ 1306

(920)

KOPALD VNTAAATEKIAAINTPNAIDEKAAAIAKVNADKEKALTAI.....NDANVTTKAELDKAKEAGTTAAGDNPVYAK
KAAAKADVEAARQAKADAINADKNLTQAEKDAALAKVNRKAEDATKAI.....DAATTDAAVDTAKGTGVTEIGKVNPFVA
KONAKDAIGNALTAKNOEIDDRKDLTQAEKDAKAEAKKLADAEITKVNAPDPAETAEAAAAAQKLVNDAEDKGVADVTSVYPIA
KEEAKVADELAKKEKELDDRKDLTTEKAAAKKEAKDLAKKATDAINAZQPAIADTSKATAAQQAVDTAKTTGVAEVKAVNPEAVK
KNVAKKAIEDALTAARNNAIDARDLTPQOKTAAKEAAKADAAKDAI.....DKATTDADVDQAKTTDGETAVANVTPVA
KKPAQOIAKALEDNAEIDKRTDLTEEKATAKKEAKDKADAOLAEIIAKQPDVADTPEAAQTQATAVAAKKTGVDEVTA VNF TAVT
KPEAKKAI DAKLAEQKLTJESTPDAITDEKKVAADAALAAKAEI.....DKAGTDADVKALEDEAKAEIEKSLPLVED
KPNARKAI DEEATAKKAIDSRTDLTP

(1601)

DADGNIIVTTPDGHQETITPEQVVKTSDTANEPKAGNDVVKPANKVWVADPAKLTDAEKEKIIKAAVEAVNPNNSVTV
DEKGNKAVSTPDGQCVI PVDEIVRFAEDTKKPNAGNDINTPSDKTVVANPEALTPPEEKKAIEDKVKAVNPGATVVV
DDKGNATVTTPSGKTAVI PAADLTKTAEAAAKPNAGDDVVKPASKTVVANPEALTPPEEKKAIEDKVKAVNPGATVVV
DDKGNATVTTPSGKTAVI PAADLTKTAEAAAKPNAGDDVVKPASKTVVANPEALTPPEEKKAIEDKVKAVNPGATVVV
DDKGNATVTTPSGKTAVI PAADLTKTAEAAAKPNAGDDVITTPASKTVVANPEALTPPEEKKAIEDKVKAVNPGATVVV
DDKGNATVTTPSGKTAVI PAADLTKTAEAAAKPNAGNDINTPAVKTAVAKKDALTDSEKFAVKTAVEAVNPGAKVVV
DDKGNATVTTKDGKTAVI PASQIVIPTEKLDLSEQNGVNI PATRLLVADKNNLTPPEETAKIKVAVEAVNPGSTVVV
DEKGNATVTTVDGKTATI SAEQIVKDEADVATKNNGENLNLDFEKQLVADLDNLTDADKAGAKAKIIMANPDAEVI

smi_ 1317

(692)

PKVEA
PKVEA
PKVEA
PKVEA
PKVEA

smi_ 1398

(1457)

KVEI PTKPVAPVKPVDPTKAVAPVKPVI PAKPVVTI
KPVTPTKPVVT IKPVTPTKPVASI KPVTFAKPVVTV
KPVTPAKPVVT IKPVTPTKPVVTVKPVTFAKPVVI
KPVTPTKPVVT IKPVI PAKPVVTLNPVI PTKPVSQV

>smi_1531

(1301)

KGDKGKGEQLQGRDGDGAQGLPGRDGRDGAAGRDGRDGRDGDVLDGKVNPEANQKDGDKYVNTETGDFVYKNNGNWDKEGNI
KGPKGDKDQGLQGRDGDGAQGLPGRDGRDGAAGRDGRDGRDGDVLDGKVNPEANQKDGDKYVNTETGDFVYKNNGNWDKEGNI
KGPKGDKGAEAGAQGLPGRDGRDGAAGRDGRDGRDGDVLDGKVNPEANQKDGDKYVNTETGDFVYKNNGNWDKEGNI
KGPKGDKDQGLQGRDGDGAQGLPGRDGRDGAAGRDGRDGRDGDVLDGKVNPEANQKDGDKYVNTETGDFVYKNNGNWDKEGNI
KGPKGDKDQGLQGRDGDGAQGLPGRDGRDGAAGRDGRDGRDGDVLDGKVNPEANQKDGDKYVNTETGDFVYKNNGNWDKEGNI
KGPKGDKDQGLQGRDGDGAQGLPGRDGRDGAAGRDGRDGRDGDVLDGKVNPEANQKDGDKYVNTETGDFVYKNNGNWDKEGNI
KGPKGDKDQGLQGRDGDGAQGLPGRDGRDGAAGRDGRDGRDGDVLDGKVNPEANQKDGDKYVNTETGDFVYKNNGNWDKEGNI

>smi_1662

(999)

SASTSASKSAS TSASQ (>18)

SASTSASESAS TSASA (>14)