

SUPPLEMENTARY TABLE 1. Ciprofloxacin sensitive strains

Gene	CIP	Categ	MIC ng/ml
BW25113			20
<i>recA</i>		1	2
<i>recB</i>		1	5
<i>recC</i>		1	5
<i>recG</i>		1	5
<i>recN</i>		1	5
<i>uvrD</i>		1	5
<i>xseA</i>		1	5
<i>xseB</i>		1	5
<i>acrA</i>		2	5
<i>acrB</i>		2	5
<i>nlpC</i>		2	5
<i>tolC</i>		2	5
<i>glfI</i>		4	5
<i>lpdA</i>		4	5
<i>rutA</i>		4	5
<i>ygcO</i>		4	5
<i>dksA</i>		5	5
<i>yciT</i>		5	5
<i>pgaC</i>		7	5
<i>ybjQ</i>		7	5
<i>ydeS</i>		7	5
<i>yijU</i>		7	5
<i>fis</i>		1	6
<i>lpxL</i>		2	5-7.5
<i>ycjU</i>		4	5-7.5
<i>dcuC</i>		2	7.5
<i>lpp</i>		2	7.5
<i>qmcA</i>		2	7.5
<i>hlpA</i>		2A	7.5
<i>alaS</i>		3	7.5
<i>rimK</i>		3	7.5
<i>rplA</i>		3	7.5
<i>ybgF</i>		3	7.5
<i>mfd</i>		5	7.5
<i>yciM</i>		7	7.5
<i>bamB</i>		2	>7.5
<i>envC</i>		2	>7.5
<i>envZ</i>		2	>7.5
<i>proW</i>		2	>7.5
<i>tatB</i>		2	>7.5
<i>tatC</i>		2	>7.5
<i>yheL</i>		2	>7.5
<i>dnaK</i>		2A	>7.5
<i>hscB</i>		2A	>7.5
<i>fepC</i>		4	>7.5
<i>typA</i>		4	>7.5
<i>ybhT</i>		7	>7.5
<i>ybjJ</i>		7	>7.5
<i>ycbW</i>		7	>7.5
<i>yehJ</i>		7	>7.5
<i>yfgC</i>		3	8.75
<i>hfq</i>		5	8.75
<i>ihfA</i>		5	8.75
<i>yjjY</i>		7	8.75
<i>ruvC</i>		1	>8.75
<i>hrpA</i>		1A	>8.75
<i>ybgC</i>		4	>8.75
<i>ruvA</i>		1	10

SUPPLEMENTARY TABLE 2. Enoxacin sensitive strains

Gene	ENX	Categ	MIC ng/ml
BW25113			200
<i>recA</i>		1	50
<i>recB</i>		1	50
<i>recC</i>		1	50
<i>recG</i>		1	50
<i>recN</i>		1	50
<i>xseA</i>		1	50
<i>xseB</i>		1	50
<i>acrA</i>		2	50
<i>nlpC</i>		2	≤75
<i>pgaC</i>		4	≤75
<i>ycjU</i>		4	≤75
<i>ybjQ</i>		7	≤75
<i>qmcA</i>		2	75
<i>tolC</i>		2	75
<i>ybgF</i>		2	75
<i>rimK</i>		3	75
<i>ygcO</i>		4	75
<i>dksA</i>		5	75
<i>yciT</i>		5	75
<i>yciM</i>		7	75
<i>uvrD</i>		1	≥75
<i>fis</i>		1A	≥75
<i>acrB</i>		2	≥75
<i>envC</i>		2	≥75
<i>hlpA</i>		2A	≥75
<i>rseA</i>		5	≥75
<i>ybhT</i>		7	≥75
<i>gtI</i>		2	>75
<i>lpxL</i>		2	>75
<i>ybjJ</i>		2	>75
<i>dusB</i>		3	>75
<i>rutA</i>		4	>75
<i>oxyR</i>		5	>75
<i>xapR</i>		5	>75
<i>ylcG</i>		6	>75
JW5115		7	>75
<i>ycbW</i>		7	>75
<i>yehJ</i>		7	>75
<i>yjjY</i>		7	>75
<i>bamB</i>		2	100
<i>dedD</i>		2	100
<i>lpxM</i>		2	100
<i>surA</i>		2A	100
<i>yfgC</i>		3	100
<i>gpmM</i>		4	100
<i>hfq</i>		5	100
<i>ubiG</i>		4	≥100
<i>proW</i>		2	>100
<i>seqA</i>		2	>100

SUPPLEMENTARY TABLE 3. Nitrofurantoin sensitive strains

Gene	NIT	Categ	MIC µg/ml	Gene	NIT	Categ	MIC µg/ml	Gene	NIT	Categ	MIC µg/ml
BW25113			10	<i>seqA</i>		5	3.5	<i>ftsP</i>		1A	>4
<i>uvrA</i>		1	1	<i>yciT</i>		5	3.5	<i>csgG</i>		2	>4
<i>recO</i>		1	2	<i>ygfS</i>		1A	3.5-4	<i>ddlB</i>		2	>4
<i>uvrC</i>		1	2	<i>ecnB</i>		2	3.5-4	<i>fepB</i>		2	>4
<i>uvrD</i>		1	2	<i>lpxL</i>		2	3.5-4	<i>gltI</i>		2	>4
<i>dinG</i>		1	3	<i>nlpC</i>		2	3.5-4	<i>ompF</i>		2	>4
<i>fis</i>		1	3	<i>wbbL</i>		2	3.5-4	<i>plsX</i>		2	>4
<i>recA</i>		1	3	<i>ybjP</i>		2	3.5-4	<i>proV</i>		2	>4
<i>recB</i>		1	3	<i>ydcX</i>		2	3.5-4	<i>pstS</i>		2	>4
<i>recC</i>		1	3	<i>ibpB</i>		2A	3.5-4	<i>rfaY</i>		2	>4
<i>recF</i>		1	3	<i>aceF</i>		4	3.5-4	<i>vidE</i>		2	>4
<i>recG</i>		1	3	<i>fdx</i>		4	3.5-4	<i>ynhG</i>		2	>4
<i>recJ</i>		1	3	<i>gpmM</i>		4	3.5-4	<i>dnaJ</i>		2A	>4
<i>recQ</i>		1	3	<i>hyfF</i>		4	3.5-4	<i>hlpA</i>		2A	>4
<i>recR</i>		1	3	<i>nuoM</i>		4	3.5-4	<i>ygeG</i>		2A	>4
<i>yfgD</i>		1A	3	<i>ydbD</i>		4	3.5-4	<i>fkpB</i>		3	>4
<i>acrA</i>		2	3	<i>ycaN</i>		5	3.5-4	<i>rplR</i>		3	>4
<i>dcuC</i>		2	3	<i>ydhB</i>		5	3.5-4	<i>nudB</i>		4	>4
<i>dedD</i>		2	3	<i>yaiU</i>		7	3.5-4	<i>pnp</i>		4	>4
<i>mdtJ</i>		2	3	<i>ymbA</i>		7	3.5-4	<i>rpiA</i>		4	>4
<i>minC</i>		2	3	<i>xseB</i>		1	4	<i>rutA</i>		4	>4
<i>qmcA</i>		2	3	<i>cmk</i>		1A	4	<i>deaD</i>		5	>4
<i>tatC</i>		2	3	<i>tdK</i>		1A	4	<i>gcvA</i>		5	>4
<i>yehM</i>		2	3	<i>leuE</i>		2	4	<i>leuO</i>		5	>4
<i>alaS</i>		3	3	<i>proW</i>		2	4	<i>zwf</i>		5	>4
<i>rimK</i>		3	3	<i>rfaC</i>		2	4	<i>JW5115</i>		7	>4
<i>rplA</i>		3	3	<i>rfaE</i>		2	4	<i>ybeY</i>		7	>4
<i>sirA</i>		3	3	<i>rfaG</i>		2	4	<i>yihG</i>		7	>4
<i>amiA</i>		4	3	<i>rfaP</i>		2	4	<i>yjgA</i>		7	>4
<i>cis</i>		4	3	<i>ybjJ</i>		2	4				
<i>iscS</i>		4	3	<i>ygcO</i>		2	4				
<i>iscU</i>		4	3	<i>yheL</i>		2	4				
<i>mraW</i>		4	3	<i>dusB</i>		3	4				
<i>ycjU</i>		4	3	<i>elaD</i>		3	4				
<i>ygfZ</i>		4	3	<i>rpmJ</i>		3	4				
<i>fur</i>		5	3	<i>rpsO</i>		3	4				
<i>hfq</i>		5	3	<i>ycgF</i>		3	4				
<i>mfd</i>		5	3	<i>yfgC</i>		3	4				
<i>nusB</i>		5	3	<i>yheM</i>		3	4				
<i>xapR</i>		5	3	<i>yheN</i>		3	4				
<i>JW5169</i>		7	3	<i>atpG</i>		4	4				
<i>rssA</i>		7	3	<i>eutM</i>		4	4				
<i>ybaB</i>		7	3	<i>fidB</i>		4	4				
<i>ybjQ</i>		7	3	<i>rutB</i>		4	4				
<i>ycbW</i>		7	3	<i>sucD</i>		4	4				
<i>yciM</i>		7	3	<i>treA</i>		4	4				
<i>ycjG</i>		7	3	<i>ubiG</i>		4	4				
<i>cvpA</i>		2	3.5	<i>ybgC</i>		4	4				
<i>envC</i>		2	3.5	<i>yibK</i>		4	4				
<i>fepC</i>		2	3.5	<i>yigB</i>		4	4				
<i>fruB</i>		2	3.5	<i>dksA</i>		5	4				
<i>tolC</i>		2	3.5	<i>flhD</i>		5	4				
<i>ybgF</i>		2	3.5	<i>hns</i>		5	4				
<i>yhdP</i>		2	3.5	<i>oxyR</i>		5	4				
<i>yiaD</i>		2	3.5	<i>yihL</i>		5	4				
<i>yihL</i>		2	3.5	<i>ymfT</i>		6	4				
<i>ymfA</i>		2	3.5	<i>gfcC</i>		7	4				
<i>cydB</i>		4	3.5	<i>JW2207</i>		7	4				
<i>pgaC</i>		4	3.5	<i>ybdD</i>		7	4				
<i>ydjI</i>		4	3.5	<i>dam</i>		1	>4				

SUPPLEMENTARY TABLE 4. Metronidazole sensitive strains

Gene	MTR	Categ	MIC µg/ml	Gene	MTR	Categ	MIC µg/ml
BW25113			1000	<i>xseB</i>		1	>700
<i>gshA</i>		1A	100	<i>fis</i>		1A	>700
<i>uvrD</i>		1	300	<i>tdK</i>		1A	>700
<i>recG</i>		1	300	<i>ygfA</i>		1A	>700
<i>dinB</i>		1	400	<i>minC</i>		1A, 2	>700
<i>ruvA</i>		1	400	<i>acrA</i>		2	>700
<i>gshB</i>		1A	400	<i>acrB</i>		2	>700
<i>recA</i>		1	500	<i>envC</i>		2	>700
<i>recB</i>		1	500	<i>envZ</i>		2	>700
<i>recC</i>		1	500	<i>gltl</i>		2	>700
<i>uvrA</i>		1	500	<i>lpxM</i>		2	>700
<i>uvrC</i>		1	500	<i>plsX</i>		2	>700
<i>gor</i>		1A	500	<i>pstS</i>		2	>700
<i>dedD</i>		2	500	<i>tatB</i>		2	>700
<i>lpxL</i>		2	500	<i>tolR</i>		2	>700
<i>tatC</i>		2	500	<i>typA</i>		2	>700
<i>tolC</i>		2	500	<i>rimK</i>		3	>700
<i>yciS</i>		2	500	<i>pnp</i>		3A	>700
<i>lon</i>		2A	500	<i>atpG</i>		4	>700
<i>amiA</i>		4	500	<i>fabF</i>		4	>700
<i>ygfZ</i>		4	500	<i>ycjU</i>		4	>700
<i>zwf</i>		4	500	<i>rpiA</i>		4	>700
<i>fur</i>		5	500	<i>tktA</i>		4	>700
<i>hfq</i>		5	500	<i>ybgC</i>		4	>700
<i>mfd</i>		5	500	<i>ylcG</i>		6	>700
<i>nusB</i>		5	500	<i>JW5169</i>		7	>700
<i>xapR</i>		5	500	<i>ycbW</i>		7	>700
<i>rssA</i>		7	500				
<i>yciM</i>		7	500				
<i>yebV</i>		7	500				
<i>dam</i>		1	700				
<i>recF</i>		1	700				
<i>recO</i>		1	700				
<i>recR</i>		1	700				
<i>yfgD</i>		1A	700				
<i>ppiB</i>		2	700				
<i>rfaC</i>		2	700				
<i>rfaD</i>		2	700				
<i>rfaE</i>		2	700				
<i>rfaG</i>		2	700				
<i>ydcX</i>		2	700				
<i>hlpA</i>		2A	700				
<i>hscA</i>		2A	700				
<i>rplA</i>		3	700				
<i>rppH</i>		3A	700				
<i>gmhB</i>		4	700				
<i>gntY</i>		4	700				
<i>gpmM</i>		4	700				
<i>ydjI</i>		4	700				
<i>ygcO</i>		4	700				
<i>cysB</i>		5	700				
<i>deaD</i>		5	700				
<i>oxyR</i>		5	700				
<i>rseA</i>		5	700				
<i>yciT</i>		5	700				
<i>ybcW</i>		6	700				
<i>ybdN</i>		7	700				
<i>dinG</i>		1	>700				
<i>recJ</i>		1	>700				
<i>xseA</i>		1	>700				

SUPPLEMENTARY TABLE 5. Sulfamethoxazole sensitive strains

Gene	SFX	Categ	MIC µg/ml
BW25113			1000
<i>recB</i>		1	400
<i>recC</i>		1	400
<i>nlpC</i>		2	400
<i>wbbL</i>		2	400
<i>rimK</i>		3	400
<i>gpmM</i>		4	400
<i>ydbD</i>		4	400
<i>fur</i>		5	400
<i>nusB</i>		5	400
JW5169		7	400
<i>recG</i>		1	500
<i>lpxL</i>		2	500
<i>tolC</i>		2	500
<i>yciS</i>		2	500
<i>degP</i>		2A	500
<i>dnaK</i>		2A	500
<i>rplA</i>		3	500
<i>hyfJ</i>		4	500
<i>yciT</i>		5	500
JW5115		7	500
<i>ycbW</i>		7	500
<i>cpxA</i>		2	≤600
<i>ppiB</i>		2	≤600
<i>pstA</i>		2	≤600
<i>qmcA</i>		2	≤600
<i>tatC</i>		2	≤600
<i>tolR</i>		2	≤600
<i>ycjG</i>		2	≤600
<i>yheL</i>		2	≤600
<i>yiaD</i>		2	≤600
<i>hscA</i>		2A	≤600
<i>rpmE</i>		3	≤600
<i>rpsO</i>		3	≤600
<i>yheM</i>		3	≤600
<i>mraW</i>		4	≤600
<i>pgaC</i>		4	≤600
<i>sucD</i>		4	≤600
<i>ycjU</i>		4	≤600
<i>yjR</i>		6	≤600
<i>recA</i>		1	≥600
<i>fis</i>		1A	≥600
<i>ygfA</i>		1A	≥600
<i>rpmF</i>		3	≥600
<i>ygcO</i>		4	≥600
<i>yddK</i>		7	≥600
<i>pstS</i>		2	600
<i>rfaC</i>		2	600
<i>yheN</i>		3	600
<i>atpG</i>		4	600
<i>cydB</i>		4	600
<i>dapF</i>		4	600
<i>iscS</i>		4	600
<i>ylcG</i>		6	600
<i>ybeY</i>		7	600
<i>acrA</i>		2	>600
<i>rfaE</i>		2	>600
<i>elaD</i>		3	>600
<i>rpmJ</i>		3	>600

Gene	SFX	Categ	MIC µg/ml
<i>yfgC</i>		3	>600
<i>dcd</i>		4	>600
<i>folB</i>		4	>600
<i>hfq</i>		5	>600
<i>hipB</i>		5	>600
<i>hns</i>		5	>600
<i>leuO</i>		5	>600
<i>rfaH</i>		5	>600
<i>rseA</i>		5	>600
<i>xapR</i>		5	>600
<i>zapB</i>		5	>600
<i>yciM</i>		7	>600

SUPPLEMENTARY TABLE 6. Rifampicin sensitive strains

Gene	Rif	Categ	MIC µg/ml
BW25113			16
<i>bamB</i>		2	1.5
<i>yciM</i>		7	1.5
<i>rfaD</i>		2	3
<i>rfaE</i>		2	3
<i>hlpA</i>		2A	3
<i>surA</i>		2A	3
<i>rpmF</i>		3	3
<i>ylcG</i>		6	3
<i>recA</i>		1	5
<i>rfaC</i>		2	5
<i>tolR</i>		2	5
<i>trxA</i>		2	5
<i>trxB</i>		2	5
<i>yfgC</i>		3	5
<i>atpG</i>		4	5
<i>gmhB</i>		4	5
<i>rpe</i>		4	5
<i>ybgC</i>		4	5
<i>hfq</i>		5	5
<i>rseA</i>		5	5
<i>ydfH</i>		5	5
<i>ybcN</i>		6	5
<i>ybeY</i>		7	5
<i>rhlB</i>		3A	6
<i>uvrA</i>		1	7.5
<i>csgG</i>		2	7.5
<i>dedD</i>		2	7.5
<i>lpxL</i>		2	7.5
<i>lpxM</i>		2	7.5
<i>pal</i>		2	7.5
<i>rfaG</i>		2	7.5
<i>smpA</i>		2	7.5
<i>tonB</i>		2	7.5
<i>rplA</i>		3	7.5
<i>rpmE</i>		3	7.5
<i>rpmG</i>		3	7.5
<i>nagA</i>		4	7.5
<i>pnp</i>		4	7.5
<i>cedA</i>		5	7.5
<i>rfaH</i>		5	7.5
<i>rssA</i>		7	7.5
<i>recB</i>		1	8.5
<i>recC</i>		1	8.5
<i>recN</i>		1	8.5
<i>acrA</i>		2	8.5
<i>envC</i>		2	8.5
<i>fepB</i>		2	8.5
<i>pstA</i>		2	8.5
<i>pstS</i>		2	8.5
<i>rfaQ</i>		2	8.5
<i>tolC</i>		2	8.5
<i>dnaK</i>		2A	8.5
<i>elaD</i>		3	8.5
<i>rimK</i>		3	8.5
<i>rpmJ</i>		3	8.5
<i>rpsO</i>		3	8.5
<i>rbn</i>		3A	8.5
<i>rppH</i>		3A	8.5
<i>cis</i>		4	8.5

Gene	Rif	Categ	MIC µg/ml
<i>cyaA</i>		4	8.5
<i>fabF</i>		4	8.5
<i>fur</i>		5	8.5
<i>hns</i>		5	8.5
<i>acrB</i>		2	10
<i>argO</i>		2	10
<i>ecnB</i>		2	10
<i>exbD</i>		2	10
<i>glcA</i>		2	10
<i>phoU</i>		2	10
<i>plsX</i>		2	10
<i>ppiB</i>		2	10
<i>ybjO</i>		2	10
<i>yciS</i>		2	10
<i>yidE</i>		2	10
<i>ycbR</i>		2A	10
<i>rsgA</i>		3	10
<i>pcnB</i>		3A	10
<i>dapF</i>		4	10
<i>glpD</i>		4	10
<i>gpmM</i>		4	10
<i>nuoM</i>		4	10
<i>xapR</i>		5	10
<i>yciT</i>		5	10
<i>gfcC</i>		7	10
<i>ybeD</i>		7	10
<i>yceD</i>		7	10
<i>yehJ</i>		7	10
<i>yjgA</i>		7	10
<i>yjiW</i>		7	10
<i>yjyY</i>		7	10
<i>fepC</i>		2	>10

SUPPLEMENTARY TABLE 7. Gentamicin sensitive strains

Gene	GEN	Categ	MIC $\mu\text{g/ml}$
BW25113			0.8
<i>recB</i>		1	0.5
<i>envC</i>		2	0.5
<i>ompF</i>		2	0.5
<i>sapC</i>		2	0.5
<i>secG</i>		2	0.5
<i>tatC</i>		2	0.5
<i>tolC</i>		2	0.5
<i>hflK</i>		3	0.5
<i>yheM</i>		3	0.5
<i>yheN</i>		3	0.5
<i>atpG</i>		4	0.5
<i>mraW</i>		4	0.5
<i>nusB</i>		5	0.5
<i>rpoN</i>		5	0.5
<i>xapR</i>		5	0.5
JW5360		7	0.5
<i>recA</i>		1	0.7
<i>ddlB</i>		2	0.7
<i>yheL</i>		2	0.7
<i>ibpB</i>		2A	0.7
<i>prfC</i>		3	0.7
<i>rpmE</i>		3	0.7
<i>yfgC</i>		3	0.7
<i>dapF</i>		4	0.7
<i>gpmM</i>		4	0.7
<i>iscS</i>		4	0.7
<i>nudB</i>		4	0.7
<i>rutA</i>		4	0.7
<i>yidD</i>		7	0.7
<i>xseB</i>		1	≥ 0.7
<i>gshB</i>		1A	≥ 0.7
<i>acrA</i>		2	≥ 0.7
<i>pstS</i>		2	≥ 0.7
<i>rfaC</i>		2	≥ 0.7
<i>rfaD</i>		2	≥ 0.7
<i>rfaG</i>		2	≥ 0.7
<i>rfaP</i>		2	≥ 0.7
<i>rffA</i>		2	≥ 0.7
<i>smpA</i>		2	≥ 0.7
<i>hlpA</i>		2A	≥ 0.7
<i>rpsO</i>		3	≥ 0.7
<i>rsgA</i>		3	≥ 0.7
<i>rppH</i>		3A	≥ 0.7
<i>cis</i>		4	≥ 0.7
<i>folB</i>		4	≥ 0.7
<i>glnD</i>		4	≥ 0.7
<i>gmhB</i>		4	≥ 0.7
<i>iscU</i>		4	≥ 0.7
<i>leuO</i>		5	≥ 0.7
<i>mfd</i>		5	≥ 0.7
<i>pdhR</i>		5	≥ 0.7
<i>yidP</i>		5	≥ 0.7
<i>ybeD</i>		7	≥ 0.7
<i>ybhT</i>		7	≥ 0.7
<i>yciM</i>		7	≥ 0.7
<i>yjgA</i>		7	≥ 0.7

SUPPLEMENTARY TABLE 8. Tobramycin sensitive strains

Gene	TOB	Categ	MIC µg/ml
BW25113			1
<i>recB</i>		1	0.6
<i>envC</i>		2	0.6
<i>ompF</i>		2	0.6
<i>sapC</i>		2	0.6
<i>secG</i>		2	0.6
<i>tatC</i>		2	0.6
<i>tolC</i>		2	0.6
<i>hflK</i>		3	0.6
<i>yheM</i>		3	0.6
<i>yheN</i>		3	0.6
<i>atpG</i>		4	0.6
<i>mraW</i>		4	0.6
<i>nusB</i>		5	0.6
<i>rpoN</i>		5	0.6
<i>xapR</i>		5	0.6
JW5360		7	0.6
<i>ddlB</i>		2	0.7
<i>rfaD</i>		2	0.7
<i>rffA</i>		2	0.7
<i>yheL</i>		2	0.7
<i>hlpA</i>		2A	0.7
<i>ibpB</i>		2A	0.7
<i>prfC</i>		3	0.7
<i>rpmE</i>		3	0.7
<i>rpsO</i>		3	0.7
<i>yfgC</i>		3	0.7
<i>dapF</i>		4	0.7
<i>folB</i>		4	0.7
<i>glnD</i>		4	0.7
<i>gpmM</i>		4	0.7
<i>iscS</i>		4	0.7
<i>nudB</i>		4	0.7
<i>rutA</i>		4	0.7
<i>ydjD</i>		7	0.7
<i>xseA</i>		1	0.8
<i>gshB</i>		1A	0.8
<i>acrA</i>		2	0.8
<i>cvpA</i>		2	0.8
<i>pstA</i>		2	0.8
<i>pstS</i>		2	0.8
<i>rfaC</i>		2	0.8
<i>rfaG</i>		2	0.8
<i>rfaP</i>		2	0.8
<i>smpA</i>		2	0.8
<i>ycjG</i>		2	0.8
<i>viaA</i>		2	0.8
<i>rplR</i>		3	0.8
<i>rsgA</i>		3	0.8
<i>tufB</i>		3	0.8
<i>rbn</i>		3A	0.8
<i>rppH</i>		3A	0.8
<i>acpT</i>		4	0.8
<i>cis</i>		4	0.8
<i>gmhB</i>		4	0.8
<i>gntK</i>		4	0.8
<i>iscU</i>		4	0.8
<i>leuO</i>		5	0.8
<i>mfd</i>		5	0.8
<i>pdhR</i>		5	0.8

Gene	TOB	Categ	MIC µg/ml
<i>ydjP</i>		5	0.8
<i>ybeD</i>		7	0.8
<i>ybhT</i>		7	0.8
<i>yciM</i>		7	0.8
<i>yjgA</i>		7	0.8
<i>recA</i>		1	>0.8

SUPPLEMENTARY TABLE 9. Neomycin sensitive strains

Gene	NEO	Categ	MIC µg/ml
BW25113			90
<i>recB</i>		1	<50
<i>envC</i>		2	<50
<i>lpxM</i>		2	<50
<i>ompF</i>		2	<50
<i>tatC</i>		2	<50
<i>tolC</i>		2	<50
<i>yfgC</i>		3	<50
<i>yheN</i>		3	<50
<i>nudB</i>		4	<50
<i>nusB</i>		5	<50
<i>rpoN</i>		5	<50
<i>rsmF</i>		5	<50
<i>xapR</i>		5	<50
<i>xseB</i>		1	≤50
<i>ddlB</i>		2	≤50
<i>dedD</i>		2	≤50
<i>fepC</i>		2	≤50
<i>rffA</i>		2	≤50
<i>sapC</i>		2	≤50
<i>fkpB</i>		2A	≤50
<i>hlpA</i>		2A	≤50
<i>ibpB</i>		3	≤50
<i>prfC</i>		3	≤50
<i>dapF</i>		4	≤50
<i>folB</i>		4	≤50
<i>gntK</i>		4	≤50
<i>mraW</i>		4	≤50
<i>ydjI</i>		4	≤50
<i>leuO</i>		5	≤50
<i>mfd</i>		5	≤50
<i>yciM</i>		7	≤50
<i>yidD</i>		7	≤50
<i>yjgA</i>		7	≤50
<i>dinG</i>		1	≥50
<i>gshB</i>		1A	≥50
<i>ftsP</i>		1A	≥50
<i>acrA</i>		2	≥50
<i>cvpA</i>		2	≥50
<i>fepB</i>		2	≥50
<i>fruB</i>		2	≥50
<i>nlpC</i>		2	≥50
<i>ppiB</i>		2	≥50
<i>rfaC</i>		2	≥50
<i>rfaD</i>		2	≥50
<i>rfaG</i>		2	≥50
<i>rfaP</i>		2	≥50
<i>smpA</i>		2	≥50
<i>tolQ</i>		2	≥50
<i>wbbL</i>		2	≥50
<i>yehM</i>		2	≥50
<i>ycjG</i>		2	≥50
<i>yhdP</i>		2	≥50
<i>viaA</i>		2	≥50
<i>ymfA</i>		2	≥50
<i>yneE</i>		2	≥50
<i>rplR</i>		3	≥50
<i>yheM</i>		3	≥50
<i>rppH</i>		3A	≥50
<i>ackA</i>		4	≥50

Gene	NEO	Categ	MIC µg/ml
<i>acpT</i>		4	≥50
<i>atpG</i>		4	≥50
<i>cis</i>		4	≥50
<i>glnD</i>		4	≥50
<i>gmhB</i>		4	≥50
<i>gpmM</i>		4	≥50
<i>nuoM</i>		4	≥50
<i>pgaC</i>		4	≥50
<i>dkxA</i>		5	≥50
<i>slyA</i>		5	≥50
<i>yciT</i>		5	≥50
<i>yidP</i>		5	≥50
<i>JW5169</i>		7	≥50
<i>JW5360</i>		7	≥50
<i>ybhT</i>		7	≥50

SUPPLEMENTARY TABLE 10. Streptomycin sensitive strains

Gene	STR	Categ	MIC $\mu\text{g/ml}$
BW25113			3.5
<i>atpG</i>		4	≤ 2.5
<i>dapF</i>		4	≤ 2.5
<i>envC</i>		2	2.5
<i>rfaD</i>		2	2.5
<i>tatC</i>		2	2.5
<i>tolC</i>		2	2.5
<i>yheN</i>		3	2.5
<i>xapR</i>		5	2.5
<i>recC</i>		1	≥ 2.5
<i>acrA</i>		2	≥ 2.5
<i>ddlB</i>		2	≥ 2.5
<i>ompF</i>		2	≥ 2.5
<i>rfaE</i>		2	≥ 2.5
<i>sapC</i>		2	≥ 2.5
<i>secG</i>		2	≥ 2.5
<i>prfC</i>		3	≥ 2.5
<i>yfgC</i>		3	≥ 2.5
<i>gmhB</i>		4	≥ 2.5
<i>mraW</i>		4	≥ 2.5
<i>rutA</i>		4	≥ 2.5
<i>leuO</i>		5	≥ 2.5
<i>recA</i>		1	> 2.5
<i>fepC</i>		2	> 2.5
<i>proW</i>		2	> 2.5
<i>ibpB</i>		2A	> 2.5
<i>folB</i>		4	> 2.5
<i>gpmM</i>		4	> 2.5
<i>mfd</i>		5	> 2.5
<i>yidP</i>		5	> 2.5
<i>yidD</i>		7	> 2.5

SUPPLEMENTARY TABLE 11. Spectinomycin sensitive strains

Gene	SPT	Categ	MIC $\mu\text{g/ml}$
BW25113			20
<i>tolC</i>		2	13.5
<i>dnaK</i>		2A	13.5
<i>rplA</i>		3	13.5
<i>rpmJ</i>		3	13.5
<i>atpG</i>		4	13.5
<i>pnp</i>		4	13.5
<i>hns</i>		5	13.5
<i>ybeY</i>		7	13.5
<i>yciM</i>		7	13.5
<i>recB</i>		1	15
<i>lpxL</i>		2	15
<i>rfaD</i>		2	15
<i>sapC</i>		2	15
<i>rpmE</i>		3	15
<i>yheN</i>		3	15
<i>dapF</i>		4	15
<i>rpe</i>		4	15
<i>oxyR</i>		5	15
<i>recA</i>		1	>15
<i>recC</i>		1	>15
<i>hrpA</i>		1A	>15
<i>acrA</i>		2	>15
<i>ppiB</i>		2	>15
<i>proW</i>		2	>15
<i>rfaC</i>		2	>15
<i>rfaE</i>		2	>15
<i>surA</i>		2A	>15
<i>mnmG</i>		3	>15
<i>yheM</i>		3	>15
<i>iscS</i>		4	>15
<i>tktA</i>		4	>15
<i>ygcO</i>		4	>15
<i>dksA</i>		5	>15
<i>rpoN</i>		5	>15
<i>rseA</i>		5	>15
<i>yciT</i>		5	>15

SUPPLEMENTARY TABLE 12. Tetracycline sensitive strains

Gene	TET	Categ	MIC µg/ml
BW25113			2.5
<i>acrA</i>		2	0.5
<i>tolC</i>		2	0.5
<i>acrB</i>		2	1
<i>dedD</i>		2	1
<i>nlpC</i>		2	1
<i>ybaB</i>		2	1
<i>rimK</i>		3	1
<i>ygcO</i>		4	1
<i>dksA</i>		5	1
<i>hns</i>		5	1
<i>nusB</i>		5	1
<i>yciM</i>		7	1
<i>recB</i>		1	1-1.5
<i>envC</i>		2	1-1.5
<i>gpmM</i>		2	1-1.5
<i>pgmP</i>		2	1-1.5
<i>ppiD</i>		2	1-1.5
<i>proW</i>		2	1-1.5
<i>ycdZ</i>		2	1-1.5
<i>rplA</i>		3	1-1.5
<i>ybgF</i>		3	1-1.5
<i>iscS</i>		4	1-1.5
<i>ycjU</i>		4	1-1.5
<i>hfq</i>		5	1-1.5
<i>oxyR</i>		5	1-1.5
<i>phoP</i>		5	1-1.5
<i>yciT</i>		5	1-1.5
<i>qmcA</i>		7	1-1.5
<i>ydcS</i>		7	1-1.5
<i>recA</i>		1	≥1.5
<i>recC</i>		1	≥1.5
<i>csgG</i>		2	≥1.5
<i>lpxM</i>		2	≥1.5
<i>pstA</i>		2	≥1.5
<i>pstS</i>		2	≥1.5
<i>qmcA</i>		2	≥1.5
<i>rfaQ</i>		2	≥1.5
<i>surA</i>		2	≥1.5
<i>tonB</i>		2	≥1.5
<i>yehM</i>		2	≥1.5
<i>ydcX</i>		2	≥1.5
<i>dnaK</i>		2A	≥1.5
<i>hscA</i>		2A	≥1.5
<i>rpmJ</i>		3	≥1.5
<i>rpsF</i>		3	≥1.5
<i>rrmJ</i>		3	≥1.5
<i>yfgC</i>		3	≥1.5
<i>yheN</i>		3	≥1.5
<i>amiA</i>		4	≥1.5
<i>cysB</i>		4	≥1.5
<i>dcd</i>		4	≥1.5
<i>rpe</i>		4	≥1.5
<i>ihfA</i>		5	≥1.5
<i>rseA</i>		5	≥1.5
<i>vacJ</i>		5	≥1.5
<i>zapB</i>		5	≥1.5
<i>yneE</i>		6	≥1.5
<i>ybeY</i>		7	≥1.5
<i>yceD</i>		7	≥1.5
<i>yjjY</i>		7	≥1.5

SUPPLEMENTARY TABLE 13. Vancomycin sensitive strains

Gene	VAN	Categ	MIC µg/ml
BW25113			500
<i>surA</i>		2A	4
<i>smpA</i>		2	70
<i>bamB</i>		2	100
<i>envC</i>		2	100
<i>lpxL</i>		2	100
<i>tatC</i>		2	100
<i>tolR</i>		2	100
<i>ydcS</i>		2	100
<i>yciM</i>		7	100
<i>recA</i>		1	150
<i>envZ</i>		2	150
<i>lpxM</i>		2	150
<i>nlpC</i>		2	150
<i>pal</i>		2	150
<i>proW</i>		2	150
<i>rfaC</i>		2	150
<i>ybgF</i>		2	150
<i>yhdP</i>		2	150
<i>dnaK</i>		2A	150
<i>hlpA</i>		2A	150
<i>hscA</i>		2A	150
<i>hscB</i>		2A	150
<i>rimK</i>		3	150
<i>rplA</i>		3	150
<i>tufA</i>		3	150
<i>yfgC</i>		3	150
<i>aceE</i>		4	150
<i>pgaC</i>		4	150
<i>ycjU</i>		4	150
<i>ygcO</i>		4	150
<i>dksA</i>		5	150
<i>fur</i>		5	150
<i>rsmF</i>		5	150
<i>xapR</i>		5	150
<i>yciT</i>		5	150
<i>ylcG</i>		6	150
<i>ydhT</i>		7	150
<i>recB</i>		1	>150
<i>ftsP</i>		1A	>150
<i>fepC</i>		2	>150
<i>qmcA</i>		2	>150
<i>tatB</i>		2	>150
<i>tonB</i>		2	>150
<i>yheL</i>		2	>150
<i>elaD</i>		3	>150
<i>rpmJ</i>		3	>150
<i>rpsO</i>		3	>150
<i>rrmJ</i>		3	>150
<i>yheM</i>		3	>150
<i>yheN</i>		3	>150
<i>rppH</i>		3A	>150
<i>cis</i>		4	>150
<i>cydB</i>		4	>150
<i>fdx</i>		4	>150
<i>yijC</i>		4	>150
<i>gpmM</i>		4	>150
<i>iscS</i>		4	>150
<i>hns</i>		5	>150
<i>ybgT</i>		7	>150
<i>yjjY</i>		7	>150

SUPPLEMENTARY TABLE 14. Ampicillin sensitive strains

Gene	AMP	Categ	MIC µg/ml
BW25113			6
<i>acrA</i>		2	1
<i>dacA</i>		2	1
<i>ddlB</i>		2	1
<i>dedD</i>		2	1
<i>emtA</i>		2	1
<i>mrcB</i>		2	1
<i>tolC</i>		2	1
<i>ybgF</i>		2	1
<i>surA</i>		2A	1
<i>rimK</i>		3	1
<i>rplA</i>		3	1
<i>rpmF</i>		3	1
<i>rrmJ</i>		3	1
<i>yfgC</i>		3	1
<i>dapF</i>		4	1
<i>ycjU</i>		4	1
<i>ygcO</i>		4	1
<i>yciT</i>		5	1
<i>ylcG</i>		6	1
<i>JW5115</i>		7	1
<i>JW5169</i>		7	1
<i>yciM</i>		7	1
<i>yfiH</i>		7	1
<i>recA</i>		1	1.5
<i>ftsP</i>		1A	1.5
<i>acrB</i>		2	1.5
<i>bamB</i>		2	1.5
<i>envC</i>		2	1.5
<i>nlpC</i>		2	1.5
<i>qmcA</i>		2	1.5
<i>tatB</i>		2	1.5
<i>tatC</i>		2	1.5
<i>tolR</i>		2	1.5
<i>ydcS</i>		2	1.5
<i>fkpB</i>		2A	1.5
<i>hlpA</i>		2A	1.5
<i>hscA</i>		2A	1.5
<i>hscB</i>		2A	1.5
<i>rsgA</i>		3	1.5
<i>ydgD</i>		3	1.5
<i>atpG</i>		4	1.5
<i>gpmM</i>		4	1.5
<i>pgaC</i>		4	1.5
<i>ubiG</i>		4	1.5
<i>dksA</i>		5	1.5
<i>hfq</i>		5	1.5
<i>mfd</i>		5	1.5
<i>nusB</i>		5	1.5
<i>phoP</i>		5	1.5
<i>rlmH</i>		5	1.5
<i>rsmF</i>		5	1.5
<i>xapR</i>		5	1.5
<i>ydhB</i>		5	1.5
<i>zapB</i>		5	1.5
<i>ybcW</i>		6	1.5
<i>rssA</i>		7	1.5
<i>ybaB</i>		7	1.5
<i>ybeD</i>		7	1.5

Gene	AMP	Categ	MIC µg/ml
<i>ybeY</i>		7	1.5
<i>ybhT</i>		7	1.5
<i>ycbK</i>		7	1.5
<i>yceD</i>		7	1.5
<i>yddK</i>		7	1.5
<i>yebV</i>		7	1.5
<i>yjjY</i>		7	1.5
<i>dam</i>		1	>1.5
<i>xerC</i>		1	>1.5
<i>yfgD</i>		1A	>1.5
<i>gltI</i>		2	>1.5
<i>pal</i>		2	>1.5
<i>tolQ</i>		2	>1.5
<i>tonB</i>		2	>1.5
<i>wbbL</i>		2	>1.5
<i>ybfB</i>		2	>1.5
<i>ybjJ</i>		2	>1.5
<i>ycjG</i>		2	>1.5
<i>rpmJ</i>		3	>1.5
<i>atpG</i>		4	>1.5
<i>cof</i>		4	>1.5
<i>dcd</i>		4	>1.5
<i>iscS</i>		4	>1.5
<i>iscU</i>		4	>1.5
<i>lpdA</i>		4	>1.5
<i>rpiA</i>		4	>1.5
<i>rutA</i>		4	>1.5
<i>sucD</i>		4	>1.5
<i>ycgF</i>		4	>1.5
<i>ygfZ</i>		4	>1.5
<i>ybjQ</i>		7	>1.5
<i>ycbW</i>		7	>1.5
<i>yehJ</i>		7	>1.5
<i>ydhT</i>		7	>1.5
<i>yjgA</i>		7	>1.5

SUPPLEMENTARY TABLE 15. Cephadrine sensitive strains

Gene	RAD	Categ	MIC µg/ml	Gene	RAD	Categ	MIC µg/ml
BW25113			15	<i>gpmM</i>		4	9.5
<i>recA</i>		1	8	<i>iscU</i>		4	9..5
<i>xerC</i>		1	8	<i>rutA</i>		4	9.5
<i>acrA</i>		2	8	<i>sucD</i>		4	9.5
<i>dacA</i>		2	8	<i>dksA</i>		5	9.5
<i>mrcB</i>		2	8	<i>flhD</i>		5	9.5
<i>ddlB</i>		2	8	<i>ihfA</i>		5	9.5
<i>emtA</i>		2	8	<i>mfd</i>		5	9.5
<i>nlpC</i>		2	8	<i>rsmF</i>		5	9.5
<i>plsX</i>		2	8	<i>JW5169</i>		7	9.5
<i>hscA</i>		2A	8	<i>ybaB</i>		7	9.5
<i>rimK</i>		3	8	<i>ybgT</i>		7	9.5
<i>rplA</i>		3	8	<i>ybhT</i>		7	9.5
<i>rpmF</i>		3	8	<i>yceD</i>		7	9.5
<i>rrmJ</i>		3	8	<i>ycdZ</i>		2	10
<i>dapF</i>		4	8				
<i>fabF</i>		4	8				
<i>lpdA</i>		4	8				
<i>ygcO</i>		4	8				
<i>zwf</i>		4	8				
<i>nusB</i>		5	8				
<i>rpoN</i>		5	8				
<i>ycbK</i>		7	8				
<i>yciM</i>		7	8				
<i>yfiH</i>		7	8				
<i>ybjJ</i>		2	8.5				
<i>rsgA</i>		3	8.5				
<i>ycjU</i>		4	8.5				
<i>yciT</i>		5	8.5				
<i>tolC</i>		2	9				
<i>surA</i>		2A	9				
<i>rpsO</i>		3	9				
<i>cydB</i>		4	9				
<i>iscS</i>		4	9				
<i>pgaC</i>		4	9				
<i>ubiG</i>		4	9				
<i>ygfZ</i>		4	9				
<i>hfq</i>		5	9				
<i>phoP</i>		5	9				
<i>rlmH</i>		5	9				
<i>zapB</i>		5	9				
<i>ybeD</i>		7	9				
<i>ybeY</i>		7	9				
<i>JW5474</i>		7	9				
<i>dam</i>		1	9.5				
<i>recB</i>		1	9.5				
<i>gor</i>		1A	9.5				
<i>yfgD</i>		1A	9.5				
<i>acrB</i>		2	9.5				
<i>flgF</i>		2	9.5				
<i>lpxL</i>		2	9.5				
<i>qmcA</i>		2	9.5				
<i>ycjG</i>		2	9.5				
<i>yheL</i>		2	9.5				
<i>sirA</i>		3	9.5				
<i>ydgD</i>		3	9.5				
<i>yfgC</i>		3	9.5				
<i>yheM</i>		3	9.5				
<i>yheN</i>		3	9.5				
<i>glnD</i>		4	9.5				

SUPPLEMENTARY TABLE 16. Cefoxitin sensitive strains

Gene	FOX	Categ	MIC $\mu\text{g/ml}$
BW25113			8
<i>acrA</i>		2	2
<i>acrB</i>		2	2
<i>tolC</i>		2	2
<i>dacA</i>		2	2
<i>mrcB</i>		2	2
<i>qmcA</i>		2	2
<i>ybgF</i>		2	2
<i>ydcS</i>		2	2
<i>rimK</i>		3	2
<i>rplA</i>		3	2
<i>rsgA</i>		3	2
<i>dapF</i>		4	2
<i>ycjU</i>		4	2
<i>ygcO</i>		4	2
<i>dksA</i>		5	2
<i>yciT</i>		5	2
<i>yceK</i>		2	≥ 2
<i>ydcX</i>		2	≥ 2
<i>rpmF</i>		3	≥ 2
<i>dcd</i>		4	≥ 2
<i>hyfJ</i>		4	≥ 2
<i>iscS</i>		4	≥ 2
<i>rssA</i>		7	≥ 2
<i>ybhT</i>		7	≥ 2
<i>ychJ</i>		7	≥ 2
<i>yciM</i>		7	≥ 2
<i>yfiH</i>		7	≥ 2
<i>yjjY</i>		7	≥ 2
<i>flgF</i>		2	> 2
<i>hscA</i>		2A	> 2
<i>rrmJ</i>		3	> 2
<i>sirA</i>		3	> 2
<i>yheM</i>		3	> 2
<i>yheN</i>		3	> 2
<i>aceE</i>		4	> 2
<i>aceF</i>		4	> 2
<i>cydB</i>		4	> 2
<i>lpdA</i>		4	> 2
<i>pgaC</i>		4	> 2
<i>ptA</i>		4	> 2
<i>rplA</i>		4	> 2
<i>yglZ</i>		4	> 2
<i>nusB</i>		5	> 2
<i>phoP</i>		5	> 2
<i>rpoN</i>		5	> 2
<i>rsmF</i>		5	> 2
<i>ybaB</i>		7	> 2
<i>ybgT</i>		7	> 2
<i>ycbK</i>		7	> 2
<i>yebV</i>		7	> 2
<i>recA</i>		1	3
<i>recB</i>		1	3
<i>ddlB</i>		2	3
<i>emtA</i>		2	3
<i>plsX</i>		2	3
<i>proW</i>		2	3
<i>tatC</i>		2	3
<i>cof</i>		4	3
<i>gpmM</i>		4	3

SUPPLEMENTARY TABLE 17. Aztreonam sensitive strains

Gene	ATM	Categ	MIC ng/ml
BW25113			100
<i>rimK</i>		3	10
<i>rplA</i>		3	10
<i>ygcO</i>		4	10
<i>dedD</i>		2	15
<i>nlpC</i>		2	15
<i>tatC</i>		2	15
<i>ybgF</i>		2	15
<i>surA</i>		2A	15
<i>alaS</i>		3	15
<i>aceF</i>		4	15
<i>dapF</i>		4	15
<i>pgaC</i>		4	15
<i>ycjU</i>		4	15
<i>nusB</i>		5	15
<i>yciT</i>		5	15
<i>yciM</i>		7	15
<i>dam</i>		1	≤15
<i>plsX</i>		2	≤15
<i>proW</i>		2	≤15
<i>qmcA</i>		2	≤15
<i>ybjJ</i>		2	≤15
<i>ydcS</i>		2	≤15
<i>hlpA</i>		2A	≤15
<i>hscA</i>		2A	≤15
<i>rsgA</i>		3	≤15
<i>fdx</i>		4	≤15
<i>dksA</i>		5	≤15
<i>rsmF</i>		5	≤15
<i>ybcW</i>		6	≤15
<i>ymfT</i>		6	≤15
JW5169		7	≤15
<i>yehJ</i>		7	≤15
<i>yjjY</i>		7	≤15
<i>dacA</i>		2	>15
<i>envC</i>		2	>15
<i>yceK</i>		2	>15
<i>hscB</i>		2A	>15
<i>rrmJ</i>		3	>15
<i>yfgC</i>		3	>15
<i>cof</i>		4	>15
<i>gpmM</i>		4	>15
<i>iscS</i>		4	>15
<i>rpiA</i>		4	>15
<i>ihfA</i>		5	>15
<i>ydhT</i>		7	>15

SUPPLEMENTARY TABLE 18. Colistin sensitive strains

Gene	CST	Categ	MIC ng/ml
BW25113			250
<i>rfaD</i>		2	100
<i>rfaG</i>		2	100
<i>surA</i>		2A	130
<i>rfaC</i>		2	150
<i>atpG</i>		4	150
<i>gmhB</i>		4	150
<i>rfaE</i>		2	160
<i>yheN</i>		3	160
<i>lpxL</i>		2	170
<i>recA</i>		1	175
<i>envC</i>		2	175
<i>rplA</i>		3	175
<i>rfaH</i>		5	175
<i>yciM</i>		7	175
<i>ppiB</i>		2	185
<i>tatC</i>		2	185
<i>tolC</i>		2	185
<i>hlpA</i>		2A	185
<i>rpmE</i>		3	185
<i>cysB</i>		5	185
<i>nusB</i>		5	185
<i>rpoN</i>		5	185
<i>dcuC</i>		2	200
<i>rpmF</i>		3	200
<i>dapF</i>		4	200
<i>ycjU</i>		4	200
<i>rpe</i>		4	200
<i>proW</i>		2	210
<i>pstA</i>		2	210
<i>vacJ</i>		2	210
<i>hscA</i>		2A	210
<i>rimK</i>		3	210
<i>rpmJ</i>		3	210
<i>yheM</i>		3	210
<i>mraW</i>		4	210
<i>pgaC</i>		4	210
<i>ygcO</i>		4	210
<i>cedA</i>		5	210
<i>flhD</i>		5	210
<i>rsmF</i>		5	210
<i>ylcG</i>		6	210
JW5115		7	210
<i>ybeY</i>		7	210
<i>yihL</i>		7	210
<i>ybgF</i>		2	>210
<i>rrmJ</i>		3	>210
<i>fdx</i>		4	>210
<i>fidB</i>		4	>210
<i>ydiI</i>		4	>210
<i>xapR</i>		5	>210
<i>yciT</i>		5	>210
<i>ybgT</i>		7	>210
<i>pstS</i>		2	220
<i>qmcA</i>		2	220
<i>smpA</i>		2	220
<i>yneE</i>		2	220
<i>dnaK</i>		2A	220
<i>ybeD</i>		7	220
<i>ycbK</i>		7	220

SUPPLEMENTARY TABLE 19. Chloramphenicol sensitive strains

Gene	CHL	Categ	MIC $\mu\text{g/ml}$
BW25113			8
<i>acrA</i>		2	1.25
<i>tolC</i>		2	1.25
<i>yciM</i>		7	1.25
<i>recA</i>		1	≤ 2.5
<i>acrB</i>		2	≤ 2.5
<i>argO</i>		2	≤ 2.5
<i>flgF</i>		2	≤ 2.5
<i>rfaE</i>		2	≤ 2.5
<i>ybgF</i>		2	≤ 2.5
<i>rfaG</i>		3	≤ 2.5
<i>rimK</i>		3	≤ 2.5
<i>rpsF</i>		3	≤ 2.5
<i>gmhB</i>		4	≤ 2.5
<i>lpdA</i>		4	≤ 2.5
<i>ycjU</i>		4	≤ 2.5
<i>ygcO</i>		4	≤ 2.5
<i>dksA</i>		5	≤ 2.5
<i>hns</i>		5	≤ 2.5
<i>oxyR</i>		5	≤ 2.5
<i>rfaH</i>		5	≤ 2.5
<i>xapR</i>		5	≤ 2.5
<i>yciT</i>		5	≤ 2.5
<i>dedD</i>		2	2.5
<i>nlpC</i>		2	2.5
<i>ppiD</i>		2	2.5
<i>qmcA</i>		2	2.5
<i>rfaC</i>		2	2.5
<i>rfaD</i>		2	2.5
<i>yceK</i>		2	2.5
<i>ydcS</i>		2	2.5
<i>surA</i>		2A	2.5
<i>rplA</i>		3	2.5
<i>pnp</i>		3A	2.5
<i>cydB</i>		4	2.5
<i>pta</i>		4	2.5
<i>tktA</i>		4	2.5
<i>ubiG</i>		4	2.5
<i>ydjI</i>		4	2.5
<i>ygcO</i>		4	2.5
<i>hfq</i>		5	2.5
JW5115		7	2.5
<i>yjjY</i>		7	2.5
<i>dam</i>		1	> 2.5
<i>alaS</i>		3	> 2.5
<i>elaD</i>		3	> 2.5
<i>phoP</i>		3	> 2.5
<i>dapF</i>		4	> 2.5
<i>iscS</i>		4	> 2.5
<i>nusB</i>		5	> 2.5

SUPPLEMENTARY TABLE 20. Erythromycin sensitive strains

Gene	ERY	Categ	MIC µg/ml
BW25113			150
<i>acrA</i>		2	50
<i>acrB</i>		2	50
<i>tolC</i>		2	50
<i>bamB</i>		2	50
<i>lpxL</i>		2	50
<i>rfaC</i>		2	50
<i>rfaD</i>		2	50
<i>rfaE</i>		2	50
<i>surA</i>		2A	50
<i>yfgC</i>		3	50
<i>ycjU</i>		4	50
<i>pnp</i>		4	50
<i>rpe</i>		4	50
<i>hfq</i>		5	50
<i>hns</i>		5	50
<i>xapR</i>		5	50
<i>ybeY</i>		7	50
<i>yciM</i>		7	50
<i>minC</i>		1A, 2	70
<i>csgG</i>		2	70
<i>lpxM</i>		2	100
<i>gmhB</i>		4	70
<i>pyrF</i>		4	70
<i>fur</i>		5	70
<i>nusB</i>		5	70
<i>zapB</i>		5	>70
<i>envC</i>		2	75
<i>pstA</i>		2	75
<i>tatC</i>		2	75
<i>dnaK</i>		2A	75
<i>gpmM</i>		4	70
<i>ftsP</i>		1A	100
<i>hrpA</i>		1A	100
<i>argO</i>		2	100
<i>dedD</i>		2	100
<i>glcA</i>		2	100
<i>plsX</i>		2	100
<i>pstS</i>		2	100
<i>tolR</i>		2	100
<i>rimK</i>		3	100
<i>rpmJ</i>		3	100
<i>pcnB</i>		3A	100
<i>atpG</i>		4	100
<i>dapF</i>		4	100
<i>nagA</i>		4	100
<i>rpiA</i>		4	100
<i>tktA</i>		4	100
<i>yicP</i>		4	100
<i>rfaH</i>		5	100
<i>yciT</i>		5	100
<i>ymfT</i>		6	100
<i>ycbW</i>		7	100
<i>yhhA</i>		7	100
<i>yjjY</i>		7	100

SUPPLEMENTARY TABLE 21. Fusidic Acid sensitive strains

Gene	FUS	Categ	MIC $\mu\text{g/ml}$
BW25113			300
<i>acrA</i>		2	10
<i>acrB</i>		2	10
<i>toiC</i>		2	10
<i>envC</i>		2	10
<i>rfaC</i>		2	10
<i>rfaD</i>		2	10
<i>rfaE</i>		2	10
<i>yciM</i>		7	10
<i>bamB</i>		2	50
<i>dedD</i>		2	50
<i>pstS</i>		2	50
<i>rplA</i>		3	50
<i>ubiG</i>		4	50
<i>lpxL</i>		2	50-70
<i>fabF</i>		4	70
<i>gmhB</i>		4	70
<i>yfgC</i>		3	80
<i>gpmM</i>		4	80
<i>recA</i>		1	100
<i>tatC</i>		2	100
<i>dnaK</i>		2A	100
<i>alaS</i>		3	100
<i>rimK</i>		3	100
<i>rplI</i>		3	100
<i>rpmE</i>		3	100
<i>rpsF</i>		3	100
<i>rhlB</i>		3A	100
<i>atpG</i>		4	100
<i>mraW</i>		4	100
<i>dksA</i>		5	100
<i>fur</i>		5	100
<i>xapR</i>		5	100
JW5115		7	100
<i>recB</i>		1	>100
<i>recC</i>		1	>100
<i>qmcA</i>		2	>100
<i>tatB</i>		2	>100
<i>toiR</i>		2	>100
<i>fkpB</i>		2A	>100
<i>skp</i>		2A	>100
<i>surA</i>		2A	>100
<i>rpmG</i>		3	>100
<i>rpsO</i>		3	>100
<i>lpdA</i>		4	>100
<i>ybeD</i>		7	>100
<i>ycbW</i>		7	>100

SUPPLEMENTARY TABLE 22. Triclosan sensitive strains

Gene	TRI	Categ	MIC ng/ml
BW25113			60
<i>rfaC</i>		2	10
<i>rfaE</i>		2	10
<i>tolC</i>		2	10
<i>dam</i>		1	20
<i>acrB</i>		2	20
<i>lpxL</i>		2	20
<i>nlpC</i>		2	20
<i>rfaD</i>		2	20
<i>rimK</i>		3	20
<i>glpD</i>		4	20
<i>dksA</i>		5	20
<i>rfaH</i>		5	20
<i>acrA</i>		2	27
<i>envZ</i>		2	27
<i>ybgF</i>		2	27
<i>ybjJ</i>		2	27
<i>dnaJ</i>		2A	27
<i>cydB</i>		4	27
<i>ycjU</i>		4	27
<i>hfq</i>		5	27
<i>rseA</i>		5	27
<i>yciT</i>		5	27
<i>yciM</i>		7	27
<i>recA</i>		1	30
<i>ruvA</i>		1	30
<i>minC</i>		1A, 2	30
<i>dedD</i>		2	30
<i>proW</i>		2	30
<i>qmcA</i>		2	30
<i>rfaG</i>		2	30
<i>rfaY</i>		2	30
<i>yceK</i>		2	30
<i>yhdP</i>		2	30
<i>yneE</i>		2	30
<i>dnaK</i>		2A	30
<i>hlpA</i>		2A	30
<i>dusB</i>		3	30
<i>pstC</i>		3	30
<i>rpmF</i>		3	30
<i>yfgC</i>		3	30
<i>rhlB</i>		3A	30
<i>lpdA</i>		4	30
<i>nagA</i>		4	30
<i>ubiG</i>		4	30
<i>ygcO</i>		4	30
<i>fur</i>		5	30
<i>hdfR</i>		5	30
<i>rsmE</i>		5	30
<i>seqA</i>		5	30
<i>ybeD</i>		7	30
<i>yceD</i>		7	30
<i>recB</i>		1	>30
<i>fisP</i>		1A	>30
<i>ddlB</i>		2	>30
<i>envC</i>		2	>30
<i>fruB</i>		2	>30
<i>glcA</i>		2	>30
<i>lpxM</i>		2	>30

Gene	TRI	Categ	MIC ng/ml
<i>ppiB</i>		2	>30
<i>tatC</i>		2	30
<i>tolR</i>		2	>30
<i>ydcS</i>		2	>30
<i>yraI</i>		2A	>30
<i>pstA</i>		3	>30
<i>pstS</i>		3	>30
<i>rplA</i>		3	>30
<i>rplI</i>		3	>30
<i>rpmE</i>		3	>30
<i>rpmG</i>		3	>30
<i>rrmJ</i>		3	>30
<i>cyaA</i>		4	>30
<i>gpmM</i>		4	>30
<i>rpe</i>		4	>30
<i>cspE</i>		5	>30
<i>hns</i>		5	>30
<i>rsmF</i>		5	>30
<i>ylcG</i>		6	>30
<i>ymfT</i>		6	>30
<i>yaiU</i>		7	>30
<i>yebV</i>		7	>30