

Region-name	Expression-Probeset-ID	Gene	Number-of-CN-probesets	Pearson-correlation	logFC	AveExpr	t	P.Value	adj.P.Val	-logP
8_9	8146618	RLBP1L1	167	0.75	-	6.18	-	-	1.3E-04	12.89
8_8	8146579	CHD7	146	0.68	-	8.12	-	-	6.6E-04	10.57
8_78	8148674	MAPK15	0	#N/A	0.29	7.76	2.69	8.9E-03	1.3E-02	6.28
8_78	8148796	SCXB	0	#N/A	0.46	6.47	3.89	2.3E-04	4.4E-04	11.15
8_78	8148821	ENST00000340210	0	#N/A	0.46	6.47	3.89	2.3E-04	4.4E-04	11.15
8_78	8148772	C8orf30A	0	#N/A	0.24	7.82	4.34	4.5E-05	9.8E-05	13.32
8_78	8148799	C8orf30A	0	#N/A	0.29	7.72	5.04	3.3E-06	1.1E-05	16.45
8_78	8148808	KIAA1833	0	#N/A	0.49	7.45	5.86	1.3E-07	7.9E-07	20.27
8_78	8153664	BOP1	0	#N/A	0.41	7.80	6.41	1.4E-08	1.7E-07	22.51
8_78	8148941	ZNF7	27	0.80	0.39	7.16	6.54	8.0E-09	1.4E-07	22.79
8_78	8148658	ZNF623	18	0.72	0.68	7.40	5.81	1.6E-07	8.3E-07	20.20
8_78	8153411	ZC3H3	34	0.72	0.49	7.15	7.28	3.5E-10	4.2E-08	24.49
8_78	8153175	NIBP	496	0.70	0.41	8.01	4.91	5.5E-06	1.6E-05	15.98
8_78	8148467	CHRAC1	7	0.69	0.46	7.40	6.12	4.6E-08	3.5E-07	21.45
8_78	8153876	KIAA1688	30	0.68	0.43	6.98	5.81	1.6E-07	8.3E-07	20.20
8_78	8153390	TOP1MT	26	0.68	0.43	7.73	4.53	2.3E-05	5.4E-05	14.18
8_78	8153819	CYHR1	18	0.67	0.84	7.15	6.75	3.3E-09	1.1E-07	23.10
8_78	8148694	GRINA	5	0.67	0.63	8.13	6.17	3.7E-08	3.5E-07	21.45
8_78	8153896	ZNF34	17	0.67	0.34	6.30	5.36	9.9E-07	4.1E-06	17.89
8_78	8153652	SHARPIN	10	0.67	0.44	8.39	6.48	1.0E-08	1.5E-07	22.64
8_78	8153449	EEF1D	10	0.67	0.39	9.35	3.47	8.9E-04	1.5E-03	9.35
8_78	8153223	PTK2	207	0.67	0.45	8.87	3.67	4.7E-04	8.5E-04	10.20
8_78	8148783	KIAA1833	44	0.66	0.67	7.91	4.98	4.2E-06	1.2E-05	16.30
8_78	8153609	PARP10	5	0.66	0.43	7.59	6.13	4.4E-08	3.5E-07	21.45
8_78	8153536	PUF60	8	0.66	0.72	8.87	6.93	1.6E-09	9.4E-08	23.34
8_78	8148662	ZNF707	14	0.66	0.47	6.80	6.14	4.2E-08	3.5E-07	21.45
8_78	8153727	CPSF1	7	0.65	0.57	7.93	5.16	2.1E-06	7.8E-06	16.96
8_78	8153920	ZNF250	31	0.65	0.53	7.46	5.32	1.1E-06	4.6E-06	17.73
8_78	8148824	HSF1	14	0.64	0.54	8.38	6.57	7.0E-09	1.4E-07	22.79
8_78	8153678	BOP1	9	0.64	0.39	7.74	4.99	4.1E-06	1.2E-05	16.30
8_78	8148955	C8orf33	11	0.63	0.61	7.92	6.31	2.1E-08	2.3E-07	22.08
8_78	8148597	ZFP41	9	0.62	0.34	6.71	4.92	5.5E-06	1.6E-05	15.98
8_78	8148841	GPR172A	4	0.62	0.53	8.30	6.72	3.7E-09	1.1E-07	23.10
8_78	8153457	AY358690	7	0.61	0.36	7.00	4.88	6.3E-06	1.7E-05	15.81
8_78	8153568	PLEC1	11	0.61	0.56	8.51	4.57	2.0E-05	5.0E-05	14.30
8_78	8153911	COMMD5	26	0.61	0.26	7.42	5.12	2.5E-06	8.6E-06	16.83
8_78	8153497	SCRIB	8	0.61	0.53	7.73	6.62	5.6E-09	1.4E-07	22.81
8_78	8153488	FAM83H	3	0.61	0.57	7.48	5.91	1.1E-07	6.8E-07	20.48
8_78	8148715	GPA1	13	0.61	0.56	8.27	5.50	5.7E-07	2.6E-06	18.55
8_78	8148642	GSDMDC1	8	0.60	0.46	7.18	6.12	4.5E-08	3.5E-07	21.45
8_78	8148476	DENND3	67	0.60	0.35	7.02	4.21	7.4E-05	1.6E-04	12.63
8_78	8148728	CYC1	10	0.60	0.89	8.58	6.03	6.7E-08	4.8E-07	21.00
8_78	8153328	JRK	16	0.60	0.26	7.72	4.17	8.4E-05	1.7E-04	12.49
8_78	8153304	TSNARE1	103	0.59	0.32	7.18	4.67	1.4E-05	3.5E-05	14.81
8_78	8148737	MAF1	5	0.58	0.53	8.11	6.45	1.1E-08	1.5E-07	22.64
8_78	8153201	EIF2C2	60	0.57	0.50	7.89	3.95	1.8E-04	3.7E-04	11.40
8_78	8148710	EXOSC4	11	0.57	0.32	7.36	5.01	3.8E-06	1.2E-05	16.31
8_78	8153709	FBXL6	11	0.56	0.30	6.91	4.45	3.1E-05	6.8E-05	13.85
8_78	8148501	PTP4A3	4	0.56	0.64	8.08	5.14	2.4E-06	8.4E-06	16.87
8_78	8153935	ZNF252	18	0.56	0.65	6.25	3.87	2.4E-04	4.6E-04	11.08
8_78	8153550	NRBP2	12	0.53	0.55	7.76	3.84	2.6E-04	5.0E-04	10.98
8_78	8148515	---	17	0.53	0.23	5.02	2.38	2.0E-02	2.8E-02	5.18
8_78	8153474	TSTA3	17	0.53	0.73	8.36	4.83	7.6E-06	2.1E-05	15.57
8_78	8153903	RPL8	13	0.53	0.48	10.49	3.25	1.8E-03	2.9E-03	8.44
8_78	8148559	C8orf55	9	0.53	0.41	6.86	5.21	1.8E-06	6.9E-06	17.15
8_78	8148572	LY8E	9	0.53	1.09	9.38	4.99	4.2E-06	1.2E-05	16.30
8_78	8153823	CYHR1	11	0.52	0.36	7.43	5.18	2.0E-06	7.4E-06	17.04
8_78	8153459	PYCR1	10	0.51	0.29	7.16	4.79	8.9E-06	2.4E-05	15.38
8_78	8153790	NFKBIL2	13	0.51	0.29	7.18	4.59	1.9E-05	4.8E-05	14.36
8_78	8153625	OPLAH	4	0.51	0.44	6.99	5.56	4.4E-07	2.1E-06	18.83
8_78	8148888	PPP1R16A	2	0.50	0.37	7.66	5.00	4.0E-06	1.2E-05	16.30
8_78	8153776	VPS28	3	0.50	0.61	8.00	5.93	9.9E-08	6.7E-07	20.52
8_78	8148867	KIFC2	16	0.50	0.38	7.25	4.50	2.6E-05	5.8E-05	14.06
8_78	8148621	RHPN1	7	0.49	0.30	7.68	3.81	3.0E-04	5.5E-04	10.83
8_78	8148692	ENST00000355099	8	0.48	0.24	6.68	3.02	3.5E-03	5.3E-03	7.56
8_78	8153684	DGAT1	5	0.48	0.51	7.97	5.36	9.8E-07	4.1E-06	17.89
8_78	8153890	ENST00000292562	13	0.47	0.35	7.49	3.40	1.1E-03	1.9E-03	9.06
8_78	8148615	ZNF696	14	0.47	0.20	7.04	3.19	2.1E-03	3.3E-03	8.24
8_78	8148923	LRRC14	1	0.47	0.42	7.57	5.84	1.4E-07	8.1E-07	20.24
8_78	8153405	C8orf51	7	0.46	0.23	6.76	3.34	1.3E-03	2.2E-03	8.82
8_78	8148917	MFSD3	1	0.46	0.43	7.57	5.57	4.2E-07	2.1E-06	18.85
8_78	8148850	ADCK5	13	0.45	0.25	7.07	4.48	2.8E-05	6.3E-05	13.95
8_78	8153868	ENST00000313465	2	0.43	0.26	7.23	4.10	1.1E-04	2.2E-04	12.13
8_78	8148671	BREA2	10	0.42	0.23	6.63	2.87	5.4E-03	8.1E-03	6.94
8_78	8153258	ENST0000037746	12	0.41	0.74	6.99	4.56	2.1E-05	5.0E-05	14.30
8_78	8148553	LY6K	10	0.40	0.22	6.54	2.76	7.3E-03	1.1E-02	6.54
8_78	8148580	C8orf31	12	0.40	0.24	6.74	2.86	5.6E-03	8.4E-03	6.90
8_78	8148607	GLI4	8	0.39	0.20	7.08	3.26	1.7E-03	2.8E-03	8.47
8_78	8153262	SLC45A4	25	0.38	0.62	7.49	4.54	2.2E-05	5.3E-05	14.21
8_78	8148748	KIAA1875	12	0.37	0.20	6.62	2.70	8.6E-03	1.3E-02	6.31
8_78	8153346	LYNX1	9	0.37	0.24	7.58	2.59	1.1E-02	1.6E-02	5.93
8_78	8153930	ZNF16	32	0.36	0.38	6.90	5.49	5.8E-07	2.6E-06	18.55
8_78	8153835	ENST00000355148	4	0.35	0.28	6.64	3.20	2.0E-03	3.2E-03	8.28
8_78	8153838	RECQL4	1	0.35	0.25	7.30	3.63	5.3E-04	9.6E-04	10.02
8_78	8153363	CYP11B1	16	0.35	0.20	6.99	2.31	2.4E-02	3.3E-02	4.92
8_78	8148640	---	6	0.34	0.17	7.33	2.45	1.7E-02	2.4E-02	5.39
8_78	8153430	NAPRT1	8	0.34	0.23	7.64	3.34	1.3E-03	2.2E-03	8.82
8_78	8148951	C8orf77	16	0.33	0.16	6.49	2.27	2.7E-02	3.6E-02	4.79
8_78	8148655	TIGD5	6	0.31	0.21	7.09	3.58	6.1E-04	1.1E-03	9.86
8_78	8153762	SLC39A4	9	0.31	0.23	7.57	3.06	3.2E-03	4.9E-03	7.68
8_78	8153424	C8orf73	4	0.15	0.49	6.57	3.59	6.0E-04	1.1E-03	9.87
8_77	8153101	COL22A1	326	0.36	-	7.22	-	-	6.4E-03	7.28
8_76	8153101	COL22A1	326	0.36	0.23	7.22	3.15	2.1E-03	4.2E-03	7.89
8_76	8153071	FAM135B	355	0.35	0.23	5.84	2.71	7.7E-03	7.7E-03	7.02
8_75	8153069	---	15	0.37	0.16	4.26	2.58	1.2E-02	2.4E-02	5.37
8_72	8153043	ZFAT1	236	0.62	0.39	6.71	5.75	1.8E-07	5.3E-07	20.84
8_72	8153067	hsa-mir-30d	10	0.38	0.16	4.11	2.92	4.6E-03	6.9E-03	7.19
8_7	8146579	CHD7	146	0.68	0.69	8.08	3.78	1.6E-04	1.6E-04	12.62
8_7	8146564	RAB2A	76	0.65	0.85	8.54	4.67	3.0E-06	6.0E-06	17.34
8_69	8148358	PHF20L1	52	0.57	0.37	6.80	2.92	4.8E-03	1.6E-02	5.94
8_69	8148385	TG	298	0.48	0.26	6.38	3.26	1.7E-03	1.5E-02	6.09
8_69	8148435	WISP1	69	0.45	0.27	7.07	2.86	5.7E-03	1.6E-02	5.94
8_69	8148333	KIAA0143	65	0.42	0.51	8.42	2.87	5.5E-03	1.6E-02	5.94
8_69	8152924	OC90	46	0.39	0.26	6.41	3.09	2.9E-03	1.5E-02	6.09
8_69	8152946	KCNQ3	326	0.39	0.22	6.94	3.11	2.7E-03	1.5E-02	6.09

8_69	8153002	NDRG1	73	0.39	0.72	9.22	3.33	1.4E-03	1.5E-02	6.09
8_69	8152988	SLA	107	0.33	0.34	6.19	2.62	1.1E-02	2.7E-02	5.19
8_69	8152938	ENST00000262283	29	0.27	0.20	5.72	2.51	1.4E-02	3.2E-02	4.96
8_66	8152900	ENST00000363434	11	0.55	0.25	5.09	2.56	1.3E-02	3.3E-02	4.91
8_66	8152845	FAM49B	83	0.48	0.60	7.30	3.72	4.1E-04	3.2E-03	8.27
8_66	8152867	DDEF1	236	0.46	0.36	7.86	2.40	1.9E-02	3.8E-02	4.71
8_66	8152828	MLZE	65	0.43	0.54	5.48	2.80	6.6E-03	2.6E-02	5.24
8_63	8152812	FAM84B	12	0.64	0.61	6.96	3.54	6.9E-04	5.5E-03	7.51
8_63	8152819	---	21	0.34	0.29	6.49	2.66	9.4E-03	3.8E-02	4.73
8_60	8152648	C8orf76	14	0.79	0.56	6.37	6.01	8.0E-08	3.2E-06	18.26
8_60	8152628	DERL1	31	0.70	0.90	8.12	5.63	3.6E-07	4.8E-06	17.67
8_60	8148198	C8orf32	34	0.68	0.53	6.41	4.69	1.3E-05	5.9E-05	14.05
8_60	8148263	TRMT12	11	0.68	0.61	6.66	5.31	1.3E-06	1.0E-05	16.57
8_60	8148265	RNF139	19	0.66	0.56	7.21	5.78	2.0E-07	3.9E-06	17.95
8_60	8148158	WDR67	78	0.65	0.51	6.18	4.10	1.1E-04	3.7E-04	11.40
8_60	8152750	TMEM65	34	0.64	0.52	7.05	4.75	1.1E-05	5.3E-05	14.20
8_60	8148280	SQLE	22	0.62	0.85	8.16	4.60	1.9E-05	7.5E-05	13.71
8_60	8152668	ATAD2	33	0.61	1.04	7.53	5.48	6.5E-07	6.5E-06	17.22
8_60	8148270	NDUFB9	23	0.60	0.77	8.08	5.09	3.0E-06	2.0E-05	15.62
8_60	8148293	NSMCE2	165	0.58	0.58	6.84	4.42	3.7E-05	1.3E-04	12.87
8_60	8148276	ZNF572	13	0.57	0.48	6.06	4.77	1.0E-05	5.3E-05	14.20
8_60	8152656	ZHX1	20	0.55	0.42	6.85	3.52	7.8E-04	1.8E-03	9.09
8_60	8152782	KIAA0196	67	0.55	0.55	7.37	3.84	2.7E-04	8.3E-04	10.23
8_60	8148184	FAM83A	23	0.54	0.49	6.78	3.59	6.1E-04	1.7E-03	9.23
8_60	8148208	FAM91A1	25	0.54	0.62	8.01	3.59	6.2E-04	1.7E-03	9.23
8_60	8152664	---	12	0.53	0.39	4.57	3.55	6.9E-04	1.7E-03	9.17
8_60	8152759	TATDN1	31	0.52	0.18	6.77	2.45	1.7E-02	3.0E-02	5.04
8_60	8152703	FBXO32	39	0.50	0.74	7.73	3.31	1.5E-03	3.1E-03	8.33
8_60	8152666	---	8	0.49	0.30	5.48	3.37	1.2E-03	2.7E-03	8.53
8_60	8152642	AY225521	6	0.35	0.22	6.20	3.01	3.7E-03	7.3E-03	7.09
8_60	8152626	---	16	0.34	0.19	5.12	2.31	2.4E-02	4.0E-02	4.64
8_60	8148194	ENST00000390925	10	0.33	0.18	4.38	2.42	1.8E-02	3.2E-02	4.98
8_60	8148261	---	20	0.20	0.17	5.07	2.62	1.1E-02	2.0E-02	5.62
8_6	8146564	RAB2A	76	0.65	0.80	8.55	4.15	8.4E-05	1.7E-04	12.55
8_59	8152617	HAS2	36	0.27	-	6.35	-	-	3.4E-02	4.90
8_56	8152553	TA2F	61	0.62	0.49	7.66	3.50	8.4E-04	4.8E-03	7.71
8_56	8152597	MRPL13	28	0.56	0.31	5.01	3.22	2.0E-03	8.5E-03	6.88
8_56	8148124	MTBP	45	0.54	0.66	5.69	4.04	1.4E-04	1.2E-03	9.73
8_56	8152506	SAMD12	221	0.53	0.56	6.66	3.05	3.3E-03	1.1E-02	6.48
8_56	8152582	DCC1	20	0.52	0.55	5.82	4.24	7.1E-05	1.2E-03	9.73
8_56	8148040	MAL2	43	0.49	0.75	9.97	2.98	4.0E-03	1.1E-02	6.47
8_55	8152491	EXT1	256	0.58	-	7.70	-	-	4.8E-05	14.33
8_54	8147994	C8orf53	29	0.72	0.45	6.85	3.97	1.7E-04	6.3E-04	10.64
8_54	8148022	MED30	37	0.66	0.19	5.21	3.92	2.1E-04	6.3E-04	10.64
8_54	8152477	RAD21	18	0.60	0.71	9.00	4.24	7.0E-05	6.3E-04	10.64
8_54	8152491	EXT1	256	0.58	0.39	7.70	3.22	2.0E-03	4.0E-03	7.96
8_54	8152465	EIF3H	73	0.57	0.38	8.90	2.85	5.7E-03	8.6E-03	6.86
8_54	8148000	ENST00000378279	19	0.47	0.23	6.18	3.18	2.2E-03	4.0E-03	7.96
8_54	8148003	SLC30A8	159	0.29	0.23	5.58	2.55	1.3E-02	1.7E-02	5.89
8_54	8148018	---	13	0.19	0.20	5.79	2.49	1.5E-02	1.7E-02	5.86
8_52	8152453	TRPS1	256	0.51	0.83	7.98	2.87	5.6E-03	2.2E-02	5.49
8_5	8146482	TGS1	31	0.80	0.49	6.96	3.70	4.4E-04	3.3E-03	8.25
8_5	8150846	TMEM68	26	0.78	0.51	6.28	3.47	9.0E-04	3.3E-03	8.25
8_5	8150866	---	10	0.73	0.22	5.40	2.42	1.8E-02	3.0E-02	5.06
8_5	8146475	XKR4	380	0.63	0.30	6.87	3.44	9.8E-04	3.3E-03	8.25
8_5	8146468	RP1	25	0.45	0.33	5.02	2.43	1.8E-02	3.0E-02	5.06
8_5	8150860	---	9	0.38	0.21	7.81	2.83	6.1E-03	1.5E-02	6.04
8_47	8152355	GOLSYN	77	0.35	-	6.83	-	-	9.5E-03	6.72
8_45	8147970	EBAG9	25	0.73	0.68	6.83	6.42	1.8E-08	5.3E-08	24.17
8_45	8152355	GOLSYN	77	0.35	0.32	6.83	2.67	9.5E-03	1.4E-02	6.13
8_43	8147864	TTC35	46	0.62	0.61	7.61	3.81	3.1E-04	1.3E-03	9.54
8_43	8152340	NUDCD1	55	0.62	0.58	6.94	3.90	2.3E-04	1.3E-03	9.54
8_43	8147883	ENY2	16	0.62	0.62	7.76	4.30	5.7E-05	7.4E-04	10.39
8_43	8147848	OXR1	157	0.58	0.61	7.01	3.48	8.8E-04	2.9E-03	8.45
8_42	8147848	OXR1	157	0.58	0.51	7.01	2.84	6.0E-03	1.8E-02	5.80
8_39	8152096	YWHAZ	23	0.70	0.60	9.86	4.91	6.2E-06	3.1E-04	11.67
8_39	8147697	GRHL2	193	0.70	0.64	7.68	3.24	1.9E-03	5.8E-03	7.42
8_39	8152117	---	20	0.67	0.21	5.87	2.64	1.0E-02	2.5E-02	5.32
8_39	8152111	ZNF706	21	0.65	0.35	7.51	4.22	7.6E-05	1.0E-03	9.94
8_39	8152148	UBR5	64	0.64	0.58	8.60	4.19	8.4E-05	1.0E-03	9.94
8_39	8147724	ATP6V1C1	50	0.62	0.71	7.71	4.11	1.1E-04	1.0E-03	9.94
8_39	8152222	AZIN1	30	0.61	0.62	8.41	3.68	4.7E-04	2.6E-03	8.58
8_39	8147766	FZD6	25	0.60	0.70	7.71	3.85	2.7E-04	1.7E-03	9.23
8_39	8152079	PABPC1	17	0.58	0.59	11.30	3.86	2.6E-04	1.7E-03	9.23
8_39	8147785	WDSOF1	31	0.57	0.40	7.69	4.52	2.6E-05	6.5E-04	10.59
8_39	8152255	SLC25A32	19	0.57	0.42	7.69	3.38	1.2E-03	4.4E-03	7.84
8_39	8152280	LRP12	50	0.54	0.39	6.21	2.61	1.1E-02	2.5E-02	5.32
8_39	8152090	ENST00000386147	8	0.52	0.23	4.37	3.47	9.3E-04	3.9E-03	8.01
8_39	8147691	ENST00000365490	14	0.51	0.23	5.74	3.24	1.9E-03	5.8E-03	7.42
8_39	8152119	NCALD	332	0.46	0.53	7.39	2.72	8.4E-03	2.2E-02	5.50
8_39	8147721	FLJ45248	16	0.45	0.26	6.12	4.08	1.2E-04	1.0E-03	9.94
8_39	8152133	RRM2B	28	0.45	0.44	7.26	3.53	7.6E-04	3.5E-03	8.18
8_39	8147777	CTHRC1	17	0.44	0.30	7.13	2.63	1.0E-02	2.5E-02	5.32
8_39	8147828	---	11	0.41	0.20	4.10	3.38	1.2E-03	4.4E-03	7.84
8_39	8152248	ENST00000386036	14	0.40	0.25	4.48	3.10	2.8E-03	8.3E-03	6.92
8_39	8152211	---	14	0.40	0.48	4.91	2.80	6.6E-03	1.8E-02	5.77
8_39	8152062	MGC39715	80	0.39	0.45	5.76	3.55	7.1E-04	3.5E-03	8.18
8_39	8147830	TM7SF4	28	0.33	0.25	5.48	2.43	1.8E-02	3.9E-02	4.70
8_39	8152213	---	17	0.32	0.26	5.78	2.31	2.4E-02	4.7E-02	4.40
8_39	8147689	---	10	0.29	0.18	6.27	2.40	1.9E-02	4.0E-02	4.64
8_38	8152053	ANKRD46	41	0.69	0.42	6.74	4.13	8.1E-05	1.6E-04	12.60
8_38	8152062	MGC39715	80	0.39	0.47	5.76	3.83	2.4E-04	2.4E-04	12.03
8_37	8151993	COX6C	15	0.64	0.72	8.87	4.95	5.3E-06	4.9E-05	14.32
8_37	8152041	RNF19A	35	0.63	0.75	8.26	4.81	8.9E-06	4.9E-05	14.32
8_37	8147654	POLR2K	8	0.53	0.63	7.78	4.38	4.2E-05	1.5E-04	12.67
8_37	8147580	VPS13B	413	0.43	0.40	7.72	3.15	2.4E-03	5.4E-03	7.54
8_37	8152031	FBXO43	13	0.35	0.23	5.22	3.16	2.3E-03	5.4E-03	7.54
8_37	8147650	---	11	0.24	0.18	4.45	2.50	1.5E-02	2.7E-02	5.21
8_36	8147548	POP1	41	0.70	0.35	6.06	4.29	5.5E-05	3.0E-04	11.68
8_36	8151952	NPAL2	80	0.57	0.66	6.68	4.30	5.5E-05	3.0E-04	11.68
8_36	8151967	STK3	148	0.56	0.48	6.91	4.02	1.4E-04	5.3E-04	10.89
8_36	8151942	HRSP12	22	0.50	0.47	6.88	3.10	2.8E-03	6.2E-03	7.34
8_36	8147580	VPS13B	413	0.43	0.40	7.72	3.18	2.2E-03	6.0E-03	7.38
8_36	8151989	---	7	0.38	0.21	5.17	2.86	5.5E-03	8.7E-03	6.84
8_36	8147543	ENST00000318528	39	0.27	0.22	6.20	2.74	7.8E-03	1.1E-02	6.54
8_36	8147566	KCNS2	19	0.25	0.15	7.04	2.28	2.6E-02	3.1E-02	4.99

8_36	8147573	OSR2	8	0.23	0.26	6.41	2.89	5.2E-03	8.7E-03	6.84
8_34	8147483	MTDH	46	0.72	0.66	8.64	5.49	6.9E-07	5.5E-06	17.47
8_34	8147503	LAPTM4B	87	0.57	0.74	9.10	3.22	2.0E-03	3.3E-03	8.24
8_34	8151935	RPL30	10	0.42	0.48	10.92	3.30	1.6E-03	3.3E-03	8.24
8_34	8147516	MATN2	117	0.39	0.59	7.20	3.17	2.3E-03	3.3E-03	8.24
8_34	8147541	---	7	0.30	0.17	4.56	3.25	1.8E-03	3.3E-03	8.24
8_34	8147543	ENST00000318528	39	0.27	0.22	6.20	2.78	7.1E-03	8.1E-03	6.95
8_34	8147501	---	7	0.24	0.26	4.64	3.15	2.5E-03	3.3E-03	8.24
8_33	8151842	KIAA1429	72	0.70	0.43	7.33	3.16	2.3E-03	8.3E-03	6.92
8_33	8151909	UQCRB	15	0.69	0.41	5.53	4.45	3.3E-05	1.1E-03	9.89
8_33	8151917	MTERFD1	21	0.68	0.46	6.31	3.83	2.8E-04	2.2E-03	8.80
8_33	8147424	C8orf38	67	0.65	0.36	6.27	3.84	2.8E-04	2.2E-03	8.80
8_33	8147447	PTDSS1	64	0.62	0.57	8.03	3.47	9.0E-04	3.6E-03	8.12
8_33	8147351	RBM35A	57	0.62	0.65	8.99	2.99	3.9E-03	1.1E-02	6.48
8_33	8147439	PLEKHF2	24	0.57	0.62	6.71	3.62	5.6E-04	2.8E-03	8.46
8_33	8151788	RBM12B	13	0.56	0.29	7.48	2.46	1.6E-02	3.3E-02	4.93
8_33	8147373	BC071775	20	0.54	0.49	6.06	3.59	6.2E-04	2.8E-03	8.46
8_33	8147396	INTS8	35	0.54	0.41	6.92	3.00	3.8E-03	1.1E-02	6.48
8_33	8151890	TP53INP1	33	0.52	0.62	8.07	4.06	1.3E-04	2.0E-03	8.93
8_33	8147344	PPM2C	18	0.52	0.29	8.22	2.29	2.5E-02	4.7E-02	4.41
8_33	8147371	---	8	0.48	0.27	6.51	3.71	4.3E-04	2.7E-03	8.52
8_33	8151931	TSPYL5	21	0.42	0.57	7.03	2.91	4.9E-03	1.3E-02	6.27
8_33	8151888	---	14	0.36	0.33	4.99	2.59	1.2E-02	2.7E-02	5.20
8_33	8151927	---	16	0.35	0.33	6.14	2.68	9.3E-03	2.3E-02	5.44
8_33	8151816	GEM	34	0.22	0.25	6.45	2.50	1.5E-02	3.2E-02	4.98
8_31	8147262	OTUD6B	18	0.60	0.43	7.17	4.12	1.1E-04	1.2E-03	9.74
8_31	8151711	NBN	52	0.57	0.51	7.40	3.29	1.6E-03	8.0E-03	6.97
8_31	8151756	TMEM55A	29	0.46	0.34	6.17	3.34	1.4E-03	8.0E-03	6.97
8_31	8151747	TMEM64	119	0.41	0.23	7.05	2.63	1.1E-02	3.0E-02	5.06
8_31	8147273	SLC26A7	185	0.40	0.57	5.32	3.11	2.7E-03	1.1E-02	6.52
8_31	8147242	---	6	0.35	0.40	4.87	4.09	1.2E-04	1.2E-03	9.74
8_31	8151768	RUNX1T1	172	0.27	0.28	5.38	2.78	7.0E-03	2.3E-02	5.42
8_30	8147172	CPNE3	51	0.66	0.69	7.97	4.18	8.3E-05	2.8E-04	11.82
8_30	8151644	FAM82B	21	0.62	0.48	6.49	4.34	4.7E-05	2.3E-04	12.06
8_30	8147156	WWP1	43	0.61	0.47	8.15	4.57	2.0E-05	2.0E-04	12.28
8_30	8151659	CNGB3	131	0.38	0.17	4.97	2.58	1.2E-02	2.4E-02	5.37
8_30	8151679	WDR21C	10	0.37	0.30	6.03	3.74	3.8E-04	9.4E-04	10.05
8_27	8151613	ENST00000379003	0	#N/A	0.54	10.70	2.71	8.5E-03	1.4E-02	6.21
8_27	8151621	ENST00000379010	0	#N/A	0.54	10.70	2.71	8.5E-03	1.4E-02	6.21
8_27	8151609	REXO1L1	0	#N/A	0.55	9.75	3.15	2.4E-03	6.4E-03	7.28
8_27	8151623	REXO1L2P	0	#N/A	0.54	9.87	3.30	1.6E-03	4.8E-03	7.71
8_27	8151587	C8orf59	9	0.48	0.57	6.50	4.76	1.1E-05	2.6E-04	11.92
8_27	8147101	E2F5	25	0.45	0.40	6.94	2.42	1.8E-02	2.7E-02	5.21
8_27	8151631	ENST00000378995	20	0.38	0.56	9.81	3.34	1.4E-03	4.8E-03	7.71
8_27	8151603	REXO1L2P	7	0.36	0.54	9.87	3.30	1.6E-03	4.8E-03	7.71
8_27	8151629	ENST00000379010	18	0.27	0.59	10.57	2.76	7.5E-03	1.4E-02	6.21
8_27	8151617	ENST00000379003	1	0.04	0.54	10.70	2.71	8.5E-03	1.4E-02	6.21
8_27	8151619	REXO1L2P	1	0.01	0.55	9.91	3.29	1.6E-03	4.8E-03	7.71
8_27	8151615	REXO1L2P	1	0.00	0.55	9.80	3.31	1.5E-03	4.8E-03	7.71
8_27	8151605	ENST00000379006	1	-0.01	0.54	10.70	2.71	8.5E-03	1.4E-02	6.21
8_27	8151607	REXO1L2P	1	-0.06	0.54	9.87	3.30	1.6E-03	4.8E-03	7.71
8_27	8151627	REXO1L2P	3	-0.14	0.57	9.87	3.32	1.5E-03	4.8E-03	7.71
8_27	8151625	ENST00000379006	3	-0.19	0.54	10.70	2.71	8.5E-03	1.4E-02	6.21
8_25	8147057	CHMP4C	25	0.58	0.31	7.11	3.73	4.0E-04	9.9E-03	6.65
8_25	8151561	ZFAND1	15	0.54	0.36	7.97	2.53	1.4E-02	4.3E-02	4.55
8_25	8151496	ZNF704	119	0.54	0.55	7.67	3.36	1.3E-03	1.6E-02	5.95
8_25	8151542	ENST00000360464	16	0.44	0.15	4.19	2.41	1.9E-02	5.0E-02	4.33
8_25	8151508	ENST00000391127	7	0.43	0.19	5.18	2.55	1.3E-02	4.3E-02	4.55
8_25	8147040	ZBTB10	23	0.42	0.40	7.76	3.11	2.7E-03	2.2E-02	5.48
8_25	8151490	ENST00000383922	12	0.42	0.13	3.17	2.67	9.5E-03	4.3E-02	4.55
8_25	8151572	SNX16	25	0.42	0.45	5.46	3.01	3.6E-03	2.3E-02	5.47
8_25	8147038	---	12	0.38	0.21	4.81	2.39	2.0E-02	5.0E-02	4.33
8_25	8151492	---	15	0.33	0.15	4.86	2.63	1.0E-02	4.3E-02	4.55
8_21	8146930	TMEM70	20	0.64	0.26	6.61	3.91	2.2E-04	2.7E-03	8.53
8_21	8151384	STAU2	212	0.64	0.39	6.88	3.79	3.2E-04	2.7E-03	8.53
8_21	8151401	UBE2W	56	0.50	0.35	7.16	2.73	8.0E-03	3.2E-02	4.98
8_21	8151436	PXMP3	18	0.47	0.43	6.32	3.80	3.1E-04	2.7E-03	8.53
8_21	8151413	TCEB1	28	0.47	0.17	7.00	2.64	1.0E-02	3.2E-02	4.96
8_21	8146914	TERF1	38	0.45	0.38	8.07	2.89	5.2E-03	3.2E-02	4.98
8_21	8146943	---	11	0.40	0.32	5.21	2.71	8.6E-03	3.2E-02	4.98
8_21	8151432	ENST00000388687	15	0.25	0.34	6.08	2.69	8.9E-03	3.2E-02	4.98
8_20	8146908	KCNB2	357	0.57	-	6.14	-	-	7.0E-03	7.16
8_2	8150844	ENST00000297317	16	0.68	-	6.90	-	-	1.6E-03	9.26
8_19	8151254	NCOA2	144	0.63	0.52	8.04	4.14	9.6E-05	1.1E-03	9.89
8_19	8146908	KCNB2	357	0.57	0.42	6.14	4.89	6.2E-06	1.4E-04	12.83
8_19	8151252	ENST00000334932	14	0.48	0.26	6.33	3.72	4.1E-04	3.0E-03	8.39
8_19	8151334	MSC	25	0.47	0.19	6.48	2.82	6.2E-03	1.9E-02	5.69
8_19	8151308	---	8	0.45	0.13	4.14	2.39	2.0E-02	4.8E-02	4.37
8_19	8151341	TRPA1	69	0.43	0.25	4.80	3.28	1.6E-03	7.1E-03	7.14
8_19	8151281	TRAM1	28	0.43	0.39	9.45	3.02	3.5E-03	1.3E-02	6.28
8_19	8151238	---	11	0.41	0.35	5.94	3.54	7.3E-04	4.0E-03	7.97
8_19	8151236	---	16	0.32	0.23	5.65	2.62	1.1E-02	3.0E-02	5.08
8_17	8151149	ARFGEF1	54	0.63	0.53	8.04	3.81	3.1E-04	5.2E-03	7.58
8_16	8151149	ARFGEF1	54	0.63	0.52	8.06	3.78	3.3E-04	1.0E-03	9.97
8_16	8151136	COP5	18	0.63	0.53	6.90	4.73	1.2E-05	7.0E-05	13.80
8_16	8146756	CSPP1	53	0.48	0.54	6.70	3.09	2.9E-03	5.8E-03	7.42
8_16	8146754	---	4	0.48	0.23	4.59	2.89	5.2E-03	6.2E-03	7.34
8_16	8151127	ENST00000324682	30	0.43	0.31	3.86	2.97	4.1E-03	6.1E-03	7.35
8_16	8146788	---	9	0.37	0.42	6.33	2.42	1.8E-02	1.8E-02	5.79
8_15	8151118	VCPIP1	13	0.73	0.39	8.09	4.69	1.4E-05	1.5E-04	12.74
8_15	8151066	ARMC1	20	0.65	0.62	7.12	4.69	1.4E-05	1.5E-04	12.74
8_15	8146711	C8orf44	14	0.63	0.55	6.07	4.29	5.9E-05	4.1E-04	11.25
8_15	8146685	RRS1	12	0.62	0.44	7.25	3.90	2.2E-04	1.2E-03	9.73
8_15	8146649	MTRF1	31	0.54	0.39	7.57	2.78	7.1E-03	1.4E-02	6.21
8_15	8146647	---	13	0.53	0.43	4.31	3.46	9.4E-04	2.2E-03	8.84
8_15	8151090	---	9	0.50	0.33	5.29	3.76	3.5E-04	1.2E-03	9.71
8_15	8146717	SGK3	70	0.50	0.39	6.34	3.70	4.3E-04	1.2E-03	9.71
8_15	8146738	C8orf45	19	0.50	0.35	5.06	3.69	4.5E-04	1.2E-03	9.71
8_15	8146687	ADHFE1	38	0.49	0.39	6.15	3.03	3.5E-03	7.3E-03	7.09
8_15	8151101	MYBL1	25	0.45	0.72	5.43	3.69	4.5E-04	1.2E-03	9.71
8_15	8151127	ENST00000324682	30	0.43	0.25	3.86	2.46	1.6E-02	2.6E-02	5.24
8_15	8146703	C8orf46	23	0.39	0.19	6.14	2.66	9.9E-03	1.7E-02	5.86
8_15	8151092	CRH	22	0.37	0.19	5.09	2.30	2.5E-02	3.7E-02	4.76
8_13	8146618	RLBP1L1	167	0.75	0.52	6.18	4.17	9.0E-05	1.3E-03	9.63
8_13	8146637	YTHDF3	22	0.66	0.60	7.38	3.73	4.0E-04	2.8E-03	8.48
8_13	8146633	AK127279	15	0.46	0.33	6.52	2.79	6.9E-03	3.2E-02	4.95

8_11	8146618	RLBP1L1	167	0.75	-	6.18	-	-	1.3E-03	9.58
8_1	8150797	ATP6V1H	68	0.79	0.72	7.47	5.82	1.3E-07	2.0E-06	18.97
8_1	8150818	TCEA1	39	0.74	0.53	8.60	5.30	1.1E-06	5.4E-06	17.50
8_1	8146448	MRPL15	15	0.70	0.75	7.45	5.37	8.2E-07	5.4E-06	17.50
8_1	8146435	RG20	63	0.68	0.31	5.87	3.49	8.0E-04	2.0E-03	8.97
8_1	8150757	RB1CC1	58	0.66	0.60	7.25	4.40	3.4E-05	1.0E-04	13.24
8_1	8146456	---	9	0.66	0.28	6.41	2.72	8.1E-03	1.5E-02	6.04
8_1	8150830	LYPLA1	26	0.58	0.64	7.62	4.60	1.6E-05	6.1E-05	14.00
8_1	8146458	---	19	0.55	0.28	4.81	2.64	1.0E-02	1.7E-02	5.88
8_1	8150751	UNQ9433	26	0.50	0.19	5.58	2.32	2.3E-02	3.1E-02	5.00
8_1	8146429	NPBWR1	13	0.47	0.26	6.34	3.14	2.4E-03	5.2E-03	7.59
8_1	8146462	SOX17	28	0.17	0.33	8.67	2.58	1.2E-02	1.8E-02	5.81
7_1	8136662	MGAM	168	0.61	-	5.68	-	-	1.4E-02	6.11
3_9	8091941	PDCD10	33	0.64	0.66	6.54	5.49	4.1E-08	8.2E-08	23.55
3_9	8083779	SERPIN1	62	0.27	0.24	5.03	2.02	4.3E-02	4.3E-02	4.54
3_8	8091941	PDCD10	33	0.64	0.72	6.54	6.00	7.2E-08	1.5E-07	22.72
3_7	8083757	NMD3	22	0.62	0.45	8.70	3.62	5.7E-04	4.7E-03	7.73
3_7	8091764	KPNA4	43	0.55	0.62	7.08	4.63	1.7E-05	5.7E-04	10.79
3_7	8083709	SMC4	24	0.53	0.72	7.82	3.93	2.0E-04	3.0E-03	8.37
3_7	8091780	B3GALNT1	20	0.44	0.48	7.03	3.84	2.8E-04	3.0E-03	8.37
3_7	8083707	ENST00000326474	7	0.43	0.15	5.21	3.12	2.7E-03	1.5E-02	6.09
3_7	8091757	TRIM59	13	0.32	0.43	6.09	3.18	2.3E-03	1.5E-02	6.09
3_7	8091737	IFT80	63	0.32	0.38	7.53	2.84	5.9E-03	2.4E-02	5.36
3_7	8091806	hCG_16001	13	-0.22	-0.34	9.74	-2.90	5.0E-03	2.4E-02	5.40
3_5	8083690	IL12A	32	0.39	0.20	5.67	2.16	3.4E-02	4.5E-02	4.47
3_5	8091733	---	13	0.25	0.15	4.29	2.39	1.9E-02	3.8E-02	4.70
3_5	8083677	SCHIP1	381	0.22	0.21	6.50	2.45	1.6E-02	3.8E-02	4.70
3_4	8083656	MFS1	28	0.49	0.84	8.01	4.56	2.2E-05	8.8E-05	13.47
3_4	8083677	SCHIP1	381	0.22	0.20	6.50	2.43	1.8E-02	3.6E-02	4.80
3_3	8083652	AY070437	18	0.43	0.36	6.08	3.64	5.3E-04	1.1E-03	9.88
3_3	8091723	RARRES1	42	0.31	0.53	6.40	2.17	3.3E-02	3.3E-02	4.91
3_28	8084947	FBXO45	23	0.80	0.89	6.58	8.34	4.3E-12	1.7E-10	32.49
3_28	8093230	KIAA0226	37	0.80	0.53	7.75	5.64	3.3E-07	1.7E-06	19.17
3_28	8084971	SEN5	42	0.79	0.80	7.93	6.87	2.1E-09	2.4E-08	25.32
3_28	8093156	NCBP2	24	0.78	0.79	7.82	8.00	1.8E-11	4.6E-10	31.02
3_28	8084982	ENST00000319735	18	0.76	0.47	6.72	6.55	8.1E-09	7.9E-08	23.59
3_28	8093130	RNF168	31	0.76	0.70	7.11	7.25	4.3E-10	5.6E-09	27.42
3_28	8093141	WDR53	18	0.75	0.53	6.61	8.53	1.9E-12	1.5E-10	32.65
3_28	8092905	LSG1	37	0.73	0.77	7.71	7.79	4.3E-11	8.4E-10	30.15
3_28	8084986	FYTTD1	24	0.68	0.83	7.91	6.24	2.9E-08	2.1E-07	22.21
3_28	8093191	DLG1	146	0.65	0.67	8.39	5.36	1.0E-06	4.9E-06	17.64
3_28	8093112	UBXD7	44	0.64	0.70	8.23	5.75	2.2E-07	1.4E-06	19.44
3_28	8093086	PCYT1A	37	0.63	0.57	6.99	5.71	2.5E-07	1.5E-06	19.34
3_28	8084955	PIGX	17	0.63	0.90	6.30	7.34	2.9E-10	4.5E-09	27.72
3_28	8092849	ATP13A3	41	0.61	0.75	8.54	5.65	3.3E-07	1.7E-06	19.17
3_28	8085033	MLLN	49	0.60	0.44	6.60	4.34	4.6E-05	1.6E-04	12.63
3_28	8092922	C3orf21	126	0.57	0.24	7.47	4.01	1.5E-04	4.6E-04	11.07
3_28	8084844	OPA1	81	0.57	0.72	8.11	6.25	2.8E-08	2.1E-07	22.21
3_28	8084895	MUC20	54	0.56	0.65	7.30	4.54	2.3E-05	8.5E-05	13.52
3_28	8093013	TNK2	24	0.55	0.22	7.42	3.03	3.4E-03	8.4E-03	6.90
3_28	8084963	PAK2	49	0.54	0.82	7.62	5.10	2.8E-06	1.3E-05	16.24
3_28	8085026	RPL35A	15	0.53	0.54	10.30	4.90	5.9E-06	2.6E-05	15.24
3_28	8085000	LRCH3	55	0.53	0.32	7.41	3.37	1.2E-03	3.2E-03	8.30
3_28	8093053	TFRC	31	0.51	1.03	8.59	4.83	7.8E-06	3.2E-05	14.93
3_28	8084838	HRASLS	30	0.49	0.33	6.37	3.71	4.1E-04	1.2E-03	9.74
3_28	8093145	ENST00000311566	11	0.48	0.37	5.42	4.76	1.0E-05	4.0E-05	14.61
3_28	8093219	BDH1	44	0.48	0.31	6.66	3.48	8.6E-04	2.3E-03	8.75
3_28	8092888	TMEM44	39	0.46	0.16	6.95	2.99	3.8E-03	8.8E-03	6.83
3_28	8092959	PPP1R2	17	0.46	0.33	7.45	4.14	9.6E-05	3.1E-04	11.64
3_28	8084904	MUC20	4	0.46	0.45	9.80	4.00	1.6E-04	4.7E-04	11.06
3_28	8093039	SDHA	9	0.45	0.34	9.52	3.02	3.6E-03	8.4E-03	6.89
3_28	8092765	ENST00000315470	116	0.44	0.44	7.07	4.36	4.3E-05	1.5E-04	12.68
3_28	8092933	CENTB2	70	0.40	0.74	8.17	6.26	2.6E-08	2.1E-07	22.21
3_28	8084891	FAM43A	18	0.39	0.27	7.14	3.04	3.4E-03	8.4E-03	6.90
3_28	8092957	---	4	0.37	0.25	6.28	2.73	8.1E-03	1.7E-02	5.84
3_28	8084923	FLJ25996	14	0.35	0.22	5.53	2.81	6.5E-03	1.4E-02	6.12
3_28	8084878	---	4	0.30	0.59	5.67	3.64	5.2E-04	1.5E-03	9.42
3_27	8092750	FGF12	143	0.27	0.24	5.81	2.35	2.0E-02	4.1E-02	4.63
3_25	8084742	LPP	506	0.55	0.29	8.45	3.04	3.0E-03	6.0E-03	7.39
3_25	8084739	FLJ42393	21	0.48	0.17	6.70	2.05	4.3E-02	4.3E-02	4.54
3_24	8092640	RFC4	22	0.74	0.77	7.68	6.62	6.8E-09	1.6E-07	22.54
3_24	8092654	RPL39L	26	0.73	0.71	6.64	5.55	5.1E-07	6.2E-06	17.31
3_24	8084634	DNAJB11	23	0.66	0.66	8.26	5.26	1.6E-06	1.3E-05	16.25
3_24	8092691	BCL6	29	0.48	0.37	7.47	2.44	1.7E-02	4.6E-02	4.44
3_24	8092627	TBCCD1	25	0.47	0.29	6.77	3.64	5.3E-04	2.1E-03	8.89
3_24	8084717	ST6GAL1	150	0.42	0.58	8.24	2.50	1.5E-02	4.5E-02	4.48
3_24	8084732	RTP4	18	0.41	0.40	6.55	2.38	2.0E-02	4.8E-02	4.37
3_24	8084694	EIF4A2	20	0.40	0.49	9.76	3.84	2.7E-04	1.6E-03	9.28
3_24	8084704	ENST00000363548	14	0.37	0.56	6.15	3.66	4.9E-04	2.1E-03	8.89
3_24	8084708	SNORA4	15	0.29	0.45	7.02	2.64	1.0E-02	3.5E-02	4.85
3_22	8092534	TMEM41A	14	0.77	0.82	8.05	6.97	1.4E-09	1.1E-08	26.40
3_22	8084607	SEN2	29	0.70	0.82	7.00	7.21	5.4E-10	8.6E-09	26.80
3_22	8092564	SFRS10	22	0.56	0.47	8.87	4.96	4.8E-06	2.6E-05	15.24
3_22	8084541	VPS8	137	0.44	0.47	7.38	3.97	1.7E-04	6.9E-04	10.49
3_22	8092523	EHHADH	50	0.32	0.25	6.46	2.68	9.2E-03	2.9E-02	5.08
3_20	8092409	PARL	37	0.77	0.63	8.58	7.99	1.5E-11	1.3E-10	32.89
3_20	8084439	EIF4G1	13	0.76	0.72	8.89	7.96	1.8E-11	1.3E-10	32.89
3_20	8084360	ABCF3	16	0.75	0.70	7.73	8.64	9.4E-13	2.0E-11	35.57
3_20	8084323	DVL3	12	0.74	0.45	8.19	6.24	2.6E-08	9.4E-08	23.34
3_20	8084232	YEATS2	66	0.73	0.61	7.90	5.99	7.4E-08	2.2E-07	22.10
3_20	8084303	EIF2B5	14	0.72	0.41	7.36	6.24	2.6E-08	9.4E-08	23.34
3_20	8084219	KLHL24	35	0.70	0.84	8.02	7.82	3.2E-11	1.7E-10	32.49
3_20	8084423	PSMD2	10	0.66	0.83	7.55	8.61	1.1E-12	2.0E-11	35.57
3_20	8084488	POLR2H	12	0.65	0.82	8.33	6.97	1.3E-09	5.6E-09	27.41
3_20	8092457	ALG3	8	0.62	0.64	8.37	7.86	2.7E-11	1.6E-10	32.51
3_20	8084345	AP2M1	9	0.54	0.88	9.43	8.36	3.2E-12	3.8E-11	34.62
3_20	8092514	MAGEF1	8	0.50	0.38	8.73	5.99	7.4E-08	2.2E-07	22.10
3_20	8092328	MCCC1	53	0.49	0.61	7.81	5.05	3.2E-06	8.7E-06	16.81
3_20	8092418	ABCC5	57	0.43	0.38	7.22	3.62	5.5E-04	1.3E-03	9.56
3_20	8092348	LAMP3	51	0.43	0.63	6.84	3.93	1.9E-04	4.9E-04	10.98
3_20	8084397	ECE2	26	0.36	0.15	7.04	2.54	1.3E-02	2.6E-02	5.25
3_20	8084299	HSP90AA5P	17	0.33	0.19	4.45	2.92	4.7E-03	9.9E-03	6.66
3_20	8084524	EPHB3	19	0.28	0.38	7.17	3.09	2.9E-03	6.4E-03	7.28
3_2	8083630	GFM1	32	0.62	0.56	7.19	4.64	1.6E-05	1.1E-04	13.20
3_2	8083605	RSRC1	229	0.54	0.72	7.58	4.47	3.1E-05	1.3E-04	12.89
3_2	8091658	CCLN1	15	0.53	0.45	8.65	3.92	2.1E-04	6.7E-04	10.55

3_2	8083616	MLF1	33	0.53	0.81	6.11	5.01	4.1E-06	5.4E-05	14.18
3_2	8091678	VEPH1	195	0.41	0.27	5.11	2.77	7.3E-03	1.6E-02	5.99
3_2	8083584	PTX3	17	0.39	0.37	5.31	3.23	1.9E-03	5.0E-03	7.65
3_2	8091715	LXN	15	0.25	0.41	5.37	2.43	1.8E-02	3.3E-02	4.93
3_2	8091698	SHOX2	10	0.24	0.19	6.29	2.25	2.8E-02	4.5E-02	4.48
3_19	8092321	DCUN1D1	41	0.50	0.65	6.82	4.92	8.5E-07	1.7E-06	19.16
3_19	8092328	MCCC1	53	0.49	0.54	7.81	4.13	3.7E-05	3.7E-05	14.73
3_18	8084146	FXR1	37	0.60	0.69	9.20	6.08	5.4E-08	3.8E-07	21.34
3_18	8092314	DNAJC19	10	0.55	0.41	6.67	4.95	4.9E-06	1.1E-05	16.42
3_18	8092321	DCUN1D1	41	0.50	0.62	6.82	4.95	4.9E-06	1.1E-05	16.42
3_18	8084173	ATP11B	66	0.30	0.46	7.39	3.60	5.8E-04	1.0E-03	9.95
3_17	8092265	MRPL47	19	0.56	0.81	7.44	5.49	6.5E-07	4.6E-06	17.74
3_17	8084067	ACTL6A	40	0.54	0.68	7.48	5.59	4.4E-07	4.6E-06	17.74
3_17	8084092	NDUFB5	14	0.40	0.98	8.14	4.56	2.2E-05	1.0E-04	13.26
3_17	8084128	TTC14	13	0.37	0.47	7.14	2.82	6.2E-03	1.5E-02	6.11
3_17	8092251	GNB4	37	0.30	0.50	6.51	4.07	1.2E-04	4.3E-04	11.19
3_17	8084064	LOC442098	19	0.20	0.54	6.99	3.38	1.2E-03	3.3E-03	8.23
3_15	8084035	ZNF639	12	0.41	0.62	6.16	4.81	3.2E-06	9.6E-06	16.67
3_15	8084045	MFN1	29	0.38	0.59	7.86	4.27	3.2E-05	4.8E-05	14.35
3_15	8092251	GNB4	37	0.30	0.48	6.51	3.69	2.9E-04	2.9E-04	11.74
3_14	8092201	TBL1XR1	110	0.48	0.76	9.32	5.05	3.3E-06	4.9E-05	14.32
3_14	8084016	PIK3CA	217	0.47	0.65	7.66	4.66	1.5E-05	1.1E-04	13.15
3_14	8092220	---	8	0.23	0.17	4.43	2.55	1.3E-02	4.8E-02	4.37
3_14	8084014	---	9	0.19	0.19	4.16	2.67	9.4E-03	4.7E-02	4.41
3_12	8083941	ECT2	39	0.59	0.80	7.35	3.75	3.7E-04	4.4E-03	7.82
3_12	8092177	AADAACL1	82	0.53	0.62	7.32	3.91	2.2E-04	4.4E-03	7.82
3_10	8083794	MYNN	21	0.74	0.58	6.94	5.52	5.6E-07	1.5E-05	16.02
3_10	8092035	PHC3	45	0.73	0.68	8.28	5.38	1.0E-06	1.5E-05	16.02
3_10	8092002	ARPM1	14	0.62	0.28	5.79	4.40	3.9E-05	2.3E-04	12.07
3_10	8091991	MDS1	400	0.60	0.50	7.36	4.42	3.6E-05	2.3E-04	12.07
3_10	8083850	ENST00000359416	17	0.55	0.27	5.07	3.21	2.0E-03	6.7E-03	7.22
3_10	8083854	PRKCI	41	0.54	0.76	8.93	3.55	7.0E-04	2.6E-03	8.58
3_10	8083826	TLOC1	38	0.51	0.47	7.54	3.68	4.7E-04	2.0E-03	8.96
3_10	8083808	ENST00000340806	19	0.46	0.22	5.15	3.83	2.8E-04	1.4E-03	9.46
3_10	8083876	SKIL	25	0.45	0.87	7.49	4.82	8.3E-06	8.3E-05	13.56
3_10	8091972	EV11	63	0.38	0.70	8.60	2.89	5.1E-03	1.5E-02	6.02
3_10	8092055	SLC7A14	107	0.28	0.23	5.98	2.47	1.6E-02	4.0E-02	4.65
3_10	8092073	EIF5A2	15	0.28	0.40	5.92	2.67	9.5E-03	2.6E-02	5.27
3_1	8091648	SSR3	27	0.44	0.73	8.05	5.00	4.1E-06	2.1E-05	15.56
3_1	8083569	TIPARP	22	0.43	0.50	7.28	3.92	2.1E-04	5.1E-04	10.92
3_1	8083546	KCNAB1	312	0.31	0.18	5.50	2.45	1.7E-02	2.8E-02	5.15
20_9	8066347	PTPRT	1076	0.58	0.48	6.23	3.23	1.9E-03	1.9E-03	9.01
20_9	8062685	---	13	0.47	0.26	5.78	3.40	1.1E-03	1.9E-03	9.01
20_8	8066347	PTPRT	1076	0.58	-	6.23	-	-	4.0E-03	7.98
20_7	8066303	CHD6	129	0.70	0.52	8.14	4.41	3.4E-05	2.9E-04	11.77
20_7	8062623	PLCG1	28	0.69	0.68	8.20	5.37	8.6E-07	1.5E-05	16.05
20_7	8062658	LPIN3	14	0.61	0.42	7.01	4.17	8.2E-05	4.6E-04	11.07
20_7	8062601	LOC149692	10	0.59	0.38	5.83	3.44	9.5E-04	2.3E-03	8.76
20_7	8066347	PTPRT	1076	0.58	0.50	6.23	3.55	6.7E-04	2.1E-03	8.93
20_7	8066275	AF090938	13	0.57	0.36	4.89	3.53	7.2E-04	2.1E-03	8.93
20_7	8062603	TOP1	50	0.55	0.42	8.60	3.87	2.3E-04	9.7E-04	10.02
20_7	8066279	ZHX3	72	0.46	0.25	6.50	2.94	4.3E-03	9.2E-03	6.77
20_7	8066273	---	17	0.45	0.26	5.49	2.57	1.2E-02	2.1E-02	5.58
20_7	8066294	EMILIN3	9	0.34	0.20	6.01	2.58	1.2E-02	2.1E-02	5.58
20_7	8066266	MAFB	11	0.24	0.24	7.07	2.23	2.9E-02	4.5E-02	4.48
20_6	8062576	DHX35	59	0.84	0.61	6.78	6.53	9.5E-09	9.3E-08	23.36
20_6	8066200	KIAA0406	33	0.76	0.61	7.45	6.75	3.7E-09	5.5E-08	24.12
20_6	8062213	PHF20	99	0.74	0.36	7.19	3.18	2.2E-03	4.5E-03	7.80
20_6	8062409	CTNBL1	149	0.74	0.45	7.33	7.48	1.8E-10	1.0E-08	26.52
20_6	8062433	C20orf77	38	0.72	0.49	8.32	6.44	1.3E-08	1.1E-07	23.08
20_6	8062286	ENST00000373932	18	0.71	0.43	7.33	6.55	8.4E-09	9.3E-08	23.36
20_6	8062545	ACTR5	35	0.68	0.39	7.33	6.20	3.6E-08	2.6E-07	21.86
20_6	8062319	TGIF2	11	0.67	0.39	7.71	4.13	1.0E-04	3.0E-04	11.72
20_6	8066254	LOC388796	14	0.66	0.53	7.73	7.28	4.0E-10	1.2E-08	26.32
20_6	8066091	C20orf117	44	0.66	0.38	7.06	4.47	3.0E-05	1.1E-04	13.13
20_6	8066074	DSN1	15	0.64	0.60	6.89	4.97	4.7E-06	2.5E-05	15.27
20_6	8062371	MANBAL	27	0.64	0.46	7.25	6.07	6.2E-08	4.1E-07	21.23
20_6	8066247	LOC388796	18	0.62	0.52	7.42	6.86	2.4E-09	4.6E-08	24.37
20_6	8062571	FAM83D	20	0.60	0.48	7.28	5.61	3.8E-07	2.3E-06	18.76
20_6	8066136	RBL1	172	0.59	0.66	6.92	4.84	7.6E-06	3.7E-05	14.71
20_6	8062492	KIAA1219	70	0.58	0.45	8.46	4.06	1.3E-04	3.3E-04	11.54
20_6	8066031	SCAND1	11	0.56	0.27	6.90	4.53	2.4E-05	9.4E-05	13.38
20_6	8062293	DLGAP4	111	0.56	0.24	7.89	3.49	8.5E-04	1.9E-03	9.01
20_6	8066051	NDRG3	42	0.54	0.52	6.74	4.20	7.7E-05	2.4E-04	12.02
20_6	8066195	BLCAP	15	0.54	0.28	8.97	4.05	1.3E-04	3.3E-04	11.54
20_6	8066161	C20orf132	46	0.51	0.29	5.79	4.09	1.1E-04	3.2E-04	11.61
20_6	8062480	C20orf198	12	0.51	0.28	7.23	4.73	1.2E-05	5.2E-05	14.23
20_6	8062349	RPN2	57	0.47	0.68	8.94	4.66	1.5E-05	6.2E-05	13.98
20_6	8062444	BPI	43	0.44	0.33	5.80	4.38	4.2E-05	1.4E-04	12.84
20_6	8066072	---	5	0.44	0.23	4.55	3.25	1.8E-03	3.9E-03	8.02
20_6	8066210	---	15	0.42	0.37	3.74	2.63	1.0E-02	1.9E-02	5.74
20_6	8062326	C20orf24	8	0.40	0.46	7.79	4.41	3.7E-05	1.3E-04	12.93
20_6	8062395	NNAT	11	0.39	0.33	6.46	3.94	1.9E-04	4.7E-04	11.07
20_6	8066038	SLA2	22	0.38	0.24	6.15	3.05	3.3E-03	6.2E-03	7.33
20_6	8062251	EPB41L1	70	0.36	0.32	7.17	2.96	4.2E-03	7.7E-03	7.01
20_6	8062555	ENST00000362821	15	0.35	0.20	5.19	2.55	1.3E-02	2.2E-02	5.52
20_6	8062284	---	13	0.33	0.30	7.87	2.19	3.2E-02	5.0E-02	4.33
20_6	8062237	C20orf152	39	0.29	0.30	5.95	3.69	4.4E-04	1.0E-03	9.90
20_6	8062377	SRC	38	0.29	0.24	7.14	3.07	3.0E-03	6.0E-03	7.39
20_6	8062404	ENST00000373508	43	0.25	0.21	6.14	2.61	1.1E-02	1.9E-02	5.69
20_6	8066212	---	5	0.25	0.30	7.12	2.53	1.4E-02	2.2E-02	5.48
20_6	8062347	RBL1	45	0.23	0.23	6.82	2.35	2.2E-02	3.5E-02	4.85
20_6	8066260	SNORA71C	13	0.18	0.47	8.71	3.19	2.2E-03	4.5E-03	7.80
20_5	8065963	RBM12	23	0.75	0.57	8.58	5.24	1.3E-06	6.4E-06	17.26
20_5	8065992	NFS1	18	0.62	0.31	7.58	3.94	1.8E-04	2.9E-04	11.73
20_5	8066009	RBM39	31	0.62	0.48	9.91	3.98	1.5E-04	2.9E-04	11.73
20_5	8065990	---	13	0.50	0.42	4.62	3.56	6.3E-04	6.3E-04	10.64
20_5	8062206	C20orf52	8	0.50	0.34	7.62	3.58	5.9E-04	6.3E-04	10.64
20_4	8065963	RBM12	23	0.75	0.62	8.58	6.04	5.5E-08	1.0E-06	19.93
20_4	8062137	CEP250	52	0.74	0.45	6.97	5.47	5.6E-07	3.0E-06	18.34
20_4	8065776	NCOA6	62	0.74	0.49	8.03	5.63	3.0E-07	2.3E-06	18.75
20_4	8065889	UQCC	66	0.70	0.51	7.52	5.04	3.2E-06	1.1E-05	16.45
20_4	8062016	DYNLRB1	18	0.70	0.49	7.96	5.93	8.7E-08	1.0E-06	19.93
20_4	8065798	GGTL3	17	0.64	0.51	7.00	5.96	7.4E-08	1.0E-06	19.93
20_4	8061966	RALY	43	0.64	0.48	8.94	5.65	2.7E-07	2.3E-06	18.75
20_4	8065730	EIF2S2	15	0.62	0.47	7.79	4.88	5.7E-06	1.6E-05	15.90

20_4	8065832	TRPC4AP	57	0.62	0.53	8.35	5.48	5.4E-07	3.0E-06	18.34
20_4	8065762	PIGU	48	0.61	0.84	7.40	7.03	7.9E-10	3.6E-08	24.72
20_4	8065693	APBA2BP	10	0.59	0.40	7.41	5.46	5.9E-07	3.0E-06	18.34
20_4	8065719	PXMP4	12	0.58	0.44	6.65	4.97	4.0E-06	1.3E-05	16.21
20_4	8065903	---	11	0.58	0.51	6.21	4.92	4.9E-06	1.5E-05	16.02
20_4	8065868	EIF6	13	0.56	0.49	8.22	5.38	8.2E-07	3.8E-06	18.01
20_4	8061919	CBFA2T2	61	0.55	0.36	6.67	3.75	3.5E-04	7.3E-04	10.41
20_4	8061986	ITCH	63	0.54	0.38	8.41	3.82	2.7E-04	5.9E-04	10.73
20_4	8061958	CHMP4B	28	0.53	0.23	8.74	3.56	6.6E-04	1.3E-03	9.58
20_4	8062041	ACSS2	30	0.53	0.36	7.33	4.47	2.8E-05	7.0E-05	13.80
20_4	8065710	E2F1	6	0.51	0.32	7.25	4.44	3.1E-05	7.5E-05	13.71
20_4	8065855	EDEM2	42	0.49	0.49	6.81	5.21	1.6E-06	6.8E-06	17.17
20_4	8065738	AHCY	15	0.49	0.46	8.81	4.25	6.1E-05	1.4E-04	12.79
20_4	8062174	ERGIC3	9	0.48	0.63	9.70	4.50	2.4E-05	6.5E-05	13.91
20_4	8062123	MMP24	31	0.47	0.24	6.28	3.20	2.0E-03	3.8E-03	8.06
20_4	8065817	GSS	22	0.45	0.43	7.98	5.06	2.9E-06	1.1E-05	16.46
20_4	8065911	C20orf173	13	0.43	0.17	6.07	2.16	3.4E-02	4.7E-02	4.40
20_4	8065758	FLJ38773	7	0.39	0.35	7.28	3.37	1.2E-03	2.3E-03	8.79
20_4	8061982	ASIP	13	0.35	0.17	6.37	2.23	2.9E-02	4.1E-02	4.61
20_4	8062134	GDFSOS	9	0.34	0.22	6.03	2.58	1.2E-02	2.0E-02	5.62
20_4	8062023	MAP1LC3A	9	0.34	0.19	6.59	2.44	1.7E-02	2.7E-02	5.21
20_4	8065905	GDF5	18	0.32	0.19	5.82	2.59	1.2E-02	2.0E-02	5.62
20_4	8065756	GENSCAN00000000672	2	0.31	0.25	5.91	2.55	1.3E-02	2.1E-02	5.59
20_4	8065880	FAM83C	13	0.30	0.23	7.29	2.26	2.7E-02	4.0E-02	4.64
20_4	8062064	MYH7B	28	0.28	0.20	6.42	2.31	2.4E-02	3.6E-02	4.78
20_4	8062108	PROCR	19	0.20	0.13	6.39	2.13	3.6E-02	4.9E-02	4.35
20_20	8063814	LSM14B	21	0.76	0.52	7.15	7.40	2.0E-10	1.7E-08	25.80
20_20	8063857	GTPBP5	23	0.72	0.33	7.59	5.62	3.5E-07	4.9E-06	17.65
20_20	8063839	SS18L1	36	0.71	0.38	6.99	5.78	1.8E-07	3.9E-06	17.99
20_20	8067361	TAF4	62	0.70	0.35	7.86	5.27	1.4E-06	1.4E-05	16.10
20_20	8064218	PRPF6	32	0.69	0.43	8.24	3.71	4.1E-04	1.6E-03	9.30
20_20	8064302	PCMTD2	29	0.67	0.53	8.72	4.15	9.1E-05	5.4E-04	10.85
20_20	8063835	LSM14B	13	0.66	0.63	6.53	7.22	4.5E-10	1.9E-08	25.65
20_20	8067563	DIDO1	49	0.64	0.40	8.05	5.70	2.5E-07	4.2E-06	17.87
20_20	8067727	ARFRP1	10	0.62	0.23	7.55	3.68	4.5E-04	1.6E-03	9.25
20_20	8064208	DNAJC5	25	0.62	0.22	8.28	4.01	1.5E-04	8.2E-04	10.25
20_20	8067593	YTHDF1	19	0.61	0.52	8.46	6.45	1.1E-08	3.2E-07	21.59
20_20	8067773	ZNF512B	39	0.60	0.31	7.39	3.61	5.6E-04	1.9E-03	9.02
20_20	8064191	TPD52L2	14	0.59	0.43	8.10	3.89	2.2E-04	1.1E-03	9.77
20_20	8067495	CABLES2	14	0.57	0.29	6.97	3.88	2.3E-04	1.1E-03	9.77
20_20	8067382	PSMA7	18	0.57	0.44	8.31	5.43	7.3E-07	8.7E-06	16.81
20_20	8067756	UCKL1	8	0.56	0.36	7.28	3.78	3.3E-04	1.4E-03	9.51
20_20	8063873	OSBP2L	44	0.55	0.38	7.94	3.70	4.2E-04	1.6E-03	9.30
20_20	8063755	C20orf177	20	0.54	0.49	5.75	4.59	1.8E-05	1.3E-04	12.92
20_20	8067554	TCFL5	16	0.50	0.32	7.55	4.69	1.3E-05	9.9E-05	13.31
20_20	8064042	ARFGAP1	10	0.50	0.23	7.82	3.82	2.8E-04	1.2E-03	9.67
20_20	8063793	LOC284757	35	0.50	0.33	6.01	2.81	6.4E-03	1.5E-02	6.03
20_20	8064007	C20orf11	10	0.50	0.65	8.39	5.23	1.6E-06	1.5E-05	16.02
20_20	8067709	GMEB2	35	0.49	0.19	7.78	3.83	2.7E-04	1.2E-03	9.67
20_20	8064245	TCEA2	13	0.48	0.17	7.46	2.59	1.2E-02	2.6E-02	5.25
20_20	8067380	LSM14B	13	0.46	0.21	5.32	3.18	2.2E-03	5.9E-03	7.41
20_20	8063949	C20orf20	11	0.44	0.27	7.27	4.88	6.3E-06	5.3E-05	14.21
20_20	8063903	RPS21	11	0.44	0.37	8.59	3.50	8.1E-04	2.5E-03	8.63
20_20	8064277	MYT1	80	0.43	0.31	6.39	4.15	8.9E-05	5.4E-04	10.85
20_20	8063893	ADRM1	13	0.43	0.34	8.20	3.60	5.7E-04	1.9E-03	9.02
20_20	8067305	SYCP2	40	0.41	0.66	4.75	3.57	6.3E-04	2.0E-03	8.93
20_20	8067409	LAMA5	25	0.41	0.48	8.63	3.34	1.3E-03	4.0E-03	7.96
20_20	8063921	hsa-mir-1-1	9	0.40	0.27	3.97	3.25	1.8E-03	4.9E-03	7.67
20_20	8064111	TNFRSF6B	40	0.37	0.17	7.01	3.11	2.7E-03	6.9E-03	7.19
20_20	8063761	CDH26	73	0.36	0.25	5.96	3.17	2.2E-03	5.9E-03	7.41
20_20	8063785	GENSCAN00000041041	40	0.36	0.23	6.34	2.64	1.0E-02	2.3E-02	5.41
20_20	8067358	ENST00000317652	20	0.36	0.21	5.60	2.84	5.9E-03	1.5E-02	6.11
20_20	8064175	SLC2A4RG	11	0.28	0.26	7.32	3.28	1.6E-03	4.6E-03	7.76
20_20	8067680	PRIC285	10	0.28	0.19	7.25	2.50	1.5E-02	3.3E-02	4.93
20_2	8061919	CBFA2T2	61	0.55	0.41	6.67	4.32	5.1E-05	1.0E-04	13.25
20_2	8065683	SNTA1	14	0.41	0.18	7.44	3.13	2.5E-03	2.5E-03	8.63
20_18	8063620	VAPB	65	0.65	0.48	7.70	5.44	7.6E-07	9.1E-06	16.74
20_18	8063607	RAB22A	47	0.61	0.45	8.29	5.20	2.0E-06	1.4E-05	16.16
20_18	8063697	TH1L	16	0.59	0.57	8.40	4.78	9.4E-06	5.0E-05	14.30
20_18	8063716	TUBB1	12	0.58	0.33	5.93	5.40	8.7E-07	9.1E-06	16.74
20_18	8063668	GNAS	51	0.56	0.29	8.92	3.51	8.0E-04	2.1E-03	8.90
20_18	8063650	NPEPL1	22	0.55	0.18	7.35	2.60	1.1E-02	2.2E-02	5.51
20_18	8067248	PPP4R1L	88	0.54	0.31	6.43	3.31	1.5E-03	3.1E-03	8.33
20_18	8067295	SLMO2	15	0.52	0.61	8.48	4.48	2.9E-05	1.2E-04	13.03
20_18	8063723	ENST00000371030	68	0.42	0.20	6.18	2.42	1.8E-02	3.1E-02	4.99
20_18	8067305	SYCP2	40	0.41	0.64	4.75	3.40	1.1E-03	2.6E-03	8.58
20_18	8063636	STX16	32	0.36	0.46	8.19	3.84	2.7E-04	9.5E-04	10.04
20_18	8067288	ATP5E	9	0.35	0.41	7.72	3.65	5.0E-04	1.5E-03	9.38
20_16	8063509	C20orf43	41	0.71	0.48	7.77	7.11	9.7E-10	1.4E-08	26.10
20_16	8063566	RAE1	28	0.71	0.72	7.57	7.08	1.1E-09	1.4E-08	26.10
20_16	8063522	---	10	0.61	0.26	4.14	3.94	1.9E-04	1.2E-03	9.69
20_16	8067201	ENST00000388144	15	0.56	0.64	6.03	4.13	1.0E-04	8.6E-04	10.18
20_16	8067199	ENST00000388140	15	0.54	0.30	4.78	2.93	4.6E-03	1.9E-02	5.70
20_16	8063583	RBM38	21	0.48	0.29	7.43	2.72	8.4E-03	3.0E-02	5.06
20_16	8067178	GCNT7	30	0.45	0.21	6.23	2.61	1.1E-02	3.5E-02	4.84
20_16	8067185	BMP7	88	0.37	0.66	6.70	3.71	4.3E-04	2.1E-03	8.86
20_15	8063484	CSTF1	28	0.77	0.60	7.04	8.03	1.8E-11	3.5E-11	34.72
20_15	8067167	AURKA	45	0.54	0.72	6.52	5.55	4.9E-07	4.9E-07	20.97
20_14	8067094	ZFP64	79	0.74	0.43	6.75	5.34	1.1E-06	2.7E-05	15.18
20_14	8063453	PFND4	29	0.62	0.56	5.60	4.95	5.1E-06	4.1E-05	14.59
20_14	8067155	ENST00000388080	24	0.60	0.25	5.26	3.13	2.6E-03	1.0E-02	6.59
20_14	8067055	ATP9A	145	0.60	0.53	8.21	3.83	2.8E-04	1.7E-03	9.24
20_14	8063433	---	21	0.58	0.25	4.90	2.63	1.1E-02	3.2E-02	4.98
20_14	8067121	SUMO1P1	19	0.55	0.21	6.03	2.38	2.0E-02	4.8E-02	4.39
20_14	8067167	AURKA	45	0.54	0.68	6.51	5.15	2.3E-06	2.8E-05	15.12
20_14	8063476	MC3R	35	0.49	0.35	6.64	3.17	2.3E-03	1.0E-02	6.59
20_14	8063444	TSHZ2	17	0.48	0.28	6.09	2.42	1.8E-02	4.8E-02	4.39
20_14	8063447	---	18	0.39	0.48	4.89	3.06	3.1E-03	1.1E-02	6.54
20_12	8066953	SPATA2	20	0.73	0.35	6.71	5.47	6.6E-07	2.8E-06	18.45
20_12	8063427	MOCOS3	14	0.71	0.46	6.17	6.41	1.5E-08	2.1E-07	22.18
20_12	8066964	TMEM189	47	0.71	0.49	7.31	7.22	5.0E-10	1.9E-08	25.66
20_12	8063315	DDX27	27	0.71	0.59	7.49	6.22	3.2E-08	2.4E-07	21.97
20_12	8063351	SLC9A8	63	0.70	0.43	7.36	4.60	1.8E-05	5.8E-05	14.07
20_12	8066889	STAU1	47	0.65	0.57	8.43	6.28	2.5E-08	2.3E-07	22.03
20_12	8067011	ADNP	44	0.62	0.64	8.59	5.70	2.6E-07	1.3E-06	19.61
20_12	8063283	CSE1L	40	0.62	0.96	8.23	6.09	5.3E-08	3.4E-07	21.50

20_12	8063242	ARFGEF2	84	0.60	0.59	8.09	5.92	1.1E-07	5.9E-07	20.70
20_12	8063394	PTPN1	174	0.57	0.35	7.97	4.77	9.9E-06	3.4E-05	14.84
20_12	8063345	ENST00000386307	11	0.52	0.64	5.24	5.13	2.5E-06	9.5E-06	16.69
20_12	8067017	DPM1	22	0.50	0.83	7.93	6.38	1.7E-08	2.1E-07	22.18
20_12	8063410	PARD6B	16	0.50	0.45	8.97	3.47	9.0E-04	2.4E-03	8.68
20_12	8066905	ZNF313	34	0.47	0.42	7.68	2.95	4.3E-03	9.5E-03	6.71
20_12	8063369	ZNF313	16	0.44	0.39	7.96	3.34	1.3E-03	3.4E-03	8.21
20_12	8066921	KCNB1	88	0.44	0.21	6.16	2.35	2.2E-02	3.7E-02	4.75
20_12	8066848	PREX1	134	0.41	0.31	7.08	2.77	7.2E-03	1.4E-02	6.11
20_12	8063349	---	13	0.40	0.18	4.45	2.33	2.3E-02	3.7E-02	4.75
20_12	8067029	KCNG1	13	0.38	0.41	6.82	3.29	1.6E-03	3.7E-03	8.06
20_12	8063337	C20orf199	20	0.37	0.51	8.28	3.77	3.4E-04	1.0E-03	9.97
20_12	8066960	---	14	0.37	0.27	5.45	2.87	5.4E-03	1.1E-02	6.44
20_12	8067033	KCNG1	15	0.34	0.19	6.95	2.45	1.7E-02	3.2E-02	4.98
20_12	8063389	LOC284751	31	0.33	0.25	6.92	2.34	2.2E-02	3.7E-02	4.75
20_10	8062981	PIGT	25	0.74	0.65	7.85	7.77	5.8E-11	4.2E-09	27.81
20_10	8066697	SLC35C2	19	0.68	0.42	7.70	4.65	1.6E-05	1.6E-04	12.57
20_10	8063028	DNNT1P1	22	0.68	0.38	7.56	5.09	3.0E-06	4.4E-05	14.46
20_10	8063043	UBE2C	13	0.68	0.75	7.64	6.71	4.6E-09	1.7E-07	22.50
20_10	8066461	TOMM34	33	0.66	0.58	7.59	5.18	2.2E-06	4.0E-05	14.61
20_10	8063074	ZSWIM1	15	0.66	0.28	6.82	5.40	9.4E-07	2.3E-05	15.42
20_10	8066668	NCOA5	32	0.65	0.36	8.06	4.91	6.0E-06	7.3E-05	13.73
20_10	8063097	C20orf67	14	0.65	0.32	7.22	3.79	3.3E-04	2.0E-03	8.97
20_10	8066598	ACOT8	19	0.64	0.25	7.11	4.10	1.1E-04	1.0E-03	9.95
20_10	8062890	C20orf119	49	0.60	0.35	7.52	3.37	1.2E-03	4.3E-03	7.85
20_10	8066612	NEURL2	12	0.58	0.25	7.00	4.07	1.2E-04	1.0E-03	9.95
20_10	8066641	ZNF335	28	0.57	0.22	7.25	3.54	7.4E-04	3.0E-03	8.39
20_10	8066786	ZMYND8	74	0.56	0.52	7.94	3.72	4.0E-04	2.0E-03	8.97
20_10	8063057	SNX21	18	0.56	0.20	7.02	3.72	4.1E-04	2.0E-03	8.97
20_10	8063209	ENST00000360965	12	0.56	0.30	6.02	3.38	1.2E-03	4.3E-03	7.85
20_10	8066745	ZNF334	22	0.53	0.46	6.39	2.25	2.8E-02	4.6E-02	4.43
20_10	8066528	ENST00000300192	19	0.52	0.40	4.87	3.88	2.4E-04	1.6E-03	9.26
20_10	8066716	ELMO2	27	0.51	0.39	7.38	3.72	4.1E-04	2.0E-03	8.97
20_10	8066739	ZNF663	39	0.51	0.24	4.93	2.58	1.2E-02	2.6E-02	5.24
20_10	8062964	YSY1	21	0.51	0.24	7.30	3.26	1.7E-03	5.3E-03	7.57
20_10	8066609	C20orf165	14	0.51	0.23	6.58	3.29	1.6E-03	5.1E-03	7.62
20_10	8062971	DBNDD2	13	0.47	0.18	7.57	2.60	1.1E-02	2.6E-02	5.27
20_10	8066521	C20orf10	18	0.46	0.20	6.01	2.65	1.0E-02	2.4E-02	5.37
20_10	8062908	STK4	74	0.46	0.36	8.47	3.13	2.6E-03	6.8E-03	7.20
20_10	8062880	YWHAB	21	0.45	0.41	8.92	3.33	1.4E-03	4.7E-03	7.74
20_10	8066776	TP53RK	19	0.44	0.22	6.51	3.66	5.0E-04	2.3E-03	8.79
20_10	8063071	ZSWIM3	22	0.43	0.15	5.83	2.34	2.2E-02	4.1E-02	4.63
20_10	8063187	EYA2	368	0.43	0.52	7.73	2.32	2.3E-02	4.1E-02	4.61
20_10	8066542	SPINLW1	9	0.42	0.40	5.71	3.14	2.5E-03	6.8E-03	7.21
20_10	8062933	SEMG1	34	0.41	0.33	5.54	3.14	2.5E-03	6.8E-03	7.21
20_10	8066569	WFDC11	22	0.41	0.20	4.82	2.38	2.0E-02	3.9E-02	4.70
20_10	8063211	NCOA3	101	0.39	0.50	8.28	3.49	8.4E-04	3.2E-03	8.28
20_10	8063011	WFDC10A	15	0.39	0.33	5.82	3.21	2.0E-03	5.9E-03	7.40
20_10	8066530	AY372172	19	0.39	0.16	4.97	2.52	1.4E-02	3.0E-02	5.04
20_10	8063019	SPINT4	15	0.39	0.22	4.71	2.73	8.1E-03	2.0E-02	5.61
20_10	8066475	KCNS1	13	0.38	0.27	5.94	3.87	2.5E-04	1.6E-03	9.26
20_10	8066637	FLJ40606	5	0.38	0.16	6.81	2.37	2.1E-02	3.9E-02	4.70
20_10	8066549	WFDC8	53	0.36	0.32	5.40	2.64	1.0E-02	2.4E-02	5.37
20_10	8063078	CTSA	18	0.36	0.49	8.89	3.59	6.2E-04	2.7E-03	8.55
20_10	8063129	SLC12A5	21	0.35	0.19	5.88	2.37	2.0E-02	3.9E-02	4.70
20_10	8066536	WFDC6	26	0.35	0.24	6.24	2.41	1.9E-02	3.8E-02	4.71
20_10	8066489	WFDC12	11	0.33	0.23	6.72	2.42	1.8E-02	3.8E-02	4.72
20_10	8066574	WFDC10B	28	0.28	0.18	6.05	2.32	2.4E-02	4.1E-02	4.61
20_10	8066579	WFDC3	25	0.27	0.18	6.48	2.28	2.6E-02	4.3E-02	4.53
20_10	8066498	MATN4	25	0.22	0.17	6.67	2.22	3.0E-02	4.8E-02	4.38
20_1	8065668	CDK5RAP1	30	0.60	0.34	7.24	4.72	1.1E-05	8.6E-05	13.51
20_1	8061725	ASXL1	52	0.60	0.48	7.93	5.50	5.2E-07	7.1E-06	17.10
20_1	8065596	PDRG1	12	0.53	0.39	6.20	5.95	8.4E-08	3.5E-06	18.11
20_1	8061579	TPX2	37	0.53	1.04	7.51	5.15	2.1E-06	1.9E-05	15.70
20_1	8065607	PLAGL2	19	0.51	0.66	7.34	5.63	3.1E-07	5.6E-06	17.44
20_1	8065637	COMMD7	29	0.50	0.38	7.79	4.17	8.2E-05	5.0E-04	10.97
20_1	8061706	POFUT1	28	0.49	0.55	7.70	5.84	1.3E-07	3.5E-06	18.11
20_1	8061772	MAPRE1	35	0.48	0.50	9.23	4.39	3.7E-05	2.6E-04	11.93
20_1	8061517	ENST00000390832	8	0.47	0.19	3.48	2.69	8.9E-03	1.9E-02	5.74
20_1	8065612	C20orf112	66	0.45	0.33	7.08	3.57	6.4E-04	3.2E-03	8.30
20_1	8065555	DEFB119	16	0.43	0.21	5.67	2.43	1.7E-02	3.1E-02	5.02
20_1	8061685	TM9SF4	32	0.42	0.59	8.40	5.43	7.0E-07	7.6E-06	17.00
20_1	8065683	SNTA1	14	0.41	0.17	7.44	2.80	6.6E-03	1.5E-02	6.05
20_1	8061509	DEFB118	8	0.40	0.27	5.71	3.19	2.1E-03	7.6E-03	7.04
20_1	8061847	C20orf70	31	0.38	0.22	5.92	2.61	1.1E-02	2.2E-02	5.49
20_1	8061645	---	6	0.37	0.32	6.21	3.24	1.8E-03	7.0E-03	7.15
20_1	8065633	ENST00000360170	6	0.36	0.19	6.92	2.59	1.2E-02	2.3E-02	5.45
20_1	8061504	DEFB115	15	0.36	0.26	5.88	3.07	3.0E-03	8.7E-03	6.84
20_1	8061620	TLL9	37	0.34	0.27	6.85	2.85	5.7E-03	1.4E-02	6.20
20_1	8061666	---	7	0.33	0.24	5.88	3.11	2.7E-03	8.6E-03	6.86
20_1	8065580	DUSP15	20	0.33	0.19	6.75	3.15	2.3E-03	8.0E-03	6.97
20_1	8061859	RP11-49G10.8	27	0.32	0.25	5.44	3.30	1.5E-03	6.3E-03	7.30
20_1	8061912	ENST00000246222	24	0.30	0.31	6.44	3.53	7.1E-04	3.2E-03	8.27
20_1	8065652	SPAG4L	26	0.28	0.21	5.90	2.95	4.3E-03	1.2E-02	6.42
20_1	8061869	C20orf71	29	0.28	0.23	6.42	2.38	2.0E-02	3.4E-02	4.88
20_1	8061815	C20orf185	34	0.28	0.22	6.87	2.48	1.5E-02	2.9E-02	5.10
20_1	8061746	DNMT3B	50	0.28	0.30	6.69	3.09	2.8E-03	8.6E-03	6.86
20_1	8061799	BPIL3	41	0.26	0.19	6.40	2.29	2.5E-02	4.1E-02	4.60
20_1	8061605	MYLK2	19	0.24	0.21	6.28	2.76	7.2E-03	1.6E-02	5.98
20_1	8061715	KIF3B	36	0.24	0.32	7.50	4.12	9.7E-05	5.3E-04	10.87
20_1	8061916	ENST00000253375	17	0.23	0.16	4.74	2.47	1.6E-02	2.9E-02	5.10
20_1	8065630	FLJ33706	12	0.22	0.29	5.67	2.87	5.3E-03	1.4E-02	6.20
20_1	8061542	HM13	38	0.21	0.34	8.36	2.86	5.5E-03	1.4E-02	6.20
20_1	8061883	PLUNC	32	0.20	0.19	6.36	2.20	3.1E-02	5.0E-02	4.33