

Supplementary Table 4: Genomic regions recurrently gained or lost in >40% of 56 triple negative breast cancers.

Gain						Loss					
Chromosome	Cytoband	Start (Mb)	End (Mb)	Length (Mb)	Frequency	Chromosome	Cytoband	Start (Mb)	End (Mb)	Length (Mb)	Frequency
1	1p12-p11.2	118.32	121.35	3.03	68%	1	p36.32-p34.3	2.32	35.38	33.06	68%
1	1q21.1-q44	143.51	248.88	105.37	80%	1	q12-q21.1	142.54	143.54	1.00	50%
2	2p16.3-p16.1	49.91	60.48	10.57	43%	2	q14.2	121.05	122.1	1.05	41%
2	2p11.2-p11.1	90.23	91.94	1.71	48%	2	q35	218.49	220.46	1.97	48%
3	3q22.1-q22.2	133.46	134.97	1.51	46%	2	q36.3-q37.1	230.68	232.52	1.84	46%
3	3q23	138.82	141.47	2.65	46%	2	q37.1-q37.3	232.49	241.59	9.10	61%
3	3q23-q26.33	141.57	182.2	40.63	61%	3	p22.1	42.04	42.56	0.52	41%
3	3q27.1-q27.2	184.42	184.8	0.38	41%	3	p22.1-p13	42.72	73.1	30.38	63%
3	3q27.3-q29	187.06	194.03	6.97	46%	4	p16.3	0.83	1.42	0.59	43%
5	5p15.33	1.51	1.85	0.34	41%	4	p16.3	1.81	2.75	0.94	41%
5	5p15.2	11.83	12.31	0.48	41%	4	p16.3-p15.1	3.4	34.05	30.65	73%
5	5p15.2	13.54	13.95	0.41	43%	4	p15.1	34.16	35.47	1.31	43%
5	5p14.3	19.03	19.62	0.59	41%	4	p15.1-p13	35.6	42.59	6.99	54%
5	5p14.3	20.08	21.1	1.02	45%	4	p11	49.16	49.63	0.47	50%
5	5p14.3-p14.1	22.32	24.74	2.42	43%	4	q31.3	152.55	153.12	0.57	41%
5	5p14.1	24.85	26.05	1.2	43%	4	q34.3-q35.2	181.94	189.91	7.97	46%
5	5p14.1-p13.3	27.11	29.45	2.34	41%	5	q11.2-q14.3	51.89	83	31.11	64%
5	5p13.3	30.65	31.28	0.63	41%	5	q14.3	85.99	90.25	4.26	41%
6	6p25.3-p25.2	0.13	3.43	3.3	48%	5	q14.3-q15	92.2	94.52	2.32	41%
6	6p25.1-p24.3	6.57	7.89	1.32	43%	5	q15	95.18	97.39	2.21	43%
6	6p24.3-p22.2	8.09	25.73	17.64	57%	5	q21.3	105.92	106.9	0.98	43%
6	6p22.1	27.27	28.26	0.99	41%	5	q21.3-q23.1	108.98	118.79	9.81	45%
6	6p21.32	32.77	33.1	0.33	41%	5	q23.1-q34	120.31	162.2	41.89	71%
6	6p21.2-p21.1	37.83	41.69	3.86	48%	5	q34	162.39	164.51	2.12	43%
6	6p21.1-q11.1	42.98	63.25	20.27	57%	5	q34-q35.3	164.86	177.79	12.93	66%
6	6q12-q23.1	63.88	131.11	67.23	43%	6	q25.3-q26	160.89	161.21	0.32	43%
7	7q11.21	64.87	65.16	0.29	45%	8	p23.3-p22	0.17	13.79	13.62	61%
7	7q21.11-q21.3	79.2	96.55	17.35	50%	8	p22-p12	16.38	31.35	14.97	68%
7	7q22.3-q31.1	107.11	108.13	1.02	41%	8	p12	31.35	32.39	1.04	43%
7	7q31.1	110.07	111.51	1.44	41%	9	q32	116.08	117.28	1.20	43%
7	7q31.1-q32.1	111.88	127.78	15.9	52%	9	q32-q33.1	117.29	118.01	0.72	43%
7	7q32.3-q33	131.57	137.75	6.18	55%	9	q33.2	123.05	123.52	0.47	43%
7	7q33-q34	137.98	138.43	0.45	41%	9	q33.2	124.29	125.24	0.95	41%
7	7q34	140.61	142.72	2.11	50%	9	q33.3	128.68	129.92	1.24	41%
7	7q35	143.68	147.7	4.02	50%	9	q34.11-q34.3	131.53	140.71	9.18	55%
7	7q36.1	149.11	151.65	2.54	48%	10	q23.32-q24.1	93.98	97.89	3.91	43%
7	7q36.2-q36.3	153.35	159.12	5.77	63%	10	q24.1-q24.2	98.18	99.84	1.66	41%
8	8q11.1-q24.3	46.85	146.24	99.39	89%	10	q24.2	99.93	100.34	0.41	41%
9	9p24.3-p24.1	0.03	5.47	5.44	54%	10	q24.2-q25.1	100.75	107.09	6.34	54%
9	9p22.3	14.6	14.85	0.25	41%	10	q25.2-q25.3	114.33	116.29	1.96	43%
9	9p12	42.06	42.27	0.21	45%	10	q25.3-q26.11	118.6	120.82	2.22	43%
10	10p15.3-p11.21	0.06	36.6	36.54	70%	10	q26.12	121.78	122.11	0.33	41%
12	12p13.33-p13.31	0.15	7.02	6.87	57%	10	q26.12-q26.13	122.31	126.02	3.71	43%
12	12p13.31-p11.2	8.73	28.21	19.48	43%	10	q26.13-q26.3	126.58	133.87	7.29	46%
13	13q33.2-q34	106.88	110.39	3.51	46%	10	q26.3	133.92	134.43	0.51	45%
15	15q26.3	100.63	101.57	0.94	41%	11	p15.5-p15.4	1.39	3.5	2.11	46%
17	17q24.3	68.04	70.03	1.99	43%	11	p15.4	6.29	6.62	0.33	41%
19	19q11	27.73	28.46	0.73	50%	11	p15.4	7.98	9.08	1.10	46%
19	19q12	30.35	30.73	0.38	41%	11	p15.4	9.28	10.04	0.76	43%
20	20q13.33	62.79	62.96	0.17	46%	11	q23.3	116.13	116.64	0.51	43%
						11	q23.3	116.93	118.08	1.15	43%
						11	q23.3	119.25	120.17	0.92	46%
						11	q25	131.25	133.81	2.56	45%
						11	q25	134.46	134.93	0.47	43%
						12	q13.12-q13.2	51.33	55.18	3.85	57%
						12	q13.2-q14.1	55.94	58.23	2.29	45%
						12	q23.3-q24.31	107.44	123.09	15.65	54%
						12	q24.31-q24.33	123.38	131.95	8.57	52%
						14	q23.3	65.11	65.89	0.78	43%
						14	q24.1-q31.1	68.55	80.06	11.51	57%
						14	q31.3-q32.33	89.54	107.25	17.71	57%
						15	q11.2-q21.1	22.65	49.2	26.55	61%
						15	q21.2-q21.3	50.55	53.12	2.57	43%
						15	q21.3	53.4	54.61	1.21	41%
						15	q21.3	55.64	56.23	0.59	41%
						15	q22.1-q22.2	59.28	60.81	1.53	41%
						15	q22.2	61.25	61.94	0.69	41%
						15	q22.2	62.62	63.07	0.45	41%
						15	q22.31	64.36	64.98	0.62	43%
						16	q12.1-q21	48.9	58.57	9.67	57%
						16	q21-q22.2	65.24	70.81	5.57	55%
						16	q22.2-q23.1	72.62	74.16	1.54	46%
						16	q23.1	74.22	74.78	0.56	43%
						16	q23.1-q24.3	77.48	89.01	11.53	59%
						17	p13.3-q11.1	0	25.46	25.46	71%
						17	q11.1-q11.2	25.57	27.43	1.86	46%
						17	q11.2-q21.32	30.97	45.52	14.55	59%
						17	q21.32-q21.33	46.53	49.2	2.67	46%
						18	q12.3-q21.2	42.11	49.24	7.13	48%
						18	q21.2-q21.32	51.51	56.9	5.39	46%
						18	q22.3-q23	71.42	76.81	5.39	50%
						19	p13.3	2.52	5.18	2.66	41%
						19	p13.2	8.66	9.24	0.58	59%
						19	q13.2-q13.31	42.84	43.93	1.09	41%
						19	q13.32-q13.33	45.96	49.8	3.84	46%
						22	q11.21-q11.23	20.81	25.86	5.05	46%
						22	q12.1	26.11	28.28	2.17	45%
						22	q12.3-q13.1	36.48	39.93	3.45	46%
						22	q13.1	40.47	40.81	0.34	41%
						22	q13.2-q13.33	42.29	50.21	7.92	54%
						23	p22.33-p11.21	0.53	54.88	54.35	63%
						23	q13.1	68.06	68.9	0.84	43%
						23	q13.1-q13.2	70.35	71.97	1.62	45%
						23	q21.33-q23	96.33	110.28	13.95	43%
						23	q25	121.25	121.68	0.43	41%
						23	q25-q26.1	128.53	129.58	1.05	43%
						23	q26.2	132.34	132.77	0.43	41%
						23	q26.3	134.64	134.98	0.34	41%
						23	q27.2	141.63	150.14	8.51	42%
						23	q28	150.31	153.65	3.34	54%