Supplementary Table 2

Haplotypes across *ahl* interval derived from 57 common inbred strains

	Ahl[i]	*D10Ntra57*	*D10Ntra42*	*Cdh23*^{10497del11}	*Cdh23*$^{INS7+117}$	*Cdh23*^{753}	*Cdh23*^{685}	*D10Ntra46*	*D10Ntra48*
V/LE	na	…C…G…	…G…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…G…	…CA…	…G…T…
CZECHII/Ei	-	…C…G…	…T…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…G…	…CA…	…G…T…
MOLF/Ei	-	…C…G…	…T…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…G…	…CA…	…G…T…
MOLG/Dn	-	…C…G…	…T…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…G…	…CA…	…G…T…
MOLD/Rk	-	…C…G…	…T…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…G…	…CA…	…G…T…
CAST/Ei	-	…C…G…	…T…	CCCCGCGTCGG	…A…	…G…	…G…	…CG…	…G…T…
CE/J*	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…G…	…G…	…G…	…TG…	…G…T…
PERC/EI	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…G…	…G…	…G…	…CG…	…A…C…
SF/CamEi	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…G…	…G…	…G…	…TG…	…A…C…
LG/J	-	…C…G…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…G…	…G…	…G…	…CG…	…A…C…
C3H/HeJ	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
CBA/CaJ	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
C3HeB/FeJ	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
FVB/NJ	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
SWR/J	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
C3H/HeOuJ	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
RIIIS/J	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
SM/J	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
129T2/Sv EmsJ	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
NON/LtJ	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
SJL/J	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
NZW/LacJ	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
129S6/SvEvTac	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
SEC/1ReJ	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
BDP/J	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
SHR/GnEi	-	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
C3H/HeSnJ	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
I/LnJ	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
YBR/Ei	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
MRL/MpJ	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…G…	…A…	…TG…	…A…C…
CD1	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
RBF/DnJ*	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
PL/J	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
AKR/J*	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
RF/J	+	…T…A…	…C…	del 11	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
BALB/cByJ/,f	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
A/WySnJ	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
P/J	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
SENCARA/PtJ	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
DBA/1J	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
ALS/LtJ	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
C58/J	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
C57BLKS/J	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
129/ReJ/,f	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
C57BR/cdJ/,f	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
SKH2/J/,f	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
BUB/BnJ/,f	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
MA/MyJ	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
LP/J	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
129/SvJ	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
NOR/LtJ	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
A/J/,f	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
C57BL/6J/	+	…T…A…	…C…	del 11	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
NOD/LtJ	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
DBA/2J	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
ALR/LtJ	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…
C57L/J	+	…T…A…	…C…	…CCCCGCGTCGG…	…A…	…A…	…A…	…TG…	…A…C…

CZECHII/Ei, MOLF/Ei, CAST/Ei and SF/CamEi are respresentative substrains of *M. m. musculus*, *M. m. castaneus*, *M. m. molossinus*, and *M. m. domesticus*.

[i] Assessed by ABR analyses (ref. Zheng, Q.Y., Johnson, K.R., & Erway, L.C. *Hear. Res.* **130**, 94-107 (1999).

* These strains were 'sensitized' with a loss-of-function allele of *Atp2b2* and classified as AHL-negative (CE/J, LG/J) and AHL-positive (AKR/J, RBF/DnJ).

/ These strains demonstrate linkage with *ahl*.

f These strains are allelic with *mdfw*.

na, not applicable; note that laboratory strains share the same haplotye across the *ahl* interval (shaded box).