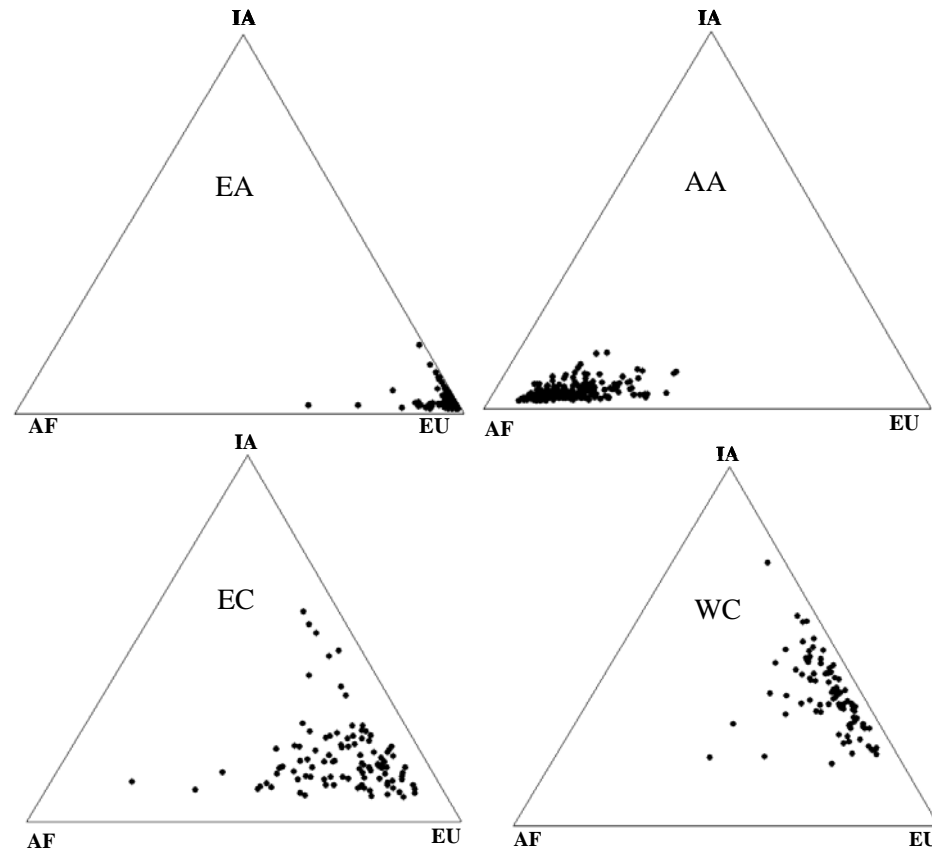


Supp. Figure S1. Distribution of Individual ML admixture estimates. Triangle plots showing the distribution of individual admixture estimates obtained with ML. Each vertex of a plot represents one ancestral population and all individuals plotting at the vertex are unadmixed. Points closer to the vertex represent individuals with greater admixture from that population. Points along any axis represent individuals who have no admixture from the ancestral population at the opposite vertex. Where multiple individuals have the same admixture proportions, they have been overlaid. These plots illustrate the overall distribution of admixture in the sample and should be examined in association with the histograms shown in Figure 1. EA: European; AF: West African; IA: Indigenous American ancestral populations. EA: European Americans; AA: African Americans; EC: East Coast Hispanics (from Connecticut); WC: West Coast Hispanics (from CA).



Supp. Figure S2. Distribution of individual admixture estimates obtained with STRUCTURE. Triangle plots showing the distribution of individual admixture estimates obtained with STRUCTURE. Each vertex of a plot represents one ancestral population and all individuals plotting at the vertex are unadmixed. Points closer to the vertex represent individuals with greater admixture from that population. Points along any axis represent individuals who have no admixture from the ancestral population at the opposite vertex. Where multiple individuals have the same admixture proportions, they have been overlaid. These plots illustrate the overall distribution of admixture in the sample and should be examined in association with the histograms shown in Figure 2. Compared to the plots shown in Supp. Figure S1, the distributions are more tightly clustered. EA: European Americans; AF: West African; IA: Indigenous American ancestral populations. EA: European Americans; AA: African Americans; EC: East Coast Hispanics (from Connecticut); WC: West Coast Hispanics (from CA).

Supp. Table S1. Allele frequencies in different ancestral populations and tested populations.

Allele frequencies for EU, AF, IA, EA, AA, EC and WC samples are shown. First row shows the numbers of individuals genotyped for the allele. First column shows the alleles as no. of microsatellite repeats. EU: Spanish, AF: Mende, IA: Nahua, EA: European Americans from CT, AA: African Americans from CT, EC: Hispanics from CT, WC: Hispanics from CA. “na” Marker was not typed in this sample and no genotypes were available.

* Marker not in HWE: Homozygote deficiency.

** Marker not in HWE: Heterozygote deficiency.

	EU	AF	IA	EA	AA	EC	WC
CSF1PO	55	75	88	629	221	100	89
309	0	0.067	0	0.001	0.043	0.02	0.006
313	0	0.093	0	0.004	0.068	0.02	0
317	0	0.047	0.051	0.019	0.034	0.03	0.022
321	0.273	0.227	0.199	0.288	0.267	0.21	0.225
325	0.327	0.193	0.261	0.294	0.244	0.295	0.298
329	0.345	0.293	0.415	0.318	0.287	0.375	0.399
333	0.055	0.08	0.057	0.064	0.052	0.04	0.051
337	0	0	0.017	0.012	0.005	0.01	0
341	0	0	0	0	0	0	0
D2S133	56	77	88	630	220**	102**	87
304	0	0	0	0	0.005	0	0
308	0	0.006	0	0.002	0	0	0
312	0.036	0.045	0	0.043	0.059	0.044	0.011
316	0.295	0.065	0.108	0.22	0.111	0.235	0.218
320	0.089	0.045	0.023	0.081	0.034	0.074	0.069
324	0.116	0.214	0.273	0.121	0.173	0.162	0.247
328	0.179	0.052	0.182	0.139	0.064	0.137	0.115
332	0.045	0.136	0.011	0.034	0.152	0.034	0.04
336	0.018	0.162	0.085	0.025	0.116	0.049	0.023
340	0.054	0.13	0.25	0.106	0.109	0.093	0.121
344	0.071	0.052	0.045	0.113	0.093	0.108	0.075
348	0.071	0.058	0.023	0.099	0.064	0.054	0.069
352	0.027	0.013	0	0.015	0.016	0.01	0.011
356	0	0.006	0	0.002	0.005	0	0
360	0	0.013	0	0	0	0	0
D3S135	59	77	87	650	228	101	89
108	0	0	0	0.002	0	0	0.006
112	0	0.026	0	0	0	0.005	0
116	0	0.006	0.011	0.006	0.009	0.005	0
120	0.068	0.104	0.069	0.131	0.112	0.104	0.079

124	0.271	0.292	0.586	0.232	0.303	0.312	0.343
128	0.271	0.331	0.247	0.272	0.344	0.252	0.315
132	0.195	0.195	0.08	0.202	0.178	0.188	0.135
136	0.178	0.039	0.006	0.141	0.053	0.129	0.124
140	0.017	0.006	0	0.012	0.002	0	0
144	0	0	0	0.002	0	0.005	0
<hr/>							
D5S818	58	72	87	649	228	102**	89
<hr/>							
135	0	0.007	0.08	0.001	0.002	0.054	0.039
139	0	0.035	0	0.004	0.059	0.025	0.011
143	0.034	0.014	0.109	0.045	0.015	0.049	0.079
147	0.069	0.049	0.017	0.058	0.039	0.039	0.056
151	0.388	0.222	0.563	0.343	0.219	0.363	0.433
155	0.259	0.326	0.184	0.359	0.39	0.333	0.287
159	0.241	0.313	0.046	0.179	0.257	0.127	0.096
163	0.009	0.028	0	0.01	0.011	0.01	0
167	0	0	0	0.002	0.007	0	0
171	0	0.007	0	0	0	0	0
<hr/>							
D7S820	56**	77	88**	635	216	101	89
<hr/>							
255	0	0	0	0	0.002	0	0
259	0.045	0	0	0.016	0.007	0.02	0.022
262	0	0.006	0	0	0	0	0
263	0.152	0.253	0.063	0.167	0.211	0.114	0.107
267	0.116	0.071	0	0.15	0.134	0.104	0.09
268	0	0	0	0.001	0	0	0.006
270	0	0.006	0	0	0	0	0
271	0.313	0.312	0.159	0.272	0.329	0.312	0.309
275	0.223	0.227	0.352	0.217	0.211	0.267	0.281
276	0	0	0	0	0	0	0
279	0.134	0.104	0.33	0.134	0.095	0.144	0.152
283	0.018	0.013	0.091	0.039	0.009	0.03	0.034
287	0	0.006	0.006	0.004	0.002	0.01	0
291	0	0	0	0	0	0	0
<hr/>							
D8S117	59	74	87	648	227	102	89
<hr/>							
124	0.025	0	0	0.02	0.002	0.01	0.011
128	0	0	0	0.014	0.009	0.015	0.011
132	0.076	0.02	0.04	0.098	0.024	0.088	0.062
136	0.059	0.027	0.069	0.063	0.042	0.069	0.073
140	0.119	0.095	0.109	0.128	0.15	0.103	0.129
144	0.22	0.128	0.454	0.343	0.174	0.299	0.281
148	0.347	0.405	0.213	0.202	0.324	0.201	0.258
152	0.127	0.209	0.092	0.105	0.203	0.181	0.124

156	0.025	0.095	0.023	0.024	0.064	0.029	0.051
160	0	0.02	0	0.004	0.009	0.005	0
D13S31	58	77	88[*]	649	228	102	88
212	0	0	0	0.002	0	0	0
216	0.207	0	0.028	0.126	0.013	0.093	0.125
220	0.017	0	0.341	0.079	0.018	0.088	0.148
224	0.06	0.019	0.119	0.067	0.029	0.078	0.085
228	0.267	0.357	0.142	0.337	0.281	0.245	0.261
232	0.302	0.383	0.153	0.259	0.447	0.324	0.199
236	0.103	0.182	0.108	0.094	0.156	0.118	0.131
240	0.043	0.058	0.102	0.035	0.057	0.054	0.051
244	0	0	0.006	0.001	0	0	0
D16S53	56	76	87	644	226	102	89
264	0	0.02	0	0.025	0.027	0.044	0.011
268	0.125	0.184	0.086	0.12	0.188	0.191	0.107
272	0.027	0.105	0.264	0.06	0.139	0.078	0.152
276	0.295	0.211	0.264	0.306	0.263	0.26	0.315
280	0.321	0.27	0.287	0.3	0.221	0.27	0.298
284	0.223	0.178	0.08	0.161	0.142	0.132	0.118
288	0.009	0.033	0.017	0.027	0.02	0.025	0
292	0	0	0	0.001	0	0	0
D18S51	56	78	88	640	217	99	89
271	0	0	0.011	0.001	0	0	0
275	0.009	0	0	0.006	0.005	0.01	0.011
277	0	0	0	0	0.002	0	0.006
279	0.009	0.019	0	0.009	0.007	0.005	0.006
283	0.152	0.045	0.102	0.152	0.065	0.121	0.152
287	0.188	0.064	0.136	0.114	0.044	0.106	0.146
289	0	0	0	0	0.005	0	0
291	0.143	0.064	0.193	0.165	0.065	0.146	0.14
295	0.134	0.147	0.165	0.138	0.152	0.177	0.146
299	0.107	0.147	0.04	0.136	0.168	0.157	0.09
303	0.143	0.212	0.176	0.128	0.166	0.121	0.112
307	0.08	0.167	0.108	0.075	0.115	0.061	0.107
311	0	0.058	0.006	0.038	0.108	0.056	0.039
315	0.027	0.045	0.017	0.023	0.062	0.035	0.034
319	0	0.006	0.017	0.01	0.025	0	0
321	0	0	0	0	0.002	0	0
323	0	0.019	0.017	0.002	0.007	0.005	0.006
327	0	0	0.011	0.003	0.002	0	0
331	0.009	0.006	0	0	0	0	0.006
339	0	0	0	0	0	0	0

D19S43	59	77	87	647	226	102	88
97	0	0	0	0	0.002	0	0
101	0	0	0	0	0.002	0	0
105	0	0.013	0	0	0.004	0	0
109	0.017	0.071	0	0.004	0.055	0.025	0
111	0	0.006	0	0.001	0	0	0.006
113	0.119	0.162	0	0.096	0.131	0.108	0.057
115	0	0.058	0.017	0.003	0.033	0.015	0.011
117	0.297	0.299	0.092	0.218	0.274	0.206	0.148
119	0.034	0.032	0.167	0.009	0.038	0.02	0.097
121	0.28	0.169	0.259	0.355	0.221	0.309	0.301
123	0.017	0.065	0.046	0.019	0.053	0.054	0.045
125	0.153	0.071	0.161	0.173	0.066	0.142	0.193
127	0.042	0.019	0.19	0.055	0.06	0.078	0.074
129	0.025	0	0.023	0.045	0.029	0.025	0.04
131	0.008	0.019	0.04	0.018	0.029	0.02	0.023
133	0	0	0.006	0.004	0	0	0.006
135	0.008	0.006	0	0.002	0.002	0	0
139	0	0.006	0	0	0	0	0

D21S11	59	78	88	648	226	101	89
186	0	0	0	0.001	0	0	0
192	0	0	0	0.001	0.002	0	0
194	0	0	0	0.001	0	0	0.006
196	0	0.032	0.006	0.044	0.077	0.01	0.017
200	0.161	0.282	0.017	0.164	0.237	0.139	0.09
202	0	0.013	0	0.001	0	0	0
204	0.254	0.212	0.222	0.201	0.215	0.233	0.264
206	0	0	0	0.002	0	0	0
208	0.237	0.154	0.205	0.251	0.144	0.193	0.253
210	0.017	0.006	0.011	0.037	0.024	0.079	0.017
211	0	0	0	0	0	0	0
212	0.076	0.083	0.148	0.072	0.071	0.094	0.079
214	0.093	0.026	0.142	0.098	0.049	0.149	0.129
216	0.008	0	0.023	0.015	0.018	0	0.006
218	0.093	0.096	0.148	0.087	0.066	0.064	0.101
220	0	0	0.006	0.001	0.004	0	0
222	0.059	0.045	0.063	0.02	0.033	0.03	0.022
224	0	0	0	0	0.015	0	0
226	0	0	0.011	0.005	0.002	0	0.011
228	0	0.038	0	0.001	0.033	0.01	0.006
230	0	0	0	0	0.002	0	0
232	0	0.013	0	0	0.007	0	0
234	0	0	0	0.001	0	0	0

FGA	58	77	87	643	226	102**	89
206	0	0	0	0.001	0	0	0
210	0	0	0	0.002	0.007	0	0
214	0.009	0	0	0.002	0.002	0	0
218	0.009	0.006	0.006	0.014	0.004	0.01	0.017
220	0	0.019	0	0	0.013	0	0
222	0.069	0.052	0.172	0.071	0.066	0.059	0.101
224	0	0.013	0	0	0.004	0	0
226	0.121	0.065	0.063	0.135	0.035	0.118	0.096
228	0	0	0	0.002	0.002	0	0
230	0.19	0.11	0.109	0.15	0.133	0.162	0.152
232	0	0	0	0.002	0.002	0	0
234	0.155	0.169	0.121	0.198	0.181	0.157	0.112
236	0.017	0	0	0.012	0.002	0.01	0
238	0.129	0.253	0.086	0.152	0.146	0.147	0.129
240	0.009	0	0.011	0.005	0	0	0
242	0.155	0.123	0.138	0.138	0.173	0.147	0.18
244	0.009	0	0.006	0.001	0	0	0
245	0	0	0	0	0.002	0	0
246	0.095	0.078	0.155	0.075	0.104	0.098	0.135
250	0.026	0.032	0.115	0.03	0.049	0.054	0.039
254	0.009	0.032	0.011	0.007	0.029	0.039	0.028
258	0	0.045	0.006	0.002	0.033	0	0.006
262	0	0	0	0.001	0.004	0	0.006
266	0	0	0	0	0.002	0	0
268	0	0	0	0	0.004	0	0

TH01	59	73	87	645	226	102	89
167	0	0	0	0.002	0.007	0	0
171	0.212	0.075	0.299	0.236	0.164	0.201	0.236
175	0.161	0.37	0.443	0.173	0.389	0.25	0.32
179	0.102	0.288	0.006	0.099	0.219	0.132	0.112
182	0	0	0	0.001	0	0	0
183	0.186	0.212	0.011	0.157	0.144	0.216	0.107
186	0.331	0.055	0.241	0.317	0.071	0.201	0.219
187	0.008	0	0	0.014	0.007	0	0.006
191	0	0	0	0.001	0	0	0

TPOX	59	75	87	646	223	102	88
218	0.008	0	0	0	0	0	0
222	0	0.093	0	0.002	0.061	0.015	0.006
226	0	0.02	0	0.004	0.022	0.005	0
230	0.466	0.333	0.506	0.543	0.365	0.451	0.466

234	0.144	0.18	0.023	0.104	0.206	0.088	0.108
238	0.059	0.12	0.017	0.053	0.092	0.039	0.057
242	0.297	0.24	0.236	0.261	0.224	0.304	0.278
246	0.025	0.013	0.213	0.032	0.029	0.083	0.08
250	0	0	0.006	0.001	0	0.005	0.006
254	0	0	0	0	0	0.01	0

vWA	58	76	87	649	227	102	88
154	0	0.013	0	0	0.004	0	0
158	0	0	0	0	0.002	0	0
162	0	0.02	0	0.003	0.022	0.015	0
166	0.103	0.059	0.04	0.11	0.068	0.093	0.068
170	0.155	0.151	0.034	0.102	0.26	0.098	0.108
174	0.233	0.23	0.466	0.213	0.244	0.225	0.273
178	0.259	0.224	0.316	0.267	0.185	0.294	0.301
182	0.164	0.118	0.103	0.206	0.13	0.196	0.21
186	0.078	0.132	0.034	0.085	0.064	0.054	0.04
190	0.009	0.053	0	0.014	0.018	0.02	0
194	0	0	0.006	0.001	0.002	0.005	0
226	0	0.02	0	0.004	0.022	0.005	0
230	0.466	0.333	0.506	0.543	0.365	0.451	0.466
234	0.144	0.18	0.023	0.104	0.206	0.088	0.108
238	0.059	0.12	0.017	0.053	0.092	0.039	0.057
242	0.297	0.24	0.236	0.261	0.224	0.304	0.278
246	0.025	0.013	0.213	0.032	0.029	0.083	0.08
250	0	0	0.006	0.001	0	0.005	0.006
254	0	0	0	0	0	0.01	0

D2S319	0	0	0	642	222	68	0
120	na	na	na	0.001	0.007	0	na
126	na	na	na	0.13	0.135	0.147	na
128	na	na	na	0.038	0.083	0.066	na
130	na	na	na	0.342	0.275	0.368	na
132	na	na	na	0.271	0.104	0.191	na
134	na	na	na	0.208	0.36	0.228	na
136	na	na	na	0.01	0.036	0	na

D17S79	59	78	88	636	213	101	88
185	0.008	0.019	0	0.002	0.007	0.005	0
187	0.008	0.109	0	0.005	0.15	0.045	0.023
189	0.398	0.09	0.023	0.353	0.167	0.287	0.239
191	0.017	0.032	0	0.007	0.031	0.045	0.006

193	0.042	0.34	0.017	0.048	0.218	0.099	0.074
195	0.186	0.103	0.148	0.257	0.11	0.134	0.216
197	0.025	0.109	0.023	0.029	0.113	0.035	0.034
199	0.22	0.154	0.761	0.185	0.153	0.272	0.335
201	0.017	0.032	0	0.024	0.026	0.035	0.04
203	0.076	0.013	0.028	0.087	0.026	0.045	0.034
205	0	0	0	0.002	0	0	0
207	0	0	0	0	0	0	0
<hr/>							
D8S272	49	74	88	629	217	97	84**
235	0	0	0	0	0.002	0.005	0.006
237	0.02	0.074	0.148	0.034	0.048	0.036	0.077
239	0	0	0	0.001	0.002	0.005	0
241	0.092	0.034	0.006	0.122	0.051	0.015	0.083
243	0	0.054	0.011	0.01	0.025	0.026	0.03
245	0.388	0.034	0.222	0.398	0.134	0.361	0.274
247	0.082	0.236	0.023	0.054	0.249	0.17	0.083
249	0.031	0.047	0.119	0.01	0.065	0.052	0.042
251	0.214	0.196	0.415	0.184	0.157	0.186	0.232
253	0.041	0.122	0.04	0.027	0.108	0.052	0.042
254	0	0	0	0	0.005	0	0
255	0.071	0.169	0.017	0.111	0.118	0.041	0.077
257	0.051	0.034	0	0.04	0.035	0.046	0.054
259	0.01	0	0	0.006	0.002	0.005	0
261	0	0	0	0.003	0	0	0
<hr/>							
D1S196	59	78	87	542	220	100	89
320	0.39	0.34	0.425	0.351	0.339	0.275	0.331
322	0.025	0	0.017	0.018	0.016	0.005	0.006
324	0	0	0	0	0.007	0	0.006
326	0.169	0.019	0.253	0.241	0.075	0.205	0.242
328	0.102	0.16	0.04	0.072	0.093	0.095	0.073
330	0.212	0.346	0.253	0.216	0.343	0.275	0.242
332	0.102	0.058	0.011	0.097	0.08	0.125	0.096
334	0	0.077	0	0.006	0.041	0.02	0.006
336	0	0	0	0	0.007	0	0
<hr/>							
D7S640	53	63	65	615	200	95	65*
104	0	0	0	0.001	0	0.016	0
106	0	0.167	0	0.001	0.065	0.016	0
108	0	0.016	0	0.002	0.018	0	0.008
110	0.028	0.048	0	0.001	0	0	0.008
112	0.009	0.103	0	0.008	0.135	0.053	0.023

114	0.038	0	0.031	0.033	0.013	0.021	0.015
116	0.217	0.04	0.177	0.189	0.113	0.168	0.238
118	0.104	0.04	0.023	0.063	0.05	0.084	0.069
120	0.179	0.048	0.031	0.174	0.058	0.132	0.092
122	0.16	0.103	0.138	0.183	0.135	0.1	0.185
124	0.113	0.079	0.023	0.123	0.073	0.137	0.1
126	0.047	0.063	0.023	0.081	0.083	0.053	0.038
128	0.057	0.135	0.077	0.045	0.063	0.068	0.046
130	0	0.063	0.008	0.02	0.05	0.026	0.038
132	0.009	0.063	0.1	0.019	0.055	0.021	0.038
134	0	0.024	0.238	0.01	0.053	0.047	0.046
136	0.028	0	0.054	0.015	0.018	0.026	0.031
138	0.009	0.008	0.023	0.015	0.015	0.005	0.023
140	0	0	0.046	0.008	0.005	0.021	0
142	0	0	0.008	0.005	0.003	0.005	0
144	0	0	0	0.003	0	0	0
146	0	0	0	0.001	0	0	0

D8S182	59**	78	88	643	226	101	88
154	0	0.006	0	0	0.002	0	0
156	0.068	0.019	0.153	0.053	0.027	0.059	0.068
158	0.034	0.378	0.006	0.031	0.33	0.109	0.057
160	0.475	0.173	0.511	0.541	0.23	0.47	0.528
162	0.076	0.103	0.006	0.034	0.075	0.054	0.023
164	0.322	0.263	0.324	0.31	0.263	0.282	0.295
166	0.025	0.051	0	0.03	0.073	0.02	0.023
168	0	0.006	0	0	0	0.005	0.006

D7S657	38	66	82	623**	214	95	77
246	0	0.076	0	0.001	0.075	0.016	0.006
248	0.079	0.174	0.018	0.059	0.131	0.058	0.045
250	0.039	0.462	0.28	0.055	0.376	0.179	0.201
252	0.184	0.265	0.183	0.185	0.241	0.237	0.253
254	0.066	0	0	0.039	0.035	0.037	0
256	0	0.008	0	0.007	0.019	0.011	0
258	0.066	0	0.018	0.045	0.012	0.042	0.052
260	0.092	0.008	0.183	0.1	0.035	0.105	0.117
262	0.395	0	0.177	0.408	0.056	0.253	0.24
264	0.066	0.008	0.079	0.089	0.016	0.053	0.071
266	0.013	0	0.055	0.007	0.005	0.011	0.013
268	0	0	0.006	0.002	0	0	0
270	0	0	0	0.002	0	0	0
272	0	0	0	0.001	0	0	0

274 0 0 0 0 0 0 0

D22S27	59	77	87	642	218	100	88
272	0.008	0.052	0.029	0.002	0.089	0.02	0.028
274	0	0	0	0	0	0	0
276	0	0	0	0.001	0	0	0
278	0	0.032	0	0.007	0	0.03	0
280	0.102	0.143	0.04	0.102	0.126	0.105	0.131
282	0.347	0.045	0.109	0.275	0.112	0.14	0.199
284	0.22	0.377	0.287	0.303	0.335	0.365	0.29
286	0.102	0.065	0.236	0.095	0.096	0.11	0.142
288	0.102	0.11	0.253	0.104	0.103	0.14	0.114
290	0.119	0.143	0.046	0.098	0.119	0.075	0.08
292	0	0.013	0	0.009	0.005	0.015	0.017
294	0	0.019	0	0.003	0.014	0	0
296	0	0	0	0	0	0	0

D14S68	53	58**	83	522	158	85	70
308	0	0	0	0.001	0	0	0
310	0	0.103	0	0	0.019	0	0.007
312	0	0.078	0	0	0.006	0.006	0.021
314	0	0.052	0	0.001	0.114	0.006	0
316	0.009	0	0.006	0.016	0.019	0	0.007
318	0.142	0.078	0.181	0.128	0.079	0.159	0.093
320	0.075	0.069	0.036	0.049	0.117	0.094	0.1
322	0.038	0.043	0.012	0.049	0.047	0.024	0.043
324	0.311	0.25	0.488	0.307	0.285	0.253	0.336
326	0.17	0.216	0.09	0.187	0.199	0.2	0.114
328	0.132	0.078	0.084	0.116	0.07	0.124	0.1
330	0.113	0.017	0.084	0.103	0.028	0.094	0.136
332	0.009	0.017	0.018	0.035	0.016	0.035	0.036
334	0	0	0	0.006	0	0.006	0.007
336	0	0	0	0.001	0	0	0

D5S407	58	78	88	575	225	102	89
84	0.19	0.051	0.148	0.157	0.033	0.152	0.135
86	0.026	0.045	0	0.017	0.062	0	0.017
88	0.112	0.237	0.216	0.121	0.242	0.142	0.157
90	0.043	0.045	0.011	0.035	0.024	0.025	0.017
92	0.009	0.109	0.006	0.03	0.1	0.059	0.034
94	0.095	0.071	0.006	0.096	0.062	0.049	0.045
96	0.06	0.064	0.006	0.054	0.062	0.074	0.039

98	0.103	0.128	0.176	0.158	0.129	0.093	0.18
100	0.198	0.122	0.074	0.208	0.138	0.196	0.18
102	0.155	0.026	0.176	0.098	0.042	0.137	0.079
104	0.009	0.096	0.051	0.017	0.069	0.034	0.028
106	0	0.006	0.097	0.007	0.016	0.025	0.073
108	0	0	0.034	0.003	0.016	0.015	0
110	0	0	0	0.001	0.004	0	0.017
112	0	0	0	0	0	0	0

D2S162	59	78	88	625	219	100	87
114	0	0.019	0	0	0.021	0	0
116	0	0	0.08	0.001	0.005	0.045	0.029
118	0.008	0.006	0.006	0	0.005	0	0
120	0.051	0.186	0.034	0.109	0.114	0.12	0.069
122	0	0.026	0	0.007	0.016	0.005	0
124	0	0.103	0	0.001	0.082	0.015	0.006
126	0	0.135	0	0.004	0.105	0.02	0.017
128	0.11	0.077	0.017	0.042	0.155	0.06	0.029
130	0.059	0.115	0.011	0.056	0.089	0.07	0.069
132	0.322	0.205	0.375	0.322	0.221	0.3	0.385
134	0.127	0.083	0.148	0.146	0.119	0.12	0.121
136	0.127	0.019	0.108	0.109	0.018	0.065	0.08
138	0.051	0.006	0.045	0.046	0.021	0.06	0.029
140	0.11	0.013	0.125	0.121	0.025	0.09	0.132
142	0.025	0	0.034	0.019	0.002	0.03	0.023
144	0.008	0.006	0.017	0.011	0.002	0	0.011
146	0	0	0	0.003	0	0	0
148	0	0	0	0.002	0	0	0

D10S19	59	78	88	638	227	100	89
156	0	0	0	0.001	0	0	0
158	0	0	0.006	0	0.002	0	0
160	0	0.077	0	0.002	0.046	0.005	0.017
162	0	0.019	0	0.001	0.02	0	0
164	0.068	0.019	0	0.032	0.042	0.05	0.028
166	0	0.09	0	0.002	0.031	0.015	0.006
168	0.11	0.103	0.063	0.091	0.097	0.11	0.079
170	0.144	0.154	0.17	0.158	0.218	0.19	0.197
172	0.178	0.359	0.42	0.179	0.24	0.2	0.281
174	0.381	0.032	0.256	0.411	0.17	0.36	0.337
176	0.102	0.083	0.08	0.113	0.108	0.06	0.039
178	0.008	0.013	0	0.009	0.007	0	0.011

D11S93	53	77	88	637**	221	100	89
192	0	0	0.074	0.015	0	0.02	0.028
194	0	0	0.006	0	0	0	0
196	0	0.091	0	0.001	0.084	0.015	0.006
198	0	0	0	0.001	0	0	0
200	0.292	0.13	0.097	0.296	0.199	0.235	0.275
202	0.009	0.13	0.017	0.032	0.084	0.105	0.045
204	0.066	0.506	0.273	0.101	0.376	0.155	0.169
206	0.019	0.123	0.011	0.011	0.156	0.04	0.022
208	0.16	0.013	0.045	0.077	0.032	0.07	0.051
210	0.434	0.006	0.477	0.433	0.068	0.335	0.399
212	0.009	0	0	0.031	0.002	0.025	0.006
214	0.009	0	0	0.002	0	0	0
218	0	0	0	0	0	0	0

D9S175	59	77	88	647	223	99**	88
251	0	0	0	0	0	0	0
253	0	0.006	0	0	0	0	0
255	0	0	0	0.001	0	0	0
257	0	0	0	0.001	0	0	0
259	0.008	0	0	0.007	0.002	0.01	0.006
261	0.347	0.071	0.199	0.331	0.083	0.242	0.301
263	0.127	0.045	0.432	0.146	0.052	0.172	0.267
265	0.051	0.026	0.063	0.076	0.056	0.04	0.051
267	0.153	0.097	0.085	0.138	0.209	0.146	0.097
269	0.017	0.071	0.006	0.044	0.074	0.025	0.006
271	0.025	0.221	0	0.031	0.17	0.081	0.023
273	0.025	0.117	0	0.037	0.101	0.04	0.028
275	0.059	0.149	0	0.053	0.121	0.071	0.045
277	0.076	0.091	0.011	0.043	0.034	0.051	0.04
279	0.093	0.045	0.006	0.053	0.045	0.051	0.051
281	0.017	0.019	0	0.022	0.016	0.015	0
283	0	0	0	0.007	0.004	0	0.011
285	0	0	0.006	0.009	0.009	0.005	0.006
287	0	0.006	0.193	0.002	0.009	0.045	0.063
289	0	0	0	0	0	0.005	0.006
293	0	0.006	0	0	0	0	0
295	0	0.006	0	0	0.002	0	0
297	0	0.019	0	0	0.013	0	0

D5S410	58	78	87	623	215**	99	87
323	0	0	0	0	0	0	0
325	0	0	0	0	0.002	0	0

329	0	0.019	0	0.002	0.016	0.005	0.006
331	0.121	0.019	0.017	0.1	0.047	0.066	0.08
333	0.293	0.154	0.816	0.269	0.228	0.288	0.379
335	0.138	0.628	0.103	0.082	0.481	0.237	0.132
337	0.25	0.135	0.052	0.372	0.179	0.242	0.236
339	0.034	0.026	0	0.021	0.021	0.035	0.023
341	0	0.006	0	0.011	0.007	0.015	0.006
343	0.095	0.006	0.011	0.099	0.009	0.071	0.098
345	0.034	0	0	0.021	0.002	0.025	0.011
347	0.034	0.006	0	0.016	0.005	0.015	0.029
349	0	0	0	0.001	0	0	0
351	0	0	0	0.008	0.002	0	0

D7S246	<i>45</i>	<i>61</i>	<i>70</i>	<i>335</i>	<i>170</i>	<i>74</i>	<i>68</i>
116	0	0	0	0.001	0	0	0
118	0.044	0	0	0.045	0.009	0.027	0.022
120	0.044	0.008	0.064	0.043	0.021	0.061	0.051
122	0.5	0.426	0.4	0.561	0.429	0.459	0.522
124	0.044	0.016	0.007	0.057	0.021	0.02	0.022
126	0	0.082	0	0.009	0.041	0.014	0
128	0.022	0.115	0.007	0.012	0.1	0.041	0.015
130	0.111	0.197	0.436	0.106	0.215	0.155	0.235
132	0.044	0.139	0.014	0.004	0.082	0.02	0.015
134	0.011	0.016	0.007	0.009	0.038	0.034	0.015
136	0.111	0	0.05	0.051	0.015	0.081	0.059
138	0.067	0	0	0.027	0.006	0.02	0.029
140	0	0	0.014	0.075	0.024	0.068	0.015
144	0	0	0	0	0	0	0

D16S30	<i>30</i>	<i>65^{**}</i>	<i>85</i>	<i>634</i>	<i>222</i>	<i>100</i>	<i>88</i>
151	0	0	0	0.001	0	0	0
153	0	0	0	0	0.002	0	0
155	0	0.077	0	0	0.05	0.005	0.006
157	0.017	0.123	0	0.003	0.09	0.015	0.006
159	0.05	0.015	0.012	0.016	0.034	0.025	0.023
161	0.167	0.108	0.006	0.188	0.077	0.1	0.119
163	0.167	0.431	0.6	0.267	0.428	0.43	0.511
165	0.383	0.154	0.135	0.342	0.146	0.2	0.21
166	0	0	0.041	0	0	0	0
167	0.15	0.069	0.206	0.106	0.133	0.08	0.091
169	0.05	0.008	0	0.063	0.027	0.12	0.034
171	0.017	0.015	0	0.009	0.011	0.015	0
173	0	0	0	0.006	0	0.01	0

175 0 0 0 0 0.002 0 0

D10S17	56	77**	85	626	221	101	83
183	0	0	0	0.001	0	0	0.012
185	0	0.162	0.012	0.002	0.131	0.035	0.006
187	0.098	0.123	0.141	0.149	0.084	0.193	0.169
189	0.232	0.279	0.006	0.149	0.217	0.129	0.127
191	0.018	0.084	0.018	0.011	0.054	0.03	0.018
193	0.027	0.182	0.488	0.075	0.174	0.134	0.235
195	0.045	0.058	0.006	0.04	0.109	0.045	0.018
197	0.527	0.091	0.312	0.526	0.163	0.386	0.373
199	0.054	0.019	0.018	0.046	0.068	0.05	0.042
203	0	0	0	0.002	0	0	0

D15S10	59	77	88	630	215	97	88
208	0.034	0	0	0.026	0	0.015	0.034
210	0.398	0.104	0.244	0.361	0.133	0.247	0.318
212	0.144	0.078	0.193	0.101	0.056	0.062	0.114
214	0.034	0.013	0.017	0.01	0.037	0.005	0.006
216	0	0.065	0	0.001	0.065	0.015	0
218	0	0.299	0	0.01	0.27	0.082	0.045
220	0.025	0.136	0.006	0.02	0.079	0.021	0.028
222	0.22	0.065	0.04	0.274	0.091	0.237	0.136
224	0.119	0.143	0.136	0.135	0.172	0.165	0.182
226	0.008	0.045	0.33	0.032	0.044	0.103	0.108
228	0.008	0.032	0.011	0.02	0.03	0.026	0.023
230	0.008	0.006	0.023	0.011	0.009	0.01	0.006
232	0	0	0	0	0.002	0.01	0
234	0	0.013	0	0	0.002	0	0
236	0	0	0	0	0.009	0	0

D6S161	59	77	88	642	219	100	89
267	0	0	0	0	0.002	0	0
269	0	0.039	0	0	0.046	0.005	0
271	0	0	0	0	0.002	0	0
273	0	0	0	0.002	0.002	0	0
275	0.025	0.019	0.097	0.051	0.032	0.04	0.084
277	0.178	0.214	0.023	0.199	0.164	0.15	0.124
279	0.093	0.279	0.188	0.104	0.263	0.17	0.18
281	0.229	0.091	0.091	0.252	0.094	0.275	0.191
283	0.153	0.045	0.034	0.123	0.066	0.1	0.062
284	0	0.013	0	0	0	0	0

285	0.254	0.091	0.307	0.203	0.153	0.17	0.202
286	0	0.006	0	0	0	0	0
287	0.068	0.026	0.25	0.048	0.068	0.05	0.107
289	0	0.026	0.011	0.004	0.039	0.015	0.028
291	0	0.084	0	0.008	0.025	0.005	0.011
293	0	0.045	0	0.002	0.039	0.015	0.011
295	0	0.006	0	0.004	0.005	0.005	0
297	0	0.013	0	0	0	0	0
<hr/>							
D1S262	<i>58</i>	<i>78</i>	<i>86</i>	<i>624</i>	<i>210</i>	<i>102</i>	<i>87</i>
337	0.009	0.006	0.012	0.007	0	0	0.011
339	0.319	0.083	0	0.286	0.138	0.343	0.259
341	0.026	0.16	0.134	0.024	0.1	0.049	0.063
343	0.483	0.096	0.57	0.479	0.193	0.328	0.46
345	0.043	0.244	0.023	0.073	0.236	0.103	0.069
347	0.121	0.327	0.238	0.128	0.281	0.152	0.132
349	0	0.077	0.023	0.002	0.05	0.02	0
351	0	0.006	0	0.001	0.002	0	0.006
353	0	0	0	0	0	0.005	0
<hr/>							
D12S35	<i>57</i>	<i>69</i>	<i>87</i>	<i>627</i>	<i>214</i>	<i>101</i>	<i>88</i>
145	0	0	0	0.001	0	0	0
147	0	0.029	0	0	0.016	0.01	0.006
149	0	0.007	0	0	0	0	0
151	0.009	0	0.023	0.049	0.009	0.035	0.04
153	0	0	0.006	0.001	0	0	0.006
155	0	0.007	0.011	0.004	0.002	0.005	0.006
157	0.053	0.058	0.287	0.088	0.082	0.054	0.125
159	0.061	0.072	0.362	0.051	0.091	0.119	0.136
161	0.114	0.246	0.023	0.126	0.301	0.104	0.091
163	0.518	0.413	0.121	0.477	0.364	0.465	0.364
165	0.228	0.058	0.08	0.186	0.079	0.188	0.159
167	0.009	0.08	0.069	0.014	0.042	0.005	0.051
169	0.009	0.022	0.017	0.005	0.012	0.015	0.017
171	0	0	0	0	0	0	0
173	0	0	0	0	0	0	0
175	0	0.007	0	0	0	0	0
<hr/>							
FY	<i>56</i>	<i>73</i>	<i>80</i>	<i>568**</i>	<i>209</i>	<i>65</i>	<i>0</i>
1	0.982	0.014	0.994	0.993	0.17	0.762	NA
2	0.018	0.986	0.006	0.007	0.83	0.238	NA

Supp. Table S2. Measures of marker informativeness (I_n)

Locus	I_n
FY	0.571897
D9S175	0.365847
D11S935	0.344402
D15S1002	0.335369
D7S640	0.334067
D17S799	0.330229
D7S657	0.318761
D5S410	0.294771
D10S1786	0.278429
D1S2628	0.255765
D2S162	0.250268
D12S352	0.239695
D6S1610	0.235412
D13S317	0.224106
D16S3017	0.222624
D8S272	0.221014
D7S2469	0.196841
D8S1827	0.194982
D19S433	0.192089
TH01	0.191519
D5S407	0.187162
D10S197	0.184698
D2S1338	0.163459
D5S818	0.142387
TPOX	0.141501
D22S274	0.140814
D14S68	0.140542
D7S820	0.128379
D21S11	0.118183
D1S196	0.107297
FGA	0.105178
D18S51	0.0994379
D3S1358	0.0931608
CSF1PO	0.09099
D8S1179	0.0903916
vWA	0.0845733
D16S539	0.0698149

I_n values were calculated using the Infocalc program written by Dr. Noah Rosenberg. All three ancestral populations were used in the same model to calculate I_n values. Markers are ordered from most informative (i.e. highest I_n values) to least informative. As expected FY, which is a marker of African ancestry and is nearly fixed in African ancestral populations has the highest I_n value in this panel.