

Table S2. Primers used for quantitative reverse transcriptase-PCR analysis

Gene (Rv No.)	Primer*	Primer sequence 5' → 3'
<i>16S rRNA/rrs</i>	<i>16S rRNA</i> F <i>16S rRNA</i> R	ATGACGGCCTTCGGGTTGTAA CGGCTGCTGGCACGTAGTTG
<i>devR</i> (Rv3133c)	<i>devR</i> f4 <i>devR</i> r3	CCGATCTGCGCTGTCTGATC GTCCAGCGCCCACATCTTT
<i>devS</i> (Rv3132c)	<i>devSint1</i> F <i>devSint1</i> R	TACTGACCGACCGGGATCGT AGAGCCGCTGGATGACATGG
<i>Rv3134c</i>	<i>Rv3134c</i> F <i>Rv3134c</i> R	CTGGCTGGGTCGGCCTTA GCTGACCTGGGAGGTTGTCCG
<i>hspX</i> (Rv2031c)	<i>Rv2031c</i> F <i>Rv2031c</i> R	CGCACCGAGCAGAAGGA ACCGTGCGAACGAAGGAA
<i>fdxA</i> (Rv2007c)	<i>fdxA</i> F <i>fdxA</i> R	TGTCCGGTCGACTGTATCTATGA GGCAGGCCGGTTTGC
<i>icl</i> (Rv0467)	<i>icl</i> F <i>icl</i> R	GGACCAGATGCTGGCCTA CTGCCAGCTCCTTCTGGA
<i>espA</i> (Rv3616c)	<i>Rv3616c</i> F <i>Rv3616c</i> R	CCTCGGAGAAGTGTGGGAGT CGAGAGAACAGTCCGGTCAC
<i>mymA</i> (Rv3083)	<i>Rv3083</i> F <i>Rv3083</i> R	CGATCCCCGTCGTACATC ACTCGTAGACCCAGCGATCC
<i>fadD13</i> (Rv3089)	<i>Rv3089</i> F <i>Rv3089</i> R	GCCCCGACTTCCGCTACTT CGTAACCCTGCACGACCT
<i>ahpC</i> (Rv2428)	<i>ahpC</i> F <i>ahpC</i> R	CCGGCGACTACTTCACCA TCGGTAGGGCACACGAAC
<i>furA</i> (Rv1909c)	<i>furA</i> F <i>furA</i> R	GCCGATGTCGACTGTGCT GTAGATGACCTCCGCCTCGT
<i>katG</i> (Rv1908c)	<i>katG</i> F <i>katG</i> R	CCTCCGAGTCACTGACCAAC GGTAGGTCCCCTCATCTGCT
<i>glbN</i> (Rv1542c)	<i>Rv1542c</i> F <i>Rv1542c</i> R	GCCCTCCGAAACGATCAC TCAGACTGGTGCCGTGGT
<i>dosT</i> (Rv2027c)	<i>Rv2027c</i> F <i>Rv2027c</i> R	CGACCTGGTCATCGTAGAGG AAGACTCCCCCGATCGAC
<i>Rv1771</i>	<i>Rv1771</i> F <i>Rv1771</i> R	GGGGAAGTGCTCAGTCTGTC GAACCGTCTGCAGGGTGA

*F and R suffix in each primer name refer to forward and reverse primer, respectively.