

## Supplemental Material

<b>Table 1S. Binding to bilayers versus monolayers</b>	
<b>Peptides</b>	<b><math>K_{\text{bilayer}}/K_{\text{monolayer}}</math></b>
gH626-644	0.9
gH625-644	0.7
Melittin	36
gp41-FP	0.8

**Table 2S. Relevant NOESY (150 ms)-derived distances (Å), as obtained by CALIBA module of CYANA, for gH617-644 in TFE/H<sub>2</sub>O (80/20 v/v).**

<b>Intraresidue</b>				
E <sup>618</sup>	HA	E <sup>618</sup>	HB2	3.30
E <sup>618</sup>	HA	E <sup>618</sup>	HB3	3.36
E <sup>618</sup>	HN	E <sup>618</sup>	HA	3.64
E <sup>618</sup>	HN	E <sup>618</sup>	HB2	3.73
E <sup>618</sup>	HN	E <sup>618</sup>	HB3	3.17
V <sup>619</sup>	HA	V <sup>619</sup>	HB	3.30
V <sup>619</sup>	HN	V <sup>619</sup>	HA	3.08
V <sup>619</sup>	HN	V <sup>619</sup>	HB	3.11
L <sup>620</sup>	HA	L <sup>620</sup>	OB	3.99
L <sup>620</sup>	HN	L <sup>620</sup>	HA	3.08
L <sup>620</sup>	HN	L <sup>620</sup>	OB	3.93
A <sup>621</sup>	HN	A <sup>621</sup>	HA	3.05
O <sup>622</sup>	HN	O <sup>622</sup>	HA	2.93
O <sup>622</sup>	HN	O <sup>622</sup>	OB	3.96
O <sup>623</sup>	HN	O <sup>623</sup>	HA	3.14
O <sup>623</sup>	HN	O <sup>623</sup>	OB	4.58
T <sup>624</sup>	HA	T <sup>624</sup>	HB	3.61
T <sup>624</sup>	HN	T <sup>624</sup>	HA	2.74
T <sup>624</sup>	HN	T <sup>624</sup>	HB	2.83
H <sup>625</sup>	HA	H <sup>625</sup>	HD2	5.50
H <sup>625</sup>	HA	H <sup>625</sup>	OB	3.71
H <sup>625</sup>	HN	H <sup>625</sup>	HA	3.02
H <sup>625</sup>	HN	H <sup>625</sup>	OB	3.83
G <sup>626</sup>	HN	G <sup>626</sup>	HA1	2.60
G <sup>626</sup>	HN	G <sup>626</sup>	HA2	2.80
L <sup>627</sup>	HA	L <sup>627</sup>	OB	4.14
L <sup>627</sup>	HN	L <sup>627</sup>	HA	3.14
L <sup>627</sup>	HN	L <sup>627</sup>	HG	5.50
L <sup>627</sup>	HN	L <sup>627</sup>	OB	4.42
A <sup>628</sup>	HA	A <sup>628</sup>	OB	5.72
A <sup>628</sup>	HN	A <sup>628</sup>	HA	2.96
S <sup>629</sup>	HA	S <sup>629</sup>	HB2	2.74
S <sup>629</sup>	HA	S <sup>629</sup>	HB3	3.08
S <sup>629</sup>	HN	S <sup>629</sup>	HA	3.02
S <sup>629</sup>	HN	S <sup>629</sup>	HB2	2.65
S <sup>629</sup>	HN	S <sup>629</sup>	HB3	2.98
T <sup>630</sup>	HA	T <sup>630</sup>	HB	3.02
T <sup>630</sup>	HN	T <sup>630</sup>	HA	3.05
T <sup>630</sup>	HN	T <sup>630</sup>	HB	2.96
L <sup>631</sup>	HA	L <sup>631</sup>	HG	5.50
L <sup>631</sup>	HA	L <sup>631</sup>	OB	4.30
L <sup>631</sup>	HN	L <sup>631</sup>	HA	3.02
L <sup>631</sup>	HN	L <sup>631</sup>	HG	5.50
L <sup>631</sup>	HN	L <sup>631</sup>	OB	4.39
T <sup>632</sup>	HA	T <sup>632</sup>	HB	3.45
T <sup>632</sup>	HN	T <sup>632</sup>	HA	2.77
T <sup>632</sup>	HN	T <sup>632</sup>	HB	3.02
R <sup>633</sup>	HA	R <sup>633</sup>	HB2	3.17
R <sup>633</sup>	HA	R <sup>633</sup>	HB3	3.17
R <sup>633</sup>	HB3	R <sup>633</sup>	HE	5.50
R <sup>633</sup>	HG2	R <sup>633</sup>	HE	5.50
R <sup>633</sup>	HG3	R <sup>633</sup>	HE	5.50
R <sup>633</sup>	HN	R <sup>633</sup>	HA	3.27
R <sup>633</sup>	HN	R <sup>633</sup>	HB2	3.08
R <sup>633</sup>	HN	R <sup>633</sup>	HB3	3.14
R <sup>633</sup>	HN	R <sup>633</sup>	HG2	5.50
W <sup>634</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HB2	2.86
W <sup>634</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HB3	2.74
W <sup>634</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HD1	5.50
W <sup>634</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HE3	5.50
W <sup>634</sup>	HB2	W <sup>634</sup>	HD1	5.50
W <sup>634</sup>	HB2	W <sup>634</sup>	HE3	5.50
W <sup>634</sup>	HB3	W <sup>634</sup>	HD1	5.50
W <sup>634</sup>	HB3	W <sup>634</sup>	HE3	5.50
W <sup>634</sup>	HN	W <sup>634</sup>	HA	2.99
W <sup>634</sup>	HN	W <sup>634</sup>	HB2	2.99
W <sup>634</sup>	HN	W <sup>634</sup>	HB3	2.86
W <sup>634</sup>	HB3	W <sup>634</sup>	HB2	3.98
A <sup>635</sup>	HN	A <sup>635</sup>	HA	3.11
H <sup>636</sup>	HA	H <sup>636</sup>	HD2	5.50
H <sup>636</sup>	HA	H <sup>636</sup>	OB	3.87
H <sup>636</sup>	HN	H <sup>636</sup>	HA	2.99
H <sup>636</sup>	HN	H <sup>636</sup>	OB	3.87
Y <sup>637</sup>	HA	Y <sup>637</sup>	HB2	2.71

Y <sup>637</sup>	HA	Y <sup>637</sup>	HB3	2.74
Y <sup>637</sup>	HN	Y <sup>637</sup>	HA	2.80
Y <sup>637</sup>	HN	Y <sup>637</sup>	HB2	3.05
Y <sup>637</sup>	HN	Y <sup>637</sup>	HB3	3.11
N <sup>638</sup>	HA	N <sup>638</sup>	HB2	2.86
N <sup>638</sup>	HA	N <sup>638</sup>	HB3	2.99
N <sup>638</sup>	HA	N <sup>638</sup>	HD22	5.50
N <sup>638</sup>	HB2	N <sup>638</sup>	HD21	5.50
N <sup>638</sup>	HB2	N <sup>638</sup>	HD22	5.50
N <sup>638</sup>	HB3	N <sup>638</sup>	HD22	5.50
N <sup>638</sup>	HD21	N <sup>638</sup>	HD22	4.23
N <sup>638</sup>	HN	N <sup>638</sup>	HA	3.05
N <sup>638</sup>	HN	N <sup>638</sup>	HB2	2.80
N <sup>638</sup>	HN	N <sup>638</sup>	HB3	3.08
A <sup>639</sup>	HN	A <sup>639</sup>	HA	2.77
L <sup>640</sup>	HA	L <sup>640</sup>	HG	5.07
L <sup>640</sup>	HA	L <sup>640</sup>	OB	3.87
L <sup>640</sup>	HN	L <sup>640</sup>	HA	2.80
L <sup>640</sup>	HN	L <sup>640</sup>	HG	5.50
L <sup>640</sup>	HN	L <sup>640</sup>	OB	3.99
I <sup>641</sup>	HN	I <sup>641</sup>	HA	3.05
I <sup>641</sup>	HN	I <sup>641</sup>	HB	2.86
R <sup>642</sup>	HG2	R <sup>642</sup>	HE	5.50
R <sup>642</sup>	HG3	R <sup>642</sup>	HE	5.50
R <sup>642</sup>	HN	R <sup>642</sup>	HA	3.24
R <sup>642</sup>	HN	R <sup>642</sup>	HG2	5.50
R <sup>642</sup>	HN	R <sup>642</sup>	HG3	5.50
R <sup>642</sup>	HN	R <sup>642</sup>	OB	4.83
A <sup>643</sup>	HN	A <sup>643</sup>	HA	2.86

### Inter-residue

V <sup>617</sup>	HA	E <sup>618</sup>	HN	3.42
E <sup>618</sup>	HA	V <sup>619</sup>	HN	2.77
E <sup>618</sup>	HA	A <sup>621</sup>	OB	6.53
V <sup>619</sup>	HA	I <sup>620</sup>	HN	3.14
V <sup>619</sup>	HB	L <sup>620</sup>	HN	3.55
L <sup>620</sup>	HA	A <sup>621</sup>	HN	3.30
L <sup>620</sup>	HA	O <sup>623</sup>	HN	4.17
L <sup>620</sup>	OB	A <sup>621</sup>	HN	4.27
A <sup>621</sup>	HN	O <sup>622</sup>	HN	3.76
O <sup>622</sup>	HA	H <sup>625</sup>	OB	3.96
O <sup>622</sup>	HA	O <sup>623</sup>	HN	3.70
O <sup>622</sup>	HN	O <sup>623</sup>	HN	3.36
O <sup>622</sup>	OB	T <sup>624</sup>	HN	5.04
O <sup>623</sup>	HN	T <sup>624</sup>	HN	3.61
O <sup>623</sup>	OB	T <sup>624</sup>	HN	5.07
T <sup>624</sup>	HA	L <sup>627</sup>	OB	4.27
H <sup>625</sup>	HA	G <sup>626</sup>	HN	3.55
H <sup>625</sup>	HA	A <sup>628</sup>	HN	3.50
H <sup>625</sup>	HN	G <sup>626</sup>	HN	2.90
H <sup>625</sup>	OB	G <sup>626</sup>	HN	4.70
G <sup>626</sup>	HA1	L <sup>627</sup>	HN	3.47
G <sup>626</sup>	HA1	S <sup>629</sup>	HN	3.71
G <sup>626</sup>	HN	I <sup>627</sup>	HN	3.04
L <sup>627</sup>	HA	A <sup>628</sup>	HN	3.70
L <sup>627</sup>	HA	T <sup>630</sup>	HB	4.01
L <sup>627</sup>	HA	T <sup>630</sup>	HN	3.57
L <sup>627</sup>	HA	I <sup>631</sup>	HN	4.91
L <sup>627</sup>	HG	A <sup>628</sup>	HN	5.50
L <sup>627</sup>	HN	A <sup>628</sup>	HN	3.01
L <sup>627</sup>	OB	A <sup>628</sup>	HN	4.70
A <sup>628</sup>	HA	S <sup>629</sup>	HN	3.90
A <sup>628</sup>	HA	I <sup>631</sup>	HN	3.73
A <sup>628</sup>	HA	L <sup>631</sup>	OB	4.18
A <sup>628</sup>	HN	S <sup>629</sup>	HN	3.07
S <sup>629</sup>	HA	T <sup>630</sup>	HN	3.58
S <sup>629</sup>	HA	R <sup>633</sup>	HN	4.17
S <sup>629</sup>	HN	T <sup>630</sup>	HN	3.03
T <sup>630</sup>	HA	L <sup>631</sup>	HN	4.50
T <sup>630</sup>	HA	R <sup>633</sup>	HB2	3.36
T <sup>630</sup>	HA	R <sup>633</sup>	HB3	3.39
T <sup>630</sup>	HA	R <sup>633</sup>	HN	3.42
T <sup>630</sup>	HB	I <sup>631</sup>	HN	3.21
T <sup>630</sup>	HN	L <sup>631</sup>	HN	3.46
L <sup>631</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HB2	2.80
L <sup>631</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HB3	2.90
L <sup>631</sup>	HA	A <sup>635</sup>	HN	4.69
L <sup>631</sup>	HG	T <sup>632</sup>	HN	5.50
L <sup>631</sup>	HN	T <sup>632</sup>	HN	2.90
L <sup>631</sup>	OB	T <sup>632</sup>	HN	4.61
T <sup>632</sup>	HA	A <sup>635</sup>	HN	4.01
T <sup>632</sup>	HB	R <sup>633</sup>	HN	3.24
T <sup>632</sup>	HN	R <sup>633</sup>	HN	3.64

R <sup>633</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HN	3.42
R <sup>633</sup>	HA	H <sup>636</sup>	OB	4.24
R <sup>633</sup>	HB2	W <sup>634</sup>	HN	3.64
R <sup>633</sup>	HB3	W <sup>634</sup>	HN	3.55
R <sup>633</sup>	HN	W <sup>634</sup>	HN	4.23
W <sup>634</sup>	HA	A <sup>635</sup>	HN	4.79
W <sup>634</sup>	HA	Y <sup>637</sup>	HB2	3.14
W <sup>634</sup>	HA	Y <sup>637</sup>	HB3	3.08
W <sup>634</sup>	HB2	A <sup>635</sup>	HN	3.55
W <sup>634</sup>	HB3	A <sup>635</sup>	HN	4.14
W <sup>634</sup>	HD1	A <sup>635</sup>	HA	5.50
W <sup>634</sup>	HN	A <sup>635</sup>	HN	3.70
A <sup>635</sup>	HA	H <sup>636</sup>	HN	3.70
A <sup>635</sup>	HA	N <sup>638</sup>	HB2	3.42
A <sup>635</sup>	HA	N <sup>638</sup>	HB3	3.45
A <sup>635</sup>	HA	N <sup>638</sup>	HN	3.36
A <sup>635</sup>	HN	H <sup>636</sup>	HN	3.09
H <sup>636</sup>	HN	Y <sup>637</sup>	HN	3.30
H <sup>636</sup>	OB	Y <sup>637</sup>	HN	4.58
Y <sup>637</sup>	HA	N <sup>638</sup>	HN	3.48
Y <sup>637</sup>	HA	I <sup>640</sup>	HN	3.39
Y <sup>637</sup>	HB2	N <sup>638</sup>	HN	3.55
Y <sup>637</sup>	HB3	N <sup>638</sup>	HN	3.33
Y <sup>637</sup>	HN	N <sup>638</sup>	HN	4.23
N <sup>638</sup>	HA	J <sup>641</sup>	HN	3.42
N <sup>638</sup>	HA	R <sup>642</sup>	HN	4.43
N <sup>638</sup>	HB2	A <sup>639</sup>	HN	3.58
N <sup>638</sup>	HB3	A <sup>639</sup>	HN	3.92
N <sup>638</sup>	HN	A <sup>639</sup>	HN	2.92
A <sup>639</sup>	HN	I <sup>640</sup>	HN	2.91
L <sup>640</sup>	HG	I <sup>641</sup>	HN	5.50
I <sup>641</sup>	HA	R <sup>642</sup>	HN	2.86
I <sup>641</sup>	HG13	R <sup>642</sup>	HN	5.50
I <sup>641</sup>	HN	R <sup>642</sup>	HN	3.47
R <sup>642</sup>	HN	A <sup>643</sup>	HN	3.95

**Table 3S. Relevant NOESY (150 ms)-  
derived distances (Å), as obtained by  
CALIBA module of CYANA, for gH626-639  
in TFE/H<sub>2</sub>O (80/20 v/v).**

<b>Intraresidue</b>				
L <sup>627</sup>	HN	L <sup>627</sup>	HA	2.40
L <sup>627</sup>	HN	L <sup>627</sup>	QB	4.33
L <sup>627</sup>	HA	L <sup>627</sup>	QB	3.96
A <sup>628</sup>	HN	A <sup>628</sup>	HA	3.30
S <sup>629</sup>	HA	S <sup>629</sup>	HB2	3.08
S <sup>629</sup>	HN	S <sup>629</sup>	HA	3.21
S <sup>629</sup>	HN	S <sup>629</sup>	HB2	3.42
S <sup>629</sup>	HN	S <sup>629</sup>	HB3	3.55
S <sup>629</sup>	HA	S <sup>629</sup>	HB3	3.73
T <sup>630</sup>	HN	T <sup>630</sup>	HA	3.11
T <sup>630</sup>	HN	T <sup>630</sup>	HB	2.96
T <sup>630</sup>	HN	T <sup>630</sup>	QG2	4.76
T <sup>630</sup>	HA	T <sup>630</sup>	HB	3.52
L <sup>631</sup>	HN	L <sup>631</sup>	HA	3.08
L <sup>631</sup>	HN	L <sup>631</sup>	HG	5.50
L <sup>631</sup>	HN	L <sup>631</sup>	QB	4.02
L <sup>631</sup>	HA	L <sup>631</sup>	QB	4.58
T <sup>632</sup>	HA	T <sup>632</sup>	HB	3.33
T <sup>632</sup>	HN	T <sup>632</sup>	HA	3.21
T <sup>632</sup>	HN	T <sup>632</sup>	HB	3.05
R <sup>633</sup>	HA	R <sup>633</sup>	HG2	5.50
R <sup>633</sup>	HA	R <sup>633</sup>	HG3	5.50
R <sup>633</sup>	HA	R <sup>633</sup>	QG	3.80
R <sup>633</sup>	HN	R <sup>633</sup>	HA	2.90
R <sup>633</sup>	HN	R <sup>633</sup>	HG2	5.50
R <sup>633</sup>	HN	R <sup>633</sup>	QB	3.99
W <sup>634</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HB2	3.02
W <sup>634</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HB3	2.40
W <sup>634</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HD1	5.50
W <sup>634</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HE3	5.50
W <sup>634</sup>	HB2	W <sup>634</sup>	HD1	5.50
W <sup>634</sup>	HB3	W <sup>634</sup>	HD1	5.50
W <sup>634</sup>	HB3	W <sup>634</sup>	HE3	5.50
W <sup>634</sup>	HD1	W <sup>634</sup>	HE1	5.50
W <sup>634</sup>	HH2	W <sup>634</sup>	HZ2	5.50
W <sup>634</sup>	HZ3	W <sup>634</sup>	HZ2	5.50
W <sup>634</sup>	HH2	W <sup>634</sup>	HE3	5.50
W <sup>634</sup>	HZ3	W <sup>634</sup>	HE3	5.50
W <sup>634</sup>	HZ2	W <sup>634</sup>	HE1	5.50
W <sup>634</sup>	HB2	W <sup>634</sup>	HE3	5.50
W <sup>634</sup>	HZ3	W <sup>634</sup>	HH2	5.50
W <sup>634</sup>	HN	W <sup>634</sup>	HA	3.24
W <sup>634</sup>	HN	W <sup>634</sup>	HB2	3.14
W <sup>634</sup>	HN	W <sup>634</sup>	HB3	3.02
A <sup>635</sup>	HN	A <sup>635</sup>	HA	3.30
H <sup>636</sup>	HA	H <sup>636</sup>	HB2	3.17
H <sup>636</sup>	HA	H <sup>636</sup>	HD2	5.50
H <sup>636</sup>	HB2	H <sup>636</sup>	HD2	5.50
H <sup>636</sup>	HB3	H <sup>636</sup>	HD2	5.50
H <sup>636</sup>	HB3	H <sup>636</sup>	HB2	5.44
H <sup>636</sup>	HN	H <sup>636</sup>	HA	2.80
H <sup>636</sup>	HN	H <sup>636</sup>	HB2	3.52

H <sup>636</sup>	HN	H <sup>636</sup>	HB3	3.05
Y <sup>637</sup>	HA	Y <sup>637</sup>	HB2	3.27
Y <sup>637</sup>	HN	Y <sup>637</sup>	HA	2.90
Y <sup>637</sup>	HN	Y <sup>637</sup>	HB2	3.27
Y <sup>637</sup>	HN	Y <sup>637</sup>	HB3	3.17
N <sup>638</sup>	HN	N <sup>638</sup>	HB2	4.07
N <sup>638</sup>	HN	N <sup>638</sup>	HB3	3.52
N <sup>638</sup>	HA	N <sup>638</sup>	HB3	3.58
N <sup>638</sup>	HB3	N <sup>638</sup>	HD21	5.50
N <sup>638</sup>	HB2	N <sup>638</sup>	HB3	3.24
N <sup>638</sup>	HD22	N <sup>638</sup>	HD21	5.50
A <sup>639</sup>	HN	A <sup>639</sup>	HA	3.64

Interesidue

G626	HA1	L <sup>627</sup>	HN	2.40
G626	HA2	L <sup>627</sup>	HN	3.27
L <sup>627</sup>	QB	A <sup>628</sup>	HN	4.52
L <sup>627</sup>	HA	A <sup>628</sup>	HN	3.73
A <sup>628</sup>	HA	S <sup>629</sup>	HN	3.92
A <sup>628</sup>	HA	L <sup>631</sup>	HN	4.32
A <sup>628</sup>	HA	L <sup>631</sup>	QB	5.29
A <sup>628</sup>	HN	S <sup>629</sup>	HN	3.75
S <sup>629</sup>	HA	T <sup>630</sup>	HN	3.48
S <sup>629</sup>	HA	T <sup>632</sup>	HN	3.66
S <sup>629</sup>	HN	T <sup>630</sup>	HN	3.33
T <sup>630</sup>	HA	L <sup>631</sup>	HN	3.95
T <sup>630</sup>	HB	L <sup>631</sup>	HN	3.14
T <sup>630</sup>	HN	L <sup>631</sup>	HN	3.45
L <sup>631</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HB2	2.42
L <sup>631</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HB3	2.45
L <sup>631</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HN	3.50
L <sup>631</sup>	HN	T <sup>632</sup>	HN	2.80
L <sup>631</sup>	QB	T <sup>632</sup>	HN	5.17
T <sup>632</sup>	HA	A <sup>635</sup>	HN	4.11
T <sup>632</sup>	HB	R <sup>633</sup>	HN	3.33
R <sup>633</sup>	HA	A <sup>635</sup>	HN	3.98
R <sup>633</sup>	HA	H <sup>636</sup>	HB2	3.55
R <sup>633</sup>	HA	H <sup>636</sup>	HB3	4.07
R <sup>633</sup>	HA	W <sup>634</sup>	HN	3.83
R <sup>633</sup>	HN	W <sup>634</sup>	HN	3.27
R <sup>633</sup>	QB	W <sup>634</sup>	HN	4.52
W <sup>634</sup>	HB2	A <sup>635</sup>	HN	3.58
W <sup>634</sup>	HB3	A <sup>635</sup>	HN	4.01
W <sup>634</sup>	HE3	A <sup>635</sup>	HA	5.50
W <sup>634</sup>	HN	A <sup>635</sup>	HN	3.17
W <sup>634</sup>	HA	A <sup>635</sup>	HN	4.11
A <sup>635</sup>	HA	H <sup>636</sup>	HN	3.33
A <sup>635</sup>	HN	H <sup>636</sup>	HN	2.90
H <sup>636</sup>	HB2	Y <sup>637</sup>	HN	3.79
H <sup>636</sup>	HB3	Y <sup>637</sup>	HN	3.58
Y <sup>637</sup>	HB3	N <sup>638</sup>	HN	3.70
N <sup>638</sup>	HA	A <sup>639</sup>	HN	3.89

**Table 4S. Backbone dihedral angles (°) for gH617-644 and gH626-639 averaged over the 20 NMR minimized structures.**

AA	gH617-644		gH626-639	
	$\phi$	$\psi$	$\phi$	$\psi$
V617		124+/-53		
E618	-100+/-85	99+/-37		
V619	-93+/-40	170+/-19		
L620	33+/-71	76+/-45		
A621	-118+/-73	-22+/-61		
Q622	-96+/-78	-28+/-57		
Q623	-25+/-76	17+/-61		
T624	4+/-51	1+/-56		
H625	-69+/-44	-34+/-6		
G626	-51+/-4	-51+/-8	-	170+/-31
L627	-60+/-12	-42+/-6	61+/-10	70+/-31
A628	-58+/-3	-53+/-4	-158+/-87	41+/-56
S629	-54+/-2	-45+/-1	-88+/-34	0+/-26
T630	-53+/-2	-61+/-1	-79+/-34	-53+/-5
L631	-52+/-2	-48+/-2	-66+/-7	-30+/-9
T632	-55+/-1	-48+/-2	-59+/-10	-54+/-11
R633	-63+/-2	-30+/-2	-70+/-9	-29+/-9
W634	-80+/-3	-43+/-6	-42+/-8	-48+/-3
A635	-54+/-6	-48+/-2	-129+/-15	53+/-14
H636	-58+/-3	-42+/-3	-54+/-7	-106+/-63
Y637	-66+/-2	-27+/-4	-38+/-74	123+/-52
N638	-67+/-8	-44+/-11	-82+/-74	128+/-83
A639	-49+/-6	-44+/-8	-121+/-86	
L640	-62+/-11	-54+/-19		
I641	-111+/-86	68+/-23		
R642	-78+/-65	24+/-65		
A643	-98+/-89	157+/-79		
F644	-80+/-101			