

<b>CD38 expression</b>				
<b>miRNA probe set</b>	<b>CD38 negative</b>	<b>CD38 positive</b>	<b>fold change</b>	<b>p value</b>
HS_35	1378,85	1917,27	1,39	0,039384
hsa-miR-338	983,74	3045,47	3,1	0,027464
hsa-miR-660	2170,12	1613,13	-1,35	0,000541 *
hsa-miR-146b	6635,09	4242	-1,56	0,00488
hsa-miR-625	9003,65	6331	-1,42	0,002569
hsa-miR-142-5p	13880,79	19325,93	1,39	0,027964
<b>IgVH-status</b>				
<b>miRNA probe set</b>	<b>mutated</b>	<b>unmutated</b>	<b>fold change</b>	<b>p value</b>
hsa-miR-500	1580,68	1049,8	-1,51	0,008381
hsa-miR-339	3494,32	2753,1	-1,27	0,046389
hsa-miR-132	3995,74	5288,2	1,32	0,01786
hsa-miR-146b	6358,26	3031,5	-2,1	0,000042 *
hsa-miR-342	11967,53	9794,6	-1,22	0,005164
<b>ZAP70-expression</b>				
<b>miRNA probe set</b>	<b>ZAP70 negative</b>	<b>ZAP70 positive</b>	<b>fold change</b>	<b>p value</b>
hsa-miR-363	1606,71	2415,68	1,5	0,008557
hsa-miR-20b	1646,57	2872,79	1,74	0,001869
hsa-miR-17-5p	2573,38	3228,96	1,25	0,012763
hsa-miR-17-3p	3054,1	3727,54	1,22	0,013718
hsa-miR-18a	3883,57	4720,46	1,22	0,049749

\* significant after Bonferroni's correction for multiple testing