

Supplementary Table 1. Analysis of tumor antigen gene expression by QPCR.

Gene	SKIN	ESO.	LUNG	DDM1.7	DDM1.7 +5aza	ESO. Tumor	TESTIS
MAGEA1 (CT1.1)	N.P.	N.P.	N.P.	2.00E-03	2.66E-03	1.07E-02	4.95E-03
MAGEA2 (CT1.2)	N.P.	N.P.	N.P.	9.67E-03	8.28E-03	9.55E-03	7.79E-03
MAGEA3 (CT1.3)	N.P.	N.P.	N.P.	7.91E-02	5.56E-02	4.94E-02	3.44E-02
MAGEA4 (CT1.4)	4.78E-05	1.29E-05	6.62E-05	4.09E-05	5.23E-04	2.27E-02	3.67E-02
MAGEA6 (CT1.6)	N.P.	N.P.	N.P.	2.21E-02	2.19E-02	4.37E-02	3.77E-02
MAGEA9 (CT1.9)	N.P.	N.P.	1.02E-05	2.39E-06	4.01E-04	1.95E-02	1.35E-02
MAGEA10 (CT1.10)	N.P.	N.P.	N.P.	2.17E-05	3.07E-04	1.29E-02	5.55E-03
MAGEA12 (CT1.12)	N.P.	N.P.	N.P.	3.04E-02	2.35E-02	1.96E-02	7.44E-03
MAGEB (CT3)	1.57E-05	2.86E-06	9.17E-06	2.05E-03	3.91E-03	1.55E-02	6.99E-02
MAGEB1 (CT3.1)	N.P.	N.P.	N.P.	7.19E-06	2.94E-04	7.12E-05	3.85E-02
MAGEB2 (CT3.2)	5.12E-06	N.P.	N.P.	3.72E-03	6.45E-03	3.17E-02	1.01E-01
MAGEB3 (CT3.?)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	1.71E-05	4.31E-05	9.93E-03
MAGEB4 (CT3.?)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	3.30E-03
MAGEB6 (CT3.4)	N.P.	N.P.	N.P.	5.41E-06	1.72E-04	1.30E-04	4.42E-03
MAGEB18 (CT3.?)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	4.25E-05	N.P.	2.57E-03
MAGEC1 (CT7.1)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	1.30E-03	3.99E-03	2.58E-02
MAGEC2 (CT10)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	2.21E-03	1.04E-02	7.53E-02
MAGEC3 (CT7.2)	4.34E-05	N.P.	N.P.	5.00E-06	1.35E-05	5.16E-05	1.22E-03
GAGE (CT4)	N.P.	N.P.	N.P.	1.33E-04	1.38E-03	1.98E+00	7.02E-01
BAGE (CT2)	N.P.	N.P.	N.P.	1.00E-04	7.53E-04	5.01E-04	5.69E-03
SAGE (CT14)	N.P.	N.P.	N.P.	4.81E-04	7.59E-04	2.63E-03	7.09E-03
HAGE (CT13)	9.68E-05	N.P.	1.20E-03	N.P.	2.41E-04	2.46E-03	1.97E-02
PAGE (CT16)	1.10E-04	9.40E-06	8.68E-05	4.35E-05	1.59E-03	2.89E-02	1.33E-01
RAGE	1.17E-03	1.62E-04	1.07E-03	2.01E-04	5.70E-04	1.39E-03	1.64E-02
CAGE (CT26)	N.P.	N.P.	N.P.	6.08E-06	4.46E-05	1.34E-04	2.99E-03
XAGE1 (CT12)	N.P.	N.P.	1.02E-04	N.P.	4.60E-05	8.49E-04	3.94E-03
LAGE 1+2 (CT6)	3.68E-05	2.59E-06	5.43E-03	3.45E-05	3.30E-03	1.92E-01	4.68E-02
LAGE2 (CT6.1)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	1.75E-04	2.79E-03	1.99E-03
SSX (CT5)	2.93E-04	N.P.	5.92E-05	2.69E-05	2.63E-03	3.83E-03	3.21E-02
CSAG (CT24.2)	7.87E-05	N.P.	3.64E-05	4.86E-02	4.16E-02	4.52E-02	1.09E-02
IL-13R α 2	5.89E-05	N.P.	8.75E-04	8.68E-02	1.47E-01	6.65E-03	1.33E-02
hTERT	N.P.	1.26E-05	4.08E-05	4.85E-05	3.34E-05	4.87E-05	4.81E-04
p53	4.28E-02	2.29E-02	2.63E-02	1.32E-02	1.14E-02	2.61E-02	3.62E-02
Her2/Neu	5.20E-02	5.20E-02	4.58E-02	3.43E-03	2.36E-03	5.61E-02	2.38E-02
BCL-XL	1.84E-02	6.96E-03	3.71E-02	6.41E-04	6.76E-04	1.32E-02	1.03E-02
MCL1	4.20E-01	6.42E-02	2.13E-01	2.41E-02	2.30E-02	1.03E-01	1.33E-01
BCL2 α	1.66E-02	4.01E-04	2.64E-03	7.74E-04	6.29E-04	1.32E-03	9.78E-03
livin	N.P.	N.P.	5.48E-06	N.P.	1.57E-05	1.88E-04	1.09E-05
surviving	7.99E-04	5.29E-03	1.11E-02	2.06E-02	1.48E-02	2.08E-02	2.36E-03
SCP1 (CT8)	2.27E-05	N.P.	N.P.	N.P.	9.80E-07	4.79E-05	1.69E-02
SPANXC (CT11.3)	2.74E-05	N.P.	N.P.	5.48E-06	1.18E-04	2.40E-03	4.43E-04
OY-TES-1 (CT23)	3.68E-04	1.83E-05	1.04E-03	6.75E-06	1.53E-05	2.10E-04	1.25E-03
PLU-1 (CT31)	1.28E-02	3.72E-03	7.79E-03	1.60E-03	1.31E-03	4.46E-03	1.97E-02
RHAMM	9.40E-05	8.86E-04	1.65E-03	3.89E-03	2.38E-03	1.16E-03	1.17E-03
TPTE (CT44)	6.87E-06	N.P.	N.P.	1.15E-04	8.77E-05	5.61E-04	3.43E-02
CYP1B1	1.06E-01	4.51E-04	2.51E-01	1.78E-05	3.47E-04	8.85E-03	1.07E-01
MELK	8.50E-04	5.48E-03	8.66E-03	1.51E-02	1.30E-02	1.91E-02	2.23E-02
BORIS (CT27)	1.65E-05	N.P.	1.61E-05	6.77E-05	2.15E-04	1.11E-02	7.30E-03
DPPA2	2.71E-06	N.P.	N.P.	1.52E-05	1.80E-04	3.48E-04	8.97E-03
BRDT (CT9)	N.P.	N.P.	3.77E-06	N.P.	1.25E-05	1.15E-04	8.71E-04
ADAM2 (CT15)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	4.89E-05
TSP50 (CT20)	3.23E-04	1.18E-05	6.48E-05	N.P.	5.72E-06	2.45E-03	5.58E-03
SP17 (#1) (CT22)	8.39E-04	2.16E-03	1.68E-02	7.44E-04	8.52E-04	5.26E-03	1.79E-02
SP17 (#2) (CT22)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	1.70E-06	3.22E-03	2.00E-03
MMA (CT25)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	2.68E-04	N.P.	9.30E-03
HOM-TES-85 (CT28)	7.71E-04	2.52E-03	1.65E-02	7.75E-04	8.65E-04	4.76E-03	1.85E-02
KM-HN-1	2.33E-04	8.04E-05	4.31E-04	5.38E-06	8.22E-06	9.91E-05	2.39E-03
TPBG (5T4)	4.95E-02	4.99E-03	1.51E-02	6.95E-02	7.92E-03	1.86E-02	2.14E-02
D40 (CT29)	2.00E-05	5.60E-05	4.85E-04	1.68E-04	1.55E-04	1.82E-04	2.03E-03
HCA661 (CT30)	8.20E-05	N.P.	N.P.	6.26E-06	2.46E-04	N.P.	8.55E-03
LDHC (CT32)	3.66E-04	2.71E-06	2.05E-04	9.93E-04	9.96E-04	1.73E-03	1.44E-02
MORC (CT33)	N.P.	N.P.	1.28E-04	9.03E-07	4.76E-06	N.P.	2.90E-02
SGY-1 (CT34)	4.05E-04	2.94E-05	5.23E-04	1.80E-05	4.90E-05	6.88E-04	3.42E-03
NXF2 (CT39)	N.P.	N.P.	3.16E-04	3.11E-06	8.81E-05	2.09E-02	4.61E-02
FATE (CT43)	1.44E-05	N.P.	7.20E-05	N.P.	N.P.	7.97E-05	3.57E-01
LIP1 (CT17)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	5.93E-03
CTAGE (CT21)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	1.63E-06	N.P.	5.46E-04
SPO11 (CT35)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	5.48E-03
TPX1 (CT36)	N.P.	2.46E-04	7.84E-04	N.P.	1.66E-06	5.23E-04	9.93E-04
NY-SAR-35 (CT37)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	1.84E-04	N.P.	1.33E-02
FTHL17 (CT38)	N.P.	N.P.	N.P.	N.P.	2.35E-05	N.P.	1.96E-03
TDRD1 (CT41.1)	3.81E-05	7.50E-06	9.78E-05	N.P.	1.86E-05	N.P.	5.79E-03
TDRD6 (CT41.2)	3.77E-04	3.64E-06	2.19E-04	7.58E-07	4.03E-06	1.36E-05	7.23E-03
TEX15 (CT42)	N.P.	2.01E-05	6.95E-05	3.46E-05	1.32E-04	N.P.	4.32E-02

Gene expression is shown relative to GAPDH expression; GAPDH expression is equal to 1. Cancer/testis genes are indicated by a CT identification number in parentheses following the gene name, for example MAGE-A1 (CT1.1). Samples analyzed: SKIN = normal human skin, ESO. = normal human esophagus, from P04 (Figure 1), LUNG = normal human lung, DDM1.7 = melanoma cell line used to generate tumor lysate for MelCancerVac®, DDM1.7+5aza = DDM1.7 cells treated with 5-aza-CdR for 72 hours, ESO. Tumor = squamous cell carcinoma of esophagus P04 (Figure 1), TESTIS = normal human testis.