

1 Supplementary Table.1 List of primers used to amplify the <81.8 kb region.

Primer Name	Forward primer	Primer Name	Reverse primer	Product Size (bp)
Ch9-81kbF1	TTGTGTGCCTATGCATGTTAATG	Ch9-81kbR1	CAGGTCCTTATGGTGGCCTTC	825
Ch9-81kbF2	ACTTACTGGGGTTTCCTTCACTC	Ch9-81kbR2	ACATAGAGCTGCAAACCAAGTTC	838
Ch9-81kbF3	TGGGTGATATCTGTCCAATAAG	Ch9-81kbR3	AAGACCCATCTCATTCTTAGCAC	809
Ch9-81kbF4	TCCAAAGAAATCTAATGCTCACC	Ch9-81kbR4	CAGCTATTGGAGGACAGTGTTATG	802
Ch9-81kbF5	TCCTGAAAGTAAGAACTCCAGATG	Ch9-81kbR5	GATGGTAGAGATGGTGATGAGC	811
Ch9-81kbF6	AGGGTACTGTCCCAGAAGAGAG	Ch9-81kbR6	AACAAGGCCATTGTGATAGTCAG	811
Ch9-81kbF7	TGCCAGTGTATGATGAAGTTAGG	Ch9-81kbR7	AAGTGACTTTCTCAGGGCCATAC	808
Ch9-81kbF8	ACCGGTCATCACAAGTAAAC	Ch9-81kbR8	TTCTCAAGGTGAGAGCATATTGAC	849
Ch9-81kbF9	CACAGTCTTGAGTTCTACTGGGG	Ch9-81kbR9	TCTAGCTTGTCCATCACACTGAG	828
Ch9-81kbF10	AAAGAAGAATATTGGTTGGGCTC	Ch9-81kbR10	GAGAGGGGACACTCTGATCTATTC	859
Ch9-81kbF11	CAGCTCTGCTTCCACTCACTG	Ch9-81kbR11	GCTATAGAGGTGCCAGGAAGAC	804
Ch9-81kbF12	AGGGTACTGGGAAGAAGACTCAG	Ch9-81kbR12	GTCAGGATCCAGATTGACTTG	853
Ch9-81kbF13	CAGACTAAATGGGTTGGTAAAGC	Ch9-81kbR13	TTCCCTTCTTCTAGAGAAGTTC	796
Ch9-81kbF14	AACTGTAGGAGAAGGAAATTGCTC	Ch9-81kbR14	GGAAGAAACATGTCTTGAAGAGTC	806
Ch9-81kbF15	CCAGCCCTTGTATCTTAATCC	Ch9-81kbR15	AAATCACTCTTGAAACCACCTC	909
Ch9-81kbF16	ATTGGGAAAGAGAAGTATGGGTG	Ch9-81kbR16	GTGGAGACCAGAGGCTAACTTG	807
Ch9-81kbF17	ATTTAAGATGCAGATGAACCAGG	Ch9-81kbR17	TTGCTGGTAATACTAAACATTGGG	806
Ch9-81kbF18	TTTATAGTGACAGGCGTACCTGC	Ch9-81kbR18	GCTGGTGAAGTACTAGCACTTAG	824
Ch9-81kbF19	TAAACGTAAATGAGTAGCCCCAG	Ch9-81kbR19	GCAGGATAATACAGCCATTTGAG	812
Ch9-81kbF20	ACCTCCATTCTCCAAGTCCAG	Ch9-81kbR20	CAATTCTCTTCTTCTACCTTCGC	817
Ch9-81kbF21	GGTTAACAAAACAGAAATTCGGG	Ch9-81kbR21	TGCAAATCTGTGTGCAGGAAC	833
Ch9-81kbF22	ACTAGACATTAAGTGCAAGATAAATCC	Ch9-81kbR22	TCTTTCTTCTTCTTCTCTCTCC	814
Ch9-81kbF23	TTTTATCATTTCACCTGGTTGTAG	Ch9-81kbR23	ACTCTACTGGATCCCTGTGGG	804
Ch9-81kbF24	ATAAGACCCCAACGCTCTCAC	Ch9-81kbR24	GGAACTAGAGGTTCAAAGGCTG	807
Ch9-81kbF25	CTGCTTCCATCCTCAGAAACC	Ch9-81kbR25	ACTTGAGCTATGAAGCTGGAGAC	849
Ch9-81kbF26	CAACACAGAGCAGCATTGTCC	Ch9-81kbR26	AGCTCCAAATGTCTAGACTGCAC	838
Ch9-81kbF27	AAAGCTCTTTGGACATCAGCTC	Ch9-81kbR27	TTTCCAATTACATGTGCTGAGAG	806
Ch9-81kbF28	GTGTCAGCATCCTCCAGTGAC	Ch9-81kbR28	AACAGCTCGGGTAGGTACAGG	795
Ch9-81kbF29	AAACCTCAGAAAAGGATAGAAACAAC	Ch9-81kbR29	ATAAGTGTGGAGGCCACAGGAC	805
Ch9-81kbF30	GGCTAGCCTTCCTAAGCTACTATG	Ch9-81kbR30	CTCGAAGCGTAATAGCTACCATC	807

Ch9-81kbF31	ATAGGCTTGGATAGCCTCCAG	Ch9-81kbR31	AAGACATAGCTGGCCTTGGTG	840
Ch9-81kbF32	TTCTTCTCCTCTCTCTACCTCC	Ch9-81kbR32	AAGATTATTTTCATCCACAGGAATC	803
Ch9-81kbF33	GATAAATGCCTGGATGTTGATG	Ch9-81kbR33	CCACTTTTCAGCATACTCCATTAAG	811
Ch9-81kbF34	TTTATTCCACTTAGAAAGGACAACAC	Ch9-81kbR34	TAGAGGCACCATTCTGACCTTAG	804
Ch9-81kbF35	AGCAAACTACAGATGCCAAAAC	Ch9-81kbR35	TATGTAGGTTGGAGAACTCCTGG	884
Ch9-81kbF36	TCCAGAAAGCTGAGAGTCAGAAG	Ch9-81kbR36	GCTGAGAAGAGAGTACATTCTTTAGTG	799
Ch9-81kbF37	ACACCTGCAGAGACCTCCTTC	Ch9-81kbR37	ATCTGGGAGATAATTCAGTGGAC	793
Ch9-81kbF38	CCCTACTCAGTGCTGGAGTTATC	Ch9-81kbR38	CTAGAGAACCCTGACTATCGCAC	849
Ch9-81kbF40	ACACTTTGCACTTGAAGTGGTG	Ch9-81kbR40	TTTCAAGAAGAAAGAACCCTTTG	839
Ch9-81kbF41	CACACCAGATTGCTTTAGAGGTG	Ch9-81kbR41	ACTACACCTGGGTTCCCTCAC	813
Ch9-81kbF42	GAGTAAGAAGCTCTGTGGCAGTG	Ch9-81kbR42	TCCATCCACATCTTGAGTTCTTC	809
Ch9-81kbF43	CATCAGCAATCAGGTATCCAGAC	Ch9-81kbR43	CAAACATTGAACTGAGAACGGG	794
Ch9-81kbF45	TGGATACAGAAAATGTGGTACATC	Ch9-81kbR45	AGGCTGAAATTGGAGCTGTAGTG	806
Ch9-81kbF46	AGAACCCTCTGCATCCTTCTG	Ch9-81kbR46	GTGTAGCCGGTTTAAGGACACAG	810
Ch9-81kbF47	GAACAGGTGCTGATGGAAGTG	Ch9-81kbR47	CTGAAATGCATAGCAGTGACC	800
Ch9-81kbF48	AAAGCACAGGAGATTTGTAGATCC	Ch9-81kbR48	TGTAAGTGGCTGATTTTGTGTGTC	834
Ch9-81kbF49	TTGAGAAAATGCCTTCCTTACAG	Ch9-81kbR49	CAGTCTGTTCCAAGCCATTCC	801
Ch9-81kbF50	TTGTAAAGTTGACATACAGCTATCAGG	Ch9-81kbR50	GATTTCTTAAGTGAAACAGTG	811
Ch9-81kbF51	CACTTCATCTTTCTTGGGTTGTC	Ch9-81kbR51	GAGTTCTCATTGTTCCGAG	832
Ch9-81kbF52	TCAAATGAACATTAATGCATCC	Ch9-81kbR52	CTAGGTCTTTGGGCTAATGCC	830
Ch9-81kbF53	GAGGAAGCAAAAGATGTGGAAC	Ch9-81kbR53	TTTTCTGTCTCCCTGTCTGTG	804
Ch9-81kbF54	ACATGTTAGGTAGAAAGGATACAAAAC	Ch9-81kbR54	CAGTGAAGTACTGGTGGGG	808
Ch9-81kbF57	AGTCATCAGTTAGAGCCAAAAGC	Ch9-81kbR57	CCTTCAGCTCTTTCAATCCTTTC	843
Ch9-81kbF58	CTGTCTCCTGAGAGACTCTGCC	Ch9-81kbR58	GACTCTCCCTGAGTCCCCTAAG	807
Ch9-81kbF59	AAGTAATAACTTCTGTGGATTCTCC	Ch9-81kbR59	GAATCTGAAGGTAGGGACTCG	832
Ch9-81kbF60	TGAAGACAGAATTCTCTACATTCCTC	Ch9-81kbR60	TCTAGGCTCTGGCATCTCTGG	809
Ch9-81kbF61	AGAAATCTGCAAGGTATTTCTGG	Ch9-81kbR61	TGGAAGTGTGTGAGTGACAGG	808
Ch9-81kbF62	ATTTAACACAAAGGCTTCCCATC	Ch9-81kbR62	ACTGATATCATGGGCTCACCTTG	815
Ch9-81kbF63	GCAGTTGAAAGATGACAAGAAGC	Ch9-81kbR63	AGGCAAGTAAAATCCGCTAAG	810
Ch9-81kbF64	ATGATCAGGGGACTGGGAAAC	Ch9-81kbR64	ATTCTATGAATGCCACATGGTTG	869
Ch9-81kbF65	AGTTAAGGCAGGATCAGAAGGTG	Ch9-81kbR65	TAAGAGAATCAGGCTATCAAGGC	836
Ch9-81kbF66	GGTCACTTTTCCAATCACTCTG	Ch9-81kbR66	GCTAAGGGCTGGCCTATCATC	849
Ch9-81kbF67	TAGACAATAAGGCACCCTGCTAC	Ch9-81kbR67	ATCTATCTTGCAGTCTTGAGGGC	825
Ch9-81kbF72	CTACAGAAATCACCATGAGGCTG	Ch9-81kbR72	TTAGATGAGTCAGGAGATGGGAG	807
Ch9-81kbF73	AACGTCTTCTCCCTCCCCTAC	Ch9-81kbR73	CAGGAAGTCGTCATGATAGTCTG	823

Ch9-81kbF74	AACGTTAGACAGTCCTCCTACACC	Ch9-81kbR74	TCAGATGTGTTCACTTAGCTGTTG	835
Ch9-81kbF75	AGCCTAGGAGAAAAGTTTGGGAC	Ch9-81kbR75	GTAGAAATGTCTGGCCCTGGAG	827
Ch9-81kbF76	ATTTCTCCAAAGAAAGGCAGAAG	Ch9-81kbR76	TGCATTTACAGAGGCCATAGTTG	843
Ch9-81kbF77	TGCTATAGGTAAGGAGTCTTATTCCAC	Ch9-81kbR77	GATTATGATGGGAAAGCCTCTG	853
Ch9-81kbF78	GGACACTTAAACCTCACGAAAAC	Ch9-81kbR78	AGGCATTAAGGATGACTGTTTG	807
Ch9-81kbF79	AACAGTGTCTATCCCCTCAGAGTC	Ch9-81kbR79	ACCCTTCTCTTGGAAACAGACATC	845
Ch9-81kbF80	CAGGGAGAATGTGATGAGAGATG	Ch9-81kbR80	TGACTTGTGACCTCTTAACCCAC	804
Ch9-81kbF81	TCAGAGGAGAACAAGTCTTCCAG	Ch9-81kbR81	CTAGACTGTGGGTCTGGTGGAG	848
Ch9-81kbF82	CTGCCCAAGAGGAGACTTAC	Ch9-81kbR82	GTCACCAACATCTCATCCAAGTG	802
Ch9-81kbF83	TTGTTCTAGCATGAGGTTGAATG	Ch9-81kbR83	CTTGACCTTGGGTATGGCCTC	805
Ch9-81kbF84	ATCACACCAGCAGCTAACCTTG	Ch9-81kbR84	TGGTAGTCTCCTGAATAGAAAGC	806
Ch9-81kbF85	ATGGAGTCTACCTTCTGTCCCTC	Ch9-81kbR85	GGAAGGCTGTCCCTCTTTTATTAG	830
Ch9-81kbF86	CCTAACTGGAATGCGCTGAC	Ch9-81kbR86	CTCACTGGAAGGCAGAGGTTG	795
Ch9-81kbF88	TATTCCTAAAAGAAGCCTCAGGG	Ch9-81kbR88	CTGAAATCTCAGGCAATATCAGC	839
Ch9-81kbF89	TTTGTCTGAGATCTATAAAGGTTTG	Ch9-81kbR89	AATGGGGCATTAAATCAGAAGC	828
Ch9-81kbF90	CTCTGGACTTGCTGAAAGCTG	Ch9-81kbR90	GCCTTGAGCCATATGTTATGTTG	798
Ch9-81kbF91	GGAAAAGAACAAAACCTCATGG	Ch9-81kbR91	TCCTTCTCCCAGAATAAAATTCC	814
Ch9-81kbF92	GGCCCATAGAAATGAAGACATTC	Ch9-81kbR92	ATATGCAGCTTTGGGAGTTACAG	815
Ch9-81kbF93	GTAGCACTGCCATCAATAGAAC	Ch9-81kbR93	GCTAAGGTAACACTGTAGTTGGGG	817
Ch9-81kbF94	CAGTGTATGGCAGAATTGTTAGG	Ch9-81kbR94	GTGTGTGTGCATTAGTGTGTGTG	805
Ch9-81kbF101	TGACAGAGGGAAGGATATTGAAC	Ch9-81kbR101	GAGTAAAACCTTTCTTCCTGACG	795
Ch9-81kbF102	CAGATCTTGTTGGCACTCTTAC	Ch9-81kbR102	TTGTGGTGTGATAAGACTCGTG	808
Ch9-81kbF103	ACCTTATCCCTCTAGATTGGTCC	Ch9-81kbR103	AAAACAGCAAAGAAGGGAACCTTG	796
Ch9-81kbF104	TTCCAAGTAAAATACACCCATAACC	Ch9-81kbR104	ACATTCAGTCTGTGCCAGTAAG	802
Ch9-81kbF105	GCTGGAAACCAAAGAAAGTGTTC	Ch9-81kbR105	GACTCAACAAACTGTAACCCAGC	815
Ch9-81kbF106	TTGTGTGTCTAGATGAGCAAACC	Ch9-81kbR106	CAGCTTAGTGTTTGCAGCTTG	913
Ch9-81kbF107	CATTAATGAGGGGCTGACCTAAC	Ch9-81kbR107	GATTATTGACAGATTGACTCTAAAAGC	807
Ch9-81kbF108	GCTACAGTGAGCTTTATTCTACACC	Ch9-81kbR108	ATGGAAGCTTTCTGAATTTACCC	802
Ch9-81kbF109	ATCCCCTAATAGTGCCACTTCTC	Ch9-81kbR109	TGCTATAATGGATGAGAATCAGG	798
Ch9-81kbF110	CTGCCCTGTTTGAGTTCATGTC	Ch9-81kbR110	GGACATCCATGTACACAAAATAAAG	820
Ch9-81kbF111	ACGTCTACATGAGAGGGTTGTTG	Ch9-81kbR111	GTGACTGTGAAATGCCATGTG	793
Ch9-81kbF113	CTTTCCCCTACATCCCCAATC	Ch9-81kbR113	ATGCTAGTTCTCAAGGAGGCAG	800
Ch9-81kbF114	CTCAGAAGTGGCAGGTGAGTC	Ch9-81kbR114	TGACTCTTGAACCTCCTCTCTTTC	811
Ch9-81kbF115	GCTTCTCAGTTGCAGTACCAAAC	Ch9-81kbR115	TAGGTGTGATGTAAACACCCTGC	851
Ch9-81kbF116	GAAGAATGGTCACTTTAGTGAGGTC	Ch9-81kbR116	CTCTAAGACGGCTGGTATCTCTG	816

Ch9-81kbF117	AGGAATTACCAGAGATACCAGCC	Ch9-81kbR117	CAGCATATTCATGATCCTAAGGC	840
RNO9-81kb-Gap-F 1	GGGAGAGGGAGGAGAGAGAATCT	RNO9-81kb-Gap-R 1	CGACTTTGTTTATTCCCTTGCCATCC	361
RNO9-81kb-Gap-F 2	GCTCAGAAAAGGAAGGAAGGA	RNO9-81kb-Gap-R 2	GAGAGCGTTGGGGTCTTATG	662
RNO9-81kb-Gap-F 3	CCCACAGGGATCCAGTAGAG	RNO9-81kb-Gap-R 3	AGGCACTGAGGGAAGTCTGT	650
RNO9-81kb-Gap-F 4	CTTGGTATCCGTGCCCTTTA	RNO9-81kb-Gap-R 4	TGTCCTGGAGGATGCTGAC	655
RNO9-81kb-Gap-F 5	GATCTCTGGGGCTCACTGAC	RNO9-81kb-Gap-R 5	TGGGCTCTCACAAGTACCAA	300
RNO9-81kb-Gap-F 6	TTTCTTAATTGCCCGTGATG	RNO9-81kb-Gap-R 6	CTGAGAAGAAGGGAGGCAGA	710
RNO9-81kb-Gap-F 7	TCTCAGCTCCAGAATCAAG	RNO9-81kb-Gap-R 7	CTGTCTGTCCATCCATCCATT	709
RNO9-81kb-Gap-F 8	GACAGATGCTCAGACCAATCC	RNO9-81kb-Gap-R 8	GCAATGCAGACTTTCTATTTGG	600
RNO9-81kb-Gap-F 9	CCTCTTTTTGTGGCAGGTTT	RNO9-81kb-Gap-R 9	CAAGGACCTTCATGCTATGCT	520
RNO9-81kb-Gap-F 10	TGAGAAGACATGCCTGGATTT	RNO9-81kb-Gap-R 10	GACCACAAGTCCTTTATGGGATA	540
RNO9-81kb-Gap-F 11	GGACTTGTGGTCAGACTTAACAG	RNO9-81kb-Gap-R 11	GGAGGGGTACCACTGCATAG	960
RNO9-81kb-Gap-F 12	AAATCTGACCACAGCAAGGG	RNO9-81kb-Gap-R 12	CCTTTTCTAAGAAATCCAACAG	848
RNO9-81kb-Gap-F 13	AGGTGGGGGAAAGATTTGTT	RNO9-81kb-Gap-R 13	AGGACACCGCTGAGGTAAGA	668
RNO9-81kb-Gap-F 14	CAGGATCAACAGCGAAGAACT	RNO9-81kb-Gap-R 14	GTCCCTGTTGGAGGAATTGA	704
RNO9-81kb-Gap-F 15	GACCCCGTTCTCAGTTCAAT	RNO9-81kb-Gap-R 15	TCCATTTTCTATGAACTCCA	705
RNO9-81kb-Gap-F 16	GCCTCAAGTCCAGAAATTGG	RNO9-81kb-Gap-R 16	TTGACTGACCCTGGACTCTG	870
RNO9-81kb-Gap-F 19	CCTCTGCCACATCATCAGAA	RNO9-81kb-Gap-R 19	GGTGGAGAATCCACAGGAAG	1104
RNO9-81kb-Gap-F 20	GAGTGTGGCCTTAGCCAGATAC	RNO9-81kb-Gap-R 20	CCTATCATCGCCTTTAACCTTT	961
RNO9-81kb-Gap-F 22	CTGGAAACCAGCATCTAGACAAC	RNO9-81kb-Gap-R 22	GAGGGCCTTAAAAATAGTGTGGT	623
RNO9-81kb-Gap-F 23	AGATGGACACTTAAACCTCACGA	RNO9-81kb-Gap-R 23	GTTGGCACATGGATAAACCTAAA	846
RNO9-81kb-Gap-F 24	ATCGCCCTTCTATGTTCTACCTC	RNO9-81kb-Gap-R 24	ACCCTTCTCTTGGAACAGACATC	778
RNO9-81kb-Gap-F 25	AGCTGAGAGAGAGCATGCAATTA	RNO9-81kb-Gap-R 25	CCCTGAGGCTTCTTTAGGAATA	687
RNO9-81kb-Gap-F 26	TGGGACAGGAAATAAGAACAAAA	RNO9-81kb-Gap-R 26	CCAGAATAAAATTCCTGTGGAAA	504
RNO9-81kb-Gap-F 27	TCTGCAGTCTTCATTTGTGTGTT	RNO9-81kb-Gap-R 27	GATAGTTAAAGGTGGTGTGTGTG	822
RNO9-81kb-Gap-F 32	AAAACAAAACATCACCACATTT	RNO9-81kb-Gap-R 32	AGATGCAGAGTTAGAAGCTGTGG	825
RNO9-81kb-Gap-F 33	CTACAGATCTTGGTTGGCACTCT	RNO9-81kb-Gap-R 33	GATAAGGTAGGGGCAAGTCAAGT	715
RNO9-81kb-Gap-F 34	TGTTCCCAAATAAATGACACAGA	RNO9-81kb-Gap-R 34	TCACCTTGATTGGTTAATGAAGA	460
RNO9-81kb-Gap-F 35	CAAGTGACCTGATTCTCATCCAT	RNO9-81kb-Gap-R 35	TTAGGTAACCAGACCCAGAAAGG	806
RNO9-81kb-Gap-F 36	GATGGGTCATCAGTTAAGAGCAC	RNO9-81kb-Gap-R 36	TTACTCCAGTCAGAAAGGCAAAG	761

- 2 Supplemental Table 2. DNA variants between S and S.R(D9Mco95-D9Mco98) in the
 3 <81.8 kb region

S. No.	Location based on BN (Ensembl Release 56, www.ensembl.org)	S	S.R(D9Mco95-D9Mco98)	Ref: BN (Ensembl Release 56)
1	73141167	C	T	C
2	73141540.1	:	A	:
3	73141540.2	:	A	:
4	73142009	T	C	T
5	73142039	C	T	C
6	73142042	T	:	T
7	73142043	C	:	C
8	73142044	T	:	T
9	73142045	C	:	C
10	73142046	T	:	T
11	73142047	C	:	C
12	73142048	T	:	T
13	73142049	C	:	C
14	73142050	T	:	T
15	73142051	C	:	C
16	73142052	T	:	T
17	73142053	C	:	C
18	73142054	T	:	T
19	73142055	C	:	C
20	73142056	T	:	T
21	73142057	C	:	C
22	73142058	T	:	T
23	73142059	C	:	C
24	73142060	T	:	T
25	73142061	C	:	C
26	73142062	T	:	T
27	73142063	C	:	C
28	73142064	T	:	T
29	73142065	C	:	C
30	73142251	A	G	A
31	73143245	C	G	C
32	73144420	G	A	G
33	73145987	T	G	T
34	73146735	G	A	G
35	73147172	A	T	A
36	73147368	C	T	C
37	73147522	T	C	T
38	73147552	G	T	G

39	73148043.1	:	G	:
40	73148044.1	:	G	:
41	73148098	G	A	G
42	73148909	C	T	T
43	73151392	G	C	C
44	73151712	G	T	G
45	73151807	T	C	T
46	73152596	A	G	A
47	73152889	G	T	G
48	73152940	T	C	T
49	73153774	C	T	C
50	73154226	A	:	A
51	73154227	C	:	C
52	73154228	A	:	A
53	73154229	C	:	C
54	73154230	A	:	A
55	73154231	C	:	C
56	73154232	A	:	A
57	73154233	C	:	C
58	73154234	A	:	A
59	73154235	C	:	C
60	73154236	A	:	A
61	73154237	C	:	C
62	73154238	A	:	A
63	73154239	C	:	C
64	73154240	A	:	A
65	73154241	C	:	C
66	73154242	A	:	A
67	73154243	C	:	C
68	73154244	A	:	A
69	73154245	C	:	C
70	73154246	A	:	A
71	73154247	C	:	C
72	73154313	A	G	A
73	73154314	T	C	T
74	73155140	A	G	A
75	73155158	G	A	G
76	73155534	A	G	A
77	73155545	G	A	G
78	73157049	A	G	A
79	73157342	A	G	A
80	73158779	G	C	G
81	73158834.1	:	G	:
82	73160114	G	A	G
83	73160151	T	C	T

84	73160336	A	G	A
85	73160526	C	:	C
86	73160527	A	:	A
87	73160528	C	:	C
88	73160529	A	:	A
89	73160530	C	:	C
90	73160531	A	:	A
91	73160532	C	:	C
92	73160533	A	:	A
93	73160534	C	:	C
94	73160535	A	:	A
95	73160536	C	:	C
96	73160537	A	:	A
97	73161335	A	G	A
98	73161545	C	:	C
99	73162398.1	G	:	:
100	73162398.2	A	:	:
101	73162398.3	T	:	:
102	73162398.4	G	:	:
103	73162594	T	C	C
104	73162901	T	C	C
105	73162957	T	C	C
106	73162969	T	C	C
107	73162973	T	C	C
108	73163254	G	A	G
109	73163381	T	:	T
110	73163382	G	:	G
111	73163383	T	:	T
112	73163384	G	:	G
113	73163385	T	:	T
114	73163386	G	:	G
115	73163387	T	:	T
116	73163388	G	:	G
117	73163389	T	:	T
118	73163390	G	:	G
119	73163744	A	C	A
120	73164190	T	C	T
121	73164207	C	G	C
122	73164209	G	C	G
123	73164213	C	G	C
124	73164225.1	:	T	:
125	73164225.2	:	G	:
126	73164225.3	:	T	:
127	73164225.4	:	G	:
128	73164225.5	:	T	:

129	73164225.6	:	C	:
130	73164225.7	:	T	:
131	73164225.8	:	G	:
132	73164225.9	:	T	:
133	73164225.1	:	G	:
134	73164225.11	:	T	:
135	73164225.12	:	G	:
136	73164225.13	:	T	:
137	73164225.14	:	G	:
138	73164225.15	:	C	:
139	73164225.16	:	C	:
140	73164225.17	:	T	:
141	73164225.18	:	G	:
142	73164225.19	:	T	:
143	73164225.2	:	G	:
144	73164225.21	:	T	:
145	73164225.22	:	G	:
146	73164225.23	:	T	:
147	73164225.24	:	C	:
148	73164225.25	:	T	:
149	73164225.26	:	G	:
150	73164225.27	:	T	:
151	73164225.28	:	G	:
152	73164225.29	:	T	:
153	73164225.3	:	G	:
154	73164225.31	:	T	:
155	73164225.32	:	C	:
156	73164225.33	:	T	:
157	73164225.34	:	A	:
158	73164225.35	:	T	:
159	73164225.36	:	G	:
160	73164225.37	:	T	:
161	73164225.38	:	C	:
162	73164225.39	:	T	:
163	73164225.4	:	G	:
164	73164225.41	:	T	:
165	73164225.42	:	G	:
166	73164225.43	:	T	:
167	73164225.44	:	G	:
168	73164225.45	:	T	:
169	73164225.46	:	C	:
170	73164225.47	:	T	:
171	73164225.48	:	G	:
172	73164225.49	:	T	:
173	73164225.5	:	G	:

174	73164286	T	C	T
175	73164431	C	T	C
176	73164751	T	C	T
177	73164757	A	T	A
178	73164758	C	A	C
179	73164759	A	T	A
180	73164760	T	A	T
181	73164762	T	C	T
182	73164766	A	T	A
183	73164767	T	A	T
184	73164768	A	T	A
185	73164769	C	A	C
186	73164773	T	C	T
187	73164777	A	T	A
188	73164778	T	A	T
189	73164779	A	T	A
190	73164780	C	A	C
191	73164788	T	C	T
192	73164792	C	T	C
193	73164793	A	:	A
194	73164794	C	:	C
195	73164929	T	C	T
196	73164943	T	C	T
197	73165069.1	:	G	:
198	73165069.2	:	T	:
199	73165069.3	:	T	:
200	73165069.4	:	G	:
201	73165069.5	:	G	:
202	73165069.6	:	T	:
203	73165069.7	:	T	:
204	73165069.8	:	G	:
205	73165069.9	:	G	:
206	73165069.10	:	T	:
207	73165069.11	:	T	:
208	73165069.12	:	G	:
209	73165069.13	:	G	:
210	73165069.14	:	T	:
211	73165069.15	:	T	:
212	73165069.16	:	G	:
213	73165069.17	:	G	:
214	73165069.18	:	T	:
215	73165069.19	:	T	:
216	73165069.20	:	G	:
217	73165172	A	G	A
218	73165189.1	:	G	:

219	73165307	A	G	A
220	73165656.1	:	T	:
221	73165656.2	:	T	:
222	73165656.3	:	A	:
223	73165656.4	:	T	:
224	73165656.5	:	T	:
225	73165656.6	:	T	:
226	73165656.7	:	A	:
227	73165656.8	:	T	:
228	73165660	C	T	C
229	73165976	A	T	A
230	73166084	T	:	T
231	73166085	A	:	A
232	73166086	T	:	T
233	73166087	A	:	A
234	73166088	T	:	T
235	73166089	A	:	A
236	73166090	T	:	T
237	73166091	A	:	A
238	73166092	T	:	T
239	73166093	A	:	A
240	73166094	T	:	T
241	73166095	A	:	A
242	73166096	T	:	T
243	73166097	A	:	A
244	73166104	C	:	C
245	73166105	A	:	A
246	73166106	C	:	C
247	73166107	A	:	A
248	73166108	C	:	C
249	73166109	A	:	A
250	73166110	C	:	C
251	73166111	A	:	A
252	73166112	C	:	C
253	73166113	A	:	A
254	73166114	C	:	C
255	73166115	A	:	A
256	73166120	G	C	G
257	73166122	G	C	G
258	73166124	G	T	G
259	73167521	A	G	A
260	73167796	A	T	A
261	73167872	G	A	G
262	73167976	C	T	C
263	73167975	A	G	A

264	73169009	G	A	G
265	73169679.1	:	G	:
266	73169679.2	:	G	:
267	73169679.3	:	T	:
268	73169679.4	:	T	:
269	73169961	A	C	A
270	73169973	C	A	C
271	73170074	A	G	A
272	73170879	G	A	G
273	73170888	A	C	A
274	73170894	G	A	G
275	73171062	T	G	G
276	73171270	A	G	A
277	73171795	T	C	T
278	73172558	A	C	A
279	73172803	T	C	T
280	73172861	C	T	C
281	73174520	T	:	T
282	73174521	T	:	T
283	73175051	A	G	A
284	73175425	T	G	T
285	73176094	C	T	C
286	73176187	A	C	A
287	73176453	G	T	G
288	73176968	G	A	G
289	73176974.1	:	A	:
290	73176974.2	:	A	:
291	73176974.3	:	T	:
292	73176974.4	:	A	:
293	73176974.5	:	A	:
294	73176974.6	:	A	:
295	73176974.7	:	T	:
296	73176974.8	:	A	:
297	73176974.9	:	A	:
298	73176974.10	:	G	:
299	73176974.11	:	T	:
300	73176974.12	:	A	:
301	73176974.13	:	A	:
302	73176974.14	:	A	:
303	73176974.15	:	T	:
304	73176974.16	:	A	:
305	73177666	C	G	C
306	73177729	T	:	T
307	73177729.1	T	:	:
308	73177729.2	T	:	:

309	73177735	G	A	G
310	73177824	C	T	C
311	73181165	C	T	C
312	73181183	C	T	C
313	73182907	C	T	C
314	73182918	T	C	T
315	73182927	T	G	T
316	73183787	A	G	A
317	73183925	C	A	C
318	73183930	C	G	C
319	73183989	T	:	T
320	73183990	A	:	A
321	73183991	A	:	A
322	73183992	A	:	A
323	73183993	A	:	A
324	73184174	T	G	T
325	73184175	C	T	C
326	73184176	A	C	A
327	73184178	T	C	T
328	73184179.1	:	A	:
329	73184179.2	:	T	:
330	73184179.3	:	A	:
331	73184179.4	:	G	:
332	73184179.5	:	A	:
333	73184179.6	:	C	:
334	73184179.7	:	A	:
335	73184179.8	:	C	:
336	73184179.9	:	T	:
337	73184179.10	:	T	:
338	73184274	G	A	G
339	73184639	C	T	C
340	73185191	A	G	A
341	73185243	T	C	T
342	73185277	C	A	C
343	73186185.1	:	A	:
344	73186185.2	:	G	:
345	73186185.3	:	A	:
346	73186287	G	C	G
347	73186345	T	C	T
348	73186899	T	C	T
349	73187832	G	T	G
350	73188400	T	C	T
351	73189858	C	T	C
352	73190022	A	G	A
353	73190265	G	A	G

354	73190576	T	A	T
355	73190594	A	T	A
356	73190602	A	T	A
357	73190603	G	C	G
358	73190656	T	A	T
359	73190657	C	G	C
360	73190665.1	:	G	:
361	73190666	T	G	T
362	73190680	A	T	A
363	73190684	G	:	G
364	73190685	G	:	G
365	73190686	T	:	T
366	73190687	A	:	A
367	73190688	G	:	G
368	73190689	G	:	G
369	73190690	G	:	G
370	73190691	T	:	T
371	73190692	T	:	T
372	73190693	A	:	A
373	73190694	G	:	G
374	73190695	G	:	G
375	73190696	G	:	G
376	73190697	T	:	T
377	73190698	T	:	T
378	73190699	T	:	T
379	73190700	G	:	G
380	73190701	G	:	G
381	73190702	G	:	G
382	73190703	T	:	T
383	73190704	T	:	T
384	73190705	A	:	A
385	73190706	G	:	G
386	73190707	G	:	G
387	73190708	G	:	G
388	73190709	T	:	T
389	73190710	T	:	T
390	73190711	A	:	A
391	73190712	G	:	G
392	73190713	G	:	G
393	73190714	G	:	G
394	73191138	A	G	A
395	73191380	T	C	T
396	73192628	T	C	T
397	73192924	A	G	A
398	73192989	G	A	G

399	73193350	C	T	C
400	73193352.1	:	A	:
401	73193352.2	:	G	:
402	73193352.3	:	G	:
403	73193352.4	:	C	:
404	73193352.5	:	A	:
405	73193616	A	G	A
406	73193693	A	C	A
407	73193829.1	:	G	:
408	73193833	T	A	T
409	73193834	T	A	T
410	73193835	T	A	T
411	73193912	G	A	G
412	73193971	A	G	A
413	73196777	G	A	G
414	73197393	G	C	G
415	73197464	A	G	A
416	73197678	C	A	C
417	73198665	T	C	T
418	73198919	C	T	C
419	73199937	A	G	A
420	73200086	T	C	T
421	73200328	C	G	C
422	73200366	C	A	C
423	73200896	A	C	A
424	73200932	G	A	G
425	73201130.1	:	A	:
426	73201295	G	A	G
427	73201526	G	A	G
428	73201734	A	:	A
429	73201735	T	:	T
430	73201736	T	:	T
431	73201737	A	:	A
432	73201738	T	:	T
433	73201739	T	:	T
434	73201740	A	:	A
435	73201741	T	:	T
436	73201742	T	:	T
437	73201743	A	:	A
438	73201744	T	:	T
439	73201745	T	:	T
440	73201746	A	:	A
441	73201747	T	:	T
442	73201748	T	:	T
443	73203294	G	A	G

444	73203565	C	G	C
445	73205131	C	T	C
446	73205718	A	:	A
447	73209762	A	G	A
448	73210062	A	G	A
449	73211368	T	C	T
450	73211385	G	C	G
451	73211388	T	A	T
452	73211491	A	G	A
453	73212892	G	A	G
454	73213682	T	G	T
455	73213930	C	T	C
456	73213932.1	:	C	:
457	73213932.2	:	C	:
458	73213932.3	:	T	:
459	73213932.4	:	G	:
460	73213932.5	:	T	:
461	73213932.6	:	G	:
462	73213932.7	:	G	:
463	73213932.8	:	T	:
464	73213932.9	:	T	:
465	73213932.10	:	C	:
466	73213932.11	:	C	:
467	73213932.12	:	C	:
468	73213932.13	:	T	:
469	73213932.14	:	G	:
470	73213932.15	:	T	:
471	73213932.16	:	G	:
472	73213932.17	:	G	:
473	73213932.18	:	T	:
474	73213932.19	:	T	:
475	73213932.20	:	C	:
476	73213932.21	:	C	:
477	73213932.22	:	C	:
478	73213932.23	:	T	:
479	73213932.24	:	G	:
480	73213932.25	:	T	:
481	73213932.26	:	G	:
482	73213932.27	:	G	:
483	73213932.28	:	C	:
484	73213932.29	:	T	:
485	73213932.30	:	C	:
486	73214437	G	T	G
487	73215754	G	A	G
488	73217204	A	C	A

489	73218673	C	A	C
490	73218768	T	:	T
491	73218769	T	:	T
492	73218770	A	:	A
493	73218771	C	:	C
494	73218772	T	:	T
495	73218773	G	:	G
496	73218774	A	:	A
497	73218775	T	:	T
498	73218776	A	:	A
499	73218777	A	:	A
500	73219782	T	C	T
501	73220641	C	A	C
502	73220644	G	A	G
503	73220736	G	A	G
504	73220783	C	T	C
505	73220864	G	A	G
506	73221140	C	T	C
507	73221289	A	G	A
508	73221314	G	A	G
509	73221368	G	A	G
510	73221397	G	A	G
511	73221424	G	A	G
512	73221446	C	T	C
513	73221457	G	T	G
514	73221643	T	C	T
515	73221699.1	:	T	:
516	73221699.2	:	G	:
517	73221699.3	:	G	:
518	73221699.4	:	G	:
519	73221699.5	:	T	:
520	73221699.6	:	C	:
521	73221699.7	:	T	:
522	73221699.8	:	C	:
523	73221699.9	:	T	:
524	73221699.1	:	G	:
525	73221699.11	:	T	:
526	73221699.12	:	C	:
527	73221699.13	:	C	:
528	73221699.14	:	T	:
529	73221699.15	:	T	:
530	73221699.16	:	G	:
531	73221699.17	:	C	:
532	73221699.18	:	C	:
533	73221699.19	:	C	:

534	73221699.2	:	C	:
535	73221699.21	:	C	:
536	73221699.22	:	A	:
537	73221699.23	:	T	:
538	73221699.24	:	C	:
539	73221699.25	:	C	:
540	73221699.26	:	C	:
541	73221699.27	:	C	:
542	73221699.28	:	T	:
543	73221699.29	:	G	:
544	73221699.3	:	G	:
545	73221699.31	:	A	:
546	73221699.32	:	G	:
547	73221699.33	:	C	:
548	73221699.34	:	T	:
549	73221699.35	:	T	:
550	73221699.36	:	T	:
551	73221699.37	:	T	:
552	73221699.38	:	A	:
553	73221699.39	:	A	:
554	73221699.4	:	T	:
555	73221699.41	:	G	:
556	73221699.42	:	A	:
557	73221699.43	:	A	:
558	73221699.44	:	C	:
559	73221699.45	:	A	:
560	73221699.46	:	C	:
561	73221699.47	:	T	:
562	73221699.48	:	C	:
563	73221699.49	:	C	:

4

5

6

7

8

9

10

11

12