

1 10 20 30 40 50 60 70 80 90 100 110 120
TEBBeta_inj_RNA
1_fig1_lane3
2_fig1_lane3
3_fig1_lane3
4_fig1_lane3
5_fig1_lane3
6_fig1_lane3
7_fig1_lane3
8_fig1_lane3
9_fig1_lane3
10_fig1_lane3
11_fig1_lane3
12_fig1_lane3
13_fig1_lane3
14_fig1_lane3
15_fig1_lane3
16_fig1_lane3
17_fig1_lane3
18_fig1_lane3
19_fig1_lane3
20_fig1_lane3
21_fig1_lane3

130 140 150 160 170 180 190 200 210 220 230 240
TEBBeta_inj_RNA
1_fig1_lane3
2_fig1_lane3
3_fig1_lane3
4_fig1_lane3
5_fig1_lane3
6_fig1_lane3
7_fig1_lane3
8_fig1_lane3
9_fig1_lane3
10_fig1_lane3
11_fig1_lane3
12_fig1_lane3
13_fig1_lane3
14_fig1_lane3
15_fig1_lane3
16_fig1_lane3
17_fig1_lane3
18_fig1_lane3
19_fig1_lane3
20_fig1_lane3
21_fig1_lane3

250 260 270 280 290 300 310 320 330 340 350 360
TEBBeta_inj_RNA
1_fig1_lane3
2_fig1_lane3
3_fig1_lane3
4_fig1_lane3
5_fig1_lane3
6_fig1_lane3
7_fig1_lane3
8_fig1_lane3
9_fig1_lane3
10_fig1_lane3
11_fig1_lane3
12_fig1_lane3
13_fig1_lane3
14_fig1_lane3
15_fig1_lane3
16_fig1_lane3
17_fig1_lane3
18_fig1_lane3
19_fig1_lane3
20_fig1_lane3
21_fig1_lane3

370 380 390 400 410 420 430 440 450 460 470 480
TEBBeta_inj_RNA
1_fig1_lane3
2_fig1_lane3
3_fig1_lane3
4_fig1_lane3
5_fig1_lane3
6_fig1_lane3
7_fig1_lane3
8_fig1_lane3
9_fig1_lane3
10_fig1_lane3
11_fig1_lane3
12_fig1_lane3
13_fig1_lane3
14_fig1_lane3
15_fig1_lane3
16_fig1_lane3
17_fig1_lane3
18_fig1_lane3
19_fig1_lane3
20_fig1_lane3
21_fig1_lane3

490 500 510 520 530 540 550 560 570 580 590 600
TEBBeta_inj_RNA
1_fig1_lane3
2_fig1_lane3
3_fig1_lane3
4_fig1_lane3
5_fig1_lane3
6_fig1_lane3
7_fig1_lane3
8_fig1_lane3
9_fig1_lane3
10_fig1_lane3
11_fig1_lane3
12_fig1_lane3
13_fig1_lane3
14_fig1_lane3
15_fig1_lane3
16_fig1_lane3
17_fig1_lane3
18_fig1_lane3
19_fig1_lane3
20_fig1_lane3
21_fig1_lane3

610 620 630 640 650 660 670 680 690 700 710 720
TEBBeta_inj_RNA
1_fig1_lane3
2_fig1_lane3
3_fig1_lane3
4_fig1_lane3
5_fig1_lane3
6_fig1_lane3
7_fig1_lane3
8_fig1_lane3
9_fig1_lane3
10_fig1_lane3
11_fig1_lane3
12_fig1_lane3
13_fig1_lane3
14_fig1_lane3
15_fig1_lane3
16_fig1_lane3
17_fig1_lane3
18_fig1_lane3
19_fig1_lane3
20_fig1_lane3
21_fig1_lane3

730 740 750 760 770 780 790 800 810 820 830 840
TEBBeta_inj_RNA
1_fig1_lane3
2_fig1_lane3
3_fig1_lane3
4_fig1_lane3
5_fig1_lane3
6_fig1_lane3
7_fig1_lane3
8_fig1_lane3
9_fig1_lane3
10_fig1_lane3
11_fig1_lane3
12_fig1_lane3
13_fig1_lane3
14_fig1_lane3
15_fig1_lane3
16_fig1_lane3
17_fig1_lane3
18_fig1_lane3
19_fig1_lane3
20_fig1_lane3
21_fig1_lane3

850 860 870 880 890 900 910 920 930 932
TEBBeta_inj_RNA
1_fig1_lane3
2_fig1_lane3
3_fig1_lane3
4_fig1_lane3
5_fig1_lane3
6_fig1_lane3
7_fig1_lane3
8_fig1_lane3
9_fig1_lane3
10_fig1_lane3
11_fig1_lane3
12_fig1_lane3
13_fig1_lane3
14_fig1_lane3
15_fig1_lane3
16_fig1_lane3
17_fig1_lane3
18_fig1_lane3
19_fig1_lane3
20_fig1_lane3
21_fig1_lane3

Actin1_inj_DNA 1 10 20 30 40 50 60 70 80 90 100 110 120
1_fig2_lane35 CCCC...
2_fig2_lane35 CCCC...
3_fig2_lane35 CCCC...
4_fig2_lane35 CCCC...
5_fig2_lane35 CCCC...
6_fig2_lane35 CCCC...
7_fig2_lane35 CCCC...
8_fig2_lane35 CCCC...
Actin1_inj_DNA 130 140 150 160 170 180 190 200 210 220 230 240
1_fig2_lane35 TCAA...
2_fig2_lane35 TCAA...
3_fig2_lane35 TCAA...
4_fig2_lane35 TCAA...
5_fig2_lane35 TCAA...
6_fig2_lane35 TCAA...
7_fig2_lane35 TCAA...
8_fig2_lane35 TCAA...
Actin1_inj_DNA 250 260 270 280 290 300 310 320 330 340 350 360
1_fig2_lane35 TCAG...
2_fig2_lane35 TCAG...
3_fig2_lane35 TCAG...
4_fig2_lane35 TCAG...
5_fig2_lane35 TCAG...
6_fig2_lane35 TCAG...
7_fig2_lane35 TCAG...
8_fig2_lane35 TCAG...
Actin1_inj_DNA 370 380 390 400 410 420 430 440 450 460 470 480
1_fig2_lane35 CTCG...
2_fig2_lane35 CTCG...
3_fig2_lane35 CTCG...
4_fig2_lane35 CTCG...
5_fig2_lane35 CTCG...
6_fig2_lane35 CTCG...
7_fig2_lane35 CTCG...
8_fig2_lane35 CTCG...
Actin1_inj_DNA 490 500 510 520 530 540 550 560 570 580 590 600
1_fig2_lane35 CTCAG...
2_fig2_lane35 CTCAG...
3_fig2_lane35 CTCAG...
4_fig2_lane35 CTCAG...
5_fig2_lane35 CTCAG...
6_fig2_lane35 CTCAG...
7_fig2_lane35 CTCAG...
8_fig2_lane35 CTCAG...
Actin1_inj_DNA 610 620 630 640 650 660 670 680 690 700 710 720
1_fig2_lane35 GTTG...
2_fig2_lane35 GTTG...
3_fig2_lane35 GTTG...
4_fig2_lane35 GTTG...
5_fig2_lane35 GTTG...
6_fig2_lane35 GTTG...
7_fig2_lane35 GTTG...
8_fig2_lane35 GTTG...
Actin1_inj_DNA 730 740 750 760 770 780 790 800 810 820 830 840
1_fig2_lane35 GCCG...
2_fig2_lane35 GCCG...
3_fig2_lane35 GCCG...
4_fig2_lane35 GCCG...
5_fig2_lane35 GCCG...
6_fig2_lane35 GCCG...
7_fig2_lane35 GCCG...
8_fig2_lane35 GCCG...
Actin1_inj_DNA 850 860 870 880 890 900 910 920 930 940 950 960
1_fig2_lane35 GAAA...
2_fig2_lane35 GAAA...
3_fig2_lane35 GAAA...
4_fig2_lane35 GAAA...
5_fig2_lane35 GAAA...
6_fig2_lane35 GAAA...
7_fig2_lane35 GAAA...
8_fig2_lane35 GAAA...
Actin1_inj_DNA 970 980 990 1,000 1,010 1,020 1,030 1,040 1,050 1,060 1,070 1,080
1_fig2_lane35 AGAT...
2_fig2_lane35 AGAT...
3_fig2_lane35 AGAT...
4_fig2_lane35 AGAT...
5_fig2_lane35 AGAT...
6_fig2_lane35 AGAT...
7_fig2_lane35 AGAT...
8_fig2_lane35 AGAT...
Actin1_inj_DNA 1,090 1,100 1,110 1,120 1,130 1,140 1,150 1,160 1,170 1,180 1,190 1,200
1_fig2_lane35 CTCT...
2_fig2_lane35 CTCT...
3_fig2_lane35 CTCT...
4_fig2_lane35 CTCT...
5_fig2_lane35 CTCT...
6_fig2_lane35 CTCT...
7_fig2_lane35 CTCT...
8_fig2_lane35 CTCT...
Actin1_inj_DNA 1,210 1,220 1,230 1,240 1,250 1,260 1,270 1,280 1,290 1,300 1,310 1,320
1_fig2_lane35 CCAG...
2_fig2_lane35 CCAG...
3_fig2_lane35 CCAG...
4_fig2_lane35 CCAG...
5_fig2_lane35 CCAG...
6_fig2_lane35 CCAG...
7_fig2_lane35 CCAG...
8_fig2_lane35 CCAG...
Actin1_inj_DNA 1,330 1,340 1,350 1,360 1,370 1,380 1,390 1,400 1,410 1,420 1,430 1,440
1_fig2_lane35 AAA...
2_fig2_lane35 AAA...
3_fig2_lane35 AAA...
4_fig2_lane35 AAA...
5_fig2_lane35 AAA...
6_fig2_lane35 AAA...
7_fig2_lane35 AAA...
8_fig2_lane35 AAA...
Actin1_inj_DNA 1,450 1,460 1,470 1,480 1,490 1,500 1,510 1,520 1,530 1,540 1,550
1_fig2_lane35 GGT...
2_fig2_lane35 GGT...
3_fig2_lane35 GGT...
4_fig2_lane35 GGT...
5_fig2_lane35 GGT...
6_fig2_lane35 GGT...
7_fig2_lane35 GGT...
8_fig2_lane35 GGT...