

<b>Locus</b>	<b>Primer (5' to 3')</b>	<b>Amplicon</b>	<b>T</b>
<i>Locus 1</i>	F1 CCC CTC GAG GAT AAG ACA	743	54
	R2 CAT TCA ATC CGG CAG CA		
<i>Locus 2</i>	F1 CAG TGA CGT CCC TAG CA	749	53
	R2 TTG TTC CGT GAG CTC GA		
<i>Locus 3</i>	F1 CAG TGA CGT CCC TAG CA	711	56
	R1 GCG ATA CCG TGC GTC A		
	F1 ATG CTT CCG AAG AGA GGA		
<i>Locus 4</i>	R1 TCC GTA CTG CAA GAG GTA	604 / 750	55
	F1 TTG GCC CTC TGG CGT A		
<i>Locus 5</i>	R2 TCG ATG ATG GGG GGG AA	676	56
	F1 TAT GTT CAC TGC GGC AA		
<i>Locus 6 (GQ468823)</i>	R1 TGG AGC TGA ACG TCT GA	256 / 402	55
	F1 <sup>FAM</sup> TCA CAA CAG CCG AAC GA		
<i>Locus 7 (GQ468822)</i>	R1 ATG GAC TGC CGC CCT A	600	60
	F1 <sup>FAM</sup> TCA CAA CAG CCG AAC GA		
	R2 TCC CGA TCG GCA CTC A		
	F1 <sup>FAM</sup> CGT TTT GCC CAT GCC TA		
<i>Locus 8 (GQ468821)</i>	R1 TTG ACC ATG CGG CAG A	185	59.1
	F1 <sup>FAM</sup> CGT TTT GCC CAT GCC TA		
	R2 CGG AAC GGA AAA GAC GA		
	F1 <sup>FAM</sup> TGG AAT CAC ACT CCA CGA		
<i>Locus 8 (GQ468821)</i>	R1 CGG AAG TTG TGC TAG CAA	577	56.9
	F1 <sup>FAM</sup> CGT TTT GCC CAT GCC TA		
	R2 CGG AAC GGA AAA GAC GA		
<i>Locus 8 (GQ468821)</i>	F1 <sup>FAM</sup> TGG AAT CAC ACT CCA CGA	246	60
	R1 CGG AAG TTG TGC TAG CAA		
	F1 <sup>FAM</sup> TGG AAT CAC ACT CCA CGA		
<i>Locus 8 (GQ468821)</i>	R2 CGT TCT GTT CGC TGT CA	491	60
	F1 <sup>FAM</sup> TGG AAT CAC ACT CCA CGA		
<i>Locus 8 (GQ468821)</i>	R2 CGT TCT GTT CGC TGT CA	275	60
	F1 <sup>FAM</sup> TGG AAT CAC ACT CCA CGA		