

Marker	Allele Coding	CIDI cases										CIDI controls										CIDI results	
		BP Position	Allele 1	Allele 2	Allele counts	N/1/1	N/1/2	N/2/2	freq 1/1	freq 1/2	Allele counts	N/1/1	N/1/2	N/2/2	freq 1/1	freq 1/2	CHISQ	P	OR				
Anxiety or Depression	1 rs28914832	2562500	G	A	0940	0	0	470	0.000	0.000	1.000	2/652	2	325	0.000	0.006	0.994	2.878	0.0988	0.00			
Anxiety or Depression	2 rs140700	2567515	T	C	15463	4	79	307	0.009	0.3	52/600	277	0.000	0.141	0.859	0.386	0.4389	1.16	0.3550	0.79			
Anxiety or Depression	3 rs6355	2572936	G	C	25913	0	25	444	0.000	0.053	0.947	12/642	12	315	0.000	0.037	0.963	1.170	0.2793	4.07			
Anxiety or Depression	4 rs6354	2574024	G	T	162762	19	124	319	0.041	0.288	0.690	137/507	19	99	0.059	0.307	0.634	3.441	0.0636	0.79			
Anxiety or Depression	5 rs2020939	2574858	A	G	381/557	78	225	166	0.166	0.480	0.354	270/384	50	170	0.107	0.153	0.520	3.327	0.071	0.7903	0.97		
Anxiety or Depression	6 rs2020940	2574940	G	A	162774	17	128	323	0.036	0.274	0.690	141/513	17	101	0.061	0.309	0.630	4.512	0.0337	0.74			
Anxiety or Depression	7 rs2066713	2575791	A	G	386/548	85	216	166	0.182	0.463	0.355	240/314	48	144	0.134	0.147	0.442	0.411	3.280	0.701	1.21		
Anxiety or Depression	8 rs4251417	2575984	T	C	72/868	3	66	401	0.006	0.140	0.853	54/596	3	52	0.003	0.160	0.837	0.221	0.6381	0.92			
Anxiety or Depression	9 rs2020935	2585581	A	T	49/883	2	45	419	0.004	0.097	0.899	41/611	1	39	0.003	0.120	0.877	0.761	0.3831	0.83			
Anxiety or Depression	10 rs2020934	2585586	A	G	445/491	102	241	125	0.218	0.515	0.267	340/310	89	162	0.274	0.274	0.498	0.228	3.484	0.0620	0.83		
Anxiety or Depression	11 HTT LPR	2585631	S	L	382/516	82	218	149	0.183	0.486	0.332	306/328	72	162	0.183	0.227	0.511	0.262	4.925	0.0285	0.79		
Anxiety or Depression	12 SHITLPR-rs25531	2588472	2	1	424/432	108	208	112	0.252	0.486	0.262	268/334	57	154	0.189	0.152	0.299	3.564	0.0591	1.22			
Anxiety or Depression	13 rs2020930	2590167	T	C	36/898	0	36	431	0.000	0.077	0.923	31/623	0	29	0.003	0.089	0.908	0.747	0.3875	0.81			
Anxiety or Depression	14 rs7214991	2596486	G	A	361/577	71	219	179	0.151	0.467	0.382	223/429	44	141	0.144	0.126	0.433	0.442	3.037	0.0814	1.20		
Anxiety or Depression	15 rs1050565	2560202	C	T	304/622	53	198	212	0.114	0.428	0.468	184/464	29	126	0.169	0.090	0.389	0.522	3.504	0.0612	1.23		
Anxiety with Depression	1 rs28914832	2562500	G	A	0376	0	0	298	0.000	0.000	1.000	2/652	2	325	0.000	0.006	0.994	1.764	0.1841	0.00			
Anxiety with Depression	2 rs140700	2567515	T	C	46/350	1	44	243	0.003	0.153	0.844	52/600	3	46	0.007	0.009	0.141	0.850	0.000	0.9945	1.00		
Anxiety with Depression	3 rs6355	2572936	G	C	11/563	0	11	276	0.000	0.038	0.962	12/642	0	12	0.000	0.037	0.963	0.011	0.1913	1.05			
Anxiety with Depression	4 rs6354	2574024	G	T	99/463	4	75	194	0.043	0.287	0.690	137/507	4	99	0.059	0.307	0.634	2.551	0.1102	0.79			
Anxiety with Depression	5 rs2020939	2574858	A	G	228/348	48	132	108	0.167	0.458	0.375	270/384	50	170	0.107	0.153	0.520	3.327	0.368	0.5442	0.83		
Anxiety with Depression	6 rs2020936	2574940	G	A	99/475	10	79	198	0.035	0.275	0.690	141/513	10	101	0.061	0.309	0.630	3.615	0.0673	0.76			
Anxiety with Depression	7 rs2066713	2575791	A	G	243/229	55	133	98	0.192	0.465	0.343	240/314	48	144	0.134	0.147	0.442	0.411	4.104	0.0428	1.27		
Anxiety with Depression	8 rs4251417	2575984	T	C	48/528	2	44	242	0.007	0.153	0.840	54/596	2	52	0.003	0.160	0.837	0.000	0.9871	1.00			
Anxiety with Depression	9 rs2020935	2585581	A	T	33/539	2	29	255	0.007	0.101	0.892	41/611	1	39	0.003	0.120	0.877	0.145	0.7038	0.91			
Anxiety with Depression	10 rs2020934	2585586	A	G	277/299	64	149	75	0.222	0.517	0.280	340/310	89	162	0.274	0.274	0.498	0.228	2.173	0.1405	1.18		
Anxiety with Depression	11 HTT LPR	2585631	S	L	237/319	49	139	90	0.176	0.500	0.324	306/328	72	162	0.183	0.227	0.511	0.262	3.707	0.0114	0.80		
Anxiety with Depression	12 SHITLPR-rs25531	2588472	2	1	265/263	69	127	68	0.261	0.481	0.258	268/334	57	154	0.189	0.152	0.299	3.630	0.0567	1.26			
Anxiety with Depression	13 rs2020930	2590167	T	C	25/549	0	25	262	0.000	0.087	0.913	31/623	0	29	0.003	0.089	0.908	0.104	0.7472	0.92			
Anxiety with Depression	14 rs7214991	2596486	G	A	218/565	48	134	111	0.146	0.467	0.428	184/464	29	126	0.169	0.090	0.389	0.522	3.480	0.0592	1.18		
Anxiety with Depression	15 rs1050565	2560202	C	T	180/386	31	118	134	0.110	0.417	0.473	184/464	29	126	0.169	0.090	0.389	0.522	1.671	0.1962	1.18		
Depression	1 rs28914832	2562500	G	A	0732	0	0	366	0.000	0.000	1.000	2/652	2	325	0.000	0.006	0.994	2.242	0.1343	0.00			
Depression	2 rs140700	2567515	T	C	173/558	4	179	307	0.015	0.178	0.822	52/600	3	46	0.007	0.009	0.141	0.850	0.000	0.9945	1.00		
Depression	3 rs6355	2572936	G	C	22/708	0	22	343	0.000	0.060	0.940	12/642	0	12	0.000	0.037	0.963	2.000	0.1573	1.66			
Depression	4 rs6354	2574024	G	T	128/592	14	100	246	0.039	0.278	0.683	137/507	19	99	0.059	0.307	0.634	2.653	0.1033	0.80			
Depression	5 rs2020939	2574858	A	G	300/430	60	180	125	0.164	0.493	0.342	270/384	50	170	0.107	0.153	0.520	3.327	0.005	0.9433	0.99		
Depression	6 rs2020940	2574940	G	A	128/600	14	100	260	0.038	0.275	0.697	141/513	14	101	0.061	0.309	0.630	3.476	0.0623	0.79			
Depression	7 rs2066713	2575791	A	G	294/432	64	166	133	0.176	0.457	0.366	240/314	48	144	0.134	0.147	0.442	0.411	1.966	0.1608	1.17		
Depression	8 rs4251417	2575984	T	C	59/673	3	53	310	0.008	0.145	0.847	54/596	48	52	0.003	0.160	0.837	0.028	0.8669	0.97			
Depression	9 rs2020935	2585581	A	T	37/887	2	35	326	0.003	0.025	0.975	41/611	1	39	0.003	0.120	0.877	0.089	0.566	1.00			
Depression	10 rs2020934	2585586	A	G	342/386	77	188	99	0.212	0.516	0.272	340/310	72	162	0.274	0.274	0.498	0.228	3.902	0.0482	0.81		
Depression	11 HTT LPR	2585631	S	L	287/411	61	165	123	0.175	0.473	0.352	306/328	89	162	0.183	0.227	0.511	0.262	6.872	0.0088	0.75		
Depression	12 SHITLPR-rs25531	2588472	2	1	336/323	85	263	105	0.254	0.484	0.262	268/334	57	154	0.189	0.152	0.299	4.489	0.0345	1.27			
Depression	13 rs2020930	2590167	T	C	28/700	0	28	336	0.000	0.077	0.923	31/623	0	29	0.003	0.089	0.908	0.674	0.4118	0.80			
Depression	14 rs7214991	2596486	G	A	288/442	57	174	134	0.156	0.477	0.367	223/429	44	141	0.144	0.126	0.433	0.442	4.073	0.0436	1.25		
Depression	15 rs1050565	2560202	C	T	245/473	45	155	159	0.125	0.432	0.443	184/464	29	126	0.169	0.090	0.389	0.522	3.187	0.0228	1.31		
Anxiety with Depression	1 rs28914832	2562500	G	A	0376	0	0	298	0.000	0.000	1.000	2/652	2	325	0.000	0.006	0.994	1.128	0.2983	0.00			
Anxiety with Depression	2 rs140700	2567515	T	C	32/336	1	30	153	0.005	0.163	0.832	52/600	3	46	0.007	0.009	0.141	0.850	0.161	0.6878	1.10		
Anxiety with Depression	3 rs6355	2572936	G	C	8/358	0	8	175	0.000	0.044	0.956	12/642	0	12	0.000	0.037	0.963	0.150	0.6982	1.20			
Anxiety with Depression	4 rs6354	2574024	G	T	65/293	7	51	121	0.038	0.276	0.683	137/507	7	99	0.059	0.307	0.634	1.909	0.2386	0.82			
Anxiety with Depression	5 rs2020939	2574858	A	G	147/221	30	87	67	0.163	0.473	0.364	270/384	50	170	0.107	0.153	0.520	3.327	0.175	0.6759	0.95		
Anxiety with Depression	6 rs2020936	2574940	G	A	65/301	7	51	125	0.038	0.278	0.683	141/513	7	101	0.061	0.309	0.630	2.103	0.1471	0.79			
Anxiety with Depression	7 rs2066713	2575791	A	G	150/213	34	83	65	0.167	0.456	0.367	240/314	48	144	0.134	0.147	0.442	0.411	2.145	0.211	1.22		
Anxiety with Depression	8 rs4251417	2575984	T	C	35/333	2	31	151	0.011	0.169	0.831	54/596	1	52	0.003	0.160	0.837	0.426	0.5138	1.16			
Anxiety with Depression	9 rs2020935	2585581	A	T	21/343	1	19																

SSAGA cases						SSAGA controls						SSAGA results				
Allele counts	N/1/1	N/1/2	N/2/2	freq 1/1	freq 1/2	freq 2/2	Allele counts	N/1/1	N/1/2	N/2/2	freq 1/1	freq 1/2	freq 2/2	CHISQ	P	OR
3/1377	0	3	687	0.000	0.004	0.996	1/1447	0	1	723	0.000	0.001	0.999	1.101	0.2941	3.15
156/1226	12	132	847	0.017	0.191	0.792	153/1295	9	135	580	0.012	0.186	0.801	0.379	0.5363	1.08
34/1348	0	34	657	0.000	0.049	0.951	25/1423	0	25	699	0.000	0.035	0.965	1.865	0.1721	1.44
272/1106	39	194	456	0.057	0.282	0.662	315/1129	30	255	437	0.042	0.353	0.605	1.844	0.1745	0.88
593/789	136	321	234	0.197	0.485	0.339	556/886	107	342	272	0.148	0.474	0.377	5.536	0.0186	1.20
274/1108	40	194	456	0.058	0.281	0.661	311/1135	29	253	441	0.040	0.350	0.610	1.175	0.2784	0.90
513/869	101	311	279	0.146	0.450	0.404	572/876	107	358	259	0.148	0.494	0.358	1.698	0.1925	0.90
120/1250	6	108	571	0.009	0.158	0.834	121/1301	4	113	594	0.006	0.159	0.835	0.055	0.8141	1.03
96/1290	7	62	599	0.010	0.119	0.871	101/1343	4	93	625	0.006	0.129	0.866	0.000	0.9853	1.00
672/692	169	334	179	0.248	0.490	0.262	664/756	155	354	201	0.218	0.499	0.283	1.751	0.1858	1.11
602/760	134	334	213	0.197	0.490	0.313	595/823	120	355	234	0.169	0.501	0.330	1.421	0.2333	1.10
658/696	161	336	180	0.239	0.496	0.266	710/696	172	365	165	0.245	0.521	0.235	0.997	0.3190	0.93
53/1329	1	51	639	0.001	0.074	0.925	53/1395	0	53	671	0.000	0.073	0.927	0.060	0.8086	1.05
523/857	103	317	270	0.149	0.459	0.391	562/884	105	352	266	0.145	0.487	0.368	0.279	0.5971	0.96
454/926	80	294	316	0.116	0.426	0.458	490/954	79	332	311	0.109	0.460	0.431	0.340	0.5690	0.95
1/963	0	1	184	0.000	0.005	0.995	1/1447	0	1	723	0.000	0.001	0.999	1.096	0.2974	3.52
39/331	2	35	148	0.011	0.189	0.800	153/1295	9	135	580	0.012	0.186	0.801	0.000	0.9885	1.00
7/363	0	7	178	0.000	0.038	0.962	25/1423	0	25	699	0.000	0.035	0.965	0.047	0.8291	1.10
65/303	8	49	127	0.043	0.266	0.690	315/1129	30	255	437	0.042	0.353	0.605	3.049	0.0806	0.77
159/211	34	91	60	0.184	0.492	0.324	556/886	107	342	272	0.148	0.474	0.377	2.403	0.1211	1.20
64/306	8	48	129	0.043	0.259	0.697	311/1135	29	253	441	0.040	0.350	0.610	3.187	0.0742	0.76
146/224	27	92	66	0.146	0.497	0.357	572/876	107	358	259	0.148	0.494	0.358	0.000	0.9879	1.00
37/327	3	31	148	0.016	0.170	0.813	121/1301	4	113	594	0.006	0.159	0.835	0.985	0.3209	1.22
15/355	1	13	171	0.005	0.070	0.924	101/1343	4	93	625	0.006	0.129	0.866	4.254	0.0392	0.56
180/184	41	98	43	0.225	0.538	0.236	664/756	155	354	201	0.218	0.499	0.283	0.841	0.3591	1.11
161/209	95	99	26	0.306	0.550	0.144	595/823	120	355	234	0.169	0.501	0.330	0.000	0.9966	1.00
179/181	40	99	41	0.222	0.550	0.228	710/696	172	366	165	0.245	0.521	0.235	0.069	0.7928	1.03
4/366	0	4	181	0.000	0.022	0.978	53/1395	0	53	671	0.000	0.073	0.927	6.455	0.0111	0.29
143/227	29	85	71	0.157	0.459	0.384	562/884	105	352	266	0.145	0.487	0.368	0.066	0.4487	0.94
136/234	27	82	76	0.146	0.443	0.411	490/954	79	332	311	0.109	0.460	0.431	1.039	0.3081	1.13
2/1170	0	2	584	0.000	0.003	0.997	1/1447	0	1	723	0.000	0.001	0.999	0.585	0.4446	2.47
133/1041	10	113	864	0.017	0.139	0.790	153/1295	9	135	580	0.012	0.186	0.801	0.368	0.5804	1.08
30/1144	0	30	557	0.000	0.051	0.949	25/1423	0	25	699	0.000	0.035	0.965	2.169	0.1408	1.46
232/938	35	162	388	0.060	0.277	0.663	315/1129	30	255	437	0.042	0.353	0.605	1.540	0.2147	0.89
502/672	115	272	200	0.196	0.463	0.341	556/886	107	342	272	0.148	0.474	0.377	4.744	0.0294	1.19
234/938	36	162	388	0.061	0.276	0.662	311/1135	29	253	441	0.040	0.350	0.610	0.933	0.3340	0.91
435/739	89	257	241	0.152	0.438	0.411	572/876	107	358	259	0.148	0.494	0.358	1.645	0.1996	0.90
97/1071	3	91	490	0.005	0.156	0.839	121/1301	4	113	594	0.006	0.159	0.835	0.035	0.8521	0.97
83/1095	6	71	607	0.010	0.122	0.868	101/1343	4	93	625	0.006	0.129	0.866	0.012	0.9117	1.03
567/595	141	285	155	0.243	0.491	0.267	664/756	155	354	201	0.218	0.499	0.283	1.060	0.3031	1.09
516/642	118	280	181	0.204	0.484	0.313	595/823	120	355	234	0.169	0.501	0.330	1.756	0.1852	1.11
553/597	136	281	158	0.237	0.489	0.275	710/696	172	366	165	0.245	0.521	0.235	1.471	0.2552	0.91
49/1125	1	47	539	0.002	0.080	0.918	53/1395	0	53	671	0.000	0.073	0.927	0.457	0.4989	1.15
443/729	85	273	228	0.145	0.466	0.389	562/884	105	352	266	0.145	0.487	0.368	0.312	0.5766	0.96
38/1791	64	253	289	0.109	0.432	0.459	490/954	79	332	311	0.109	0.460	0.431	0.592	0.4418	0.94
0/162	0	0	81	0.000	0.000	1.000	1/1447	0	1	723	0.000	0.001	0.999	0.112	0.7379	0.03
16/146	0	16	65	0.000	0.198	0.802	153/1295	9	135	580	0.012	0.186	0.801	0.074	0.7859	0.93
3/159	0	3	78	0.000	0.037	0.963	25/1423	0	25	699	0.000	0.035	0.965	0.013	0.9079	1.07
25/135	4	17	59	0.050	0.213	0.738	315/1129	30	255	437	0.042	0.353	0.605	3.303	0.0691	0.66
68/94	13	42	26	0.160	0.519	0.321	556/886	107	342	272	0.148	0.474	0.377	0.716	0.3975	1.15
24/138	4	16	61	0.049	0.198	0.753	311/1135	29	253	441	0.040	0.350	0.610	3.956	0.0467	0.63
69/94	15	38	26	0.185	0.469	0.346	572/876	107	358	259	0.148	0.494	0.358	0.372	0.5420	1.11
14/148	0	14	67	0.000	0.173	0.827	121/1301	4	113	594	0.006	0.159	0.835	0.003	0.9542	1.02
2/160	0	2	79	0.000	0.025	0.975	101/1343	4	93	625	0.006	0.129	0.866	8.051	0.0045	0.17
75/87	13	49	19	0.160	0.605	0.235	664/756	155	354	201	0.218	0.499	0.283	0.013	0.9107	0.98
65/91	10	45	23	0.128	0.577	0.295	595/823	120	355	234	0.169	0.501	0.330	0.005	0.9437	0.99
74/82	15	44	19	0.192	0.564	0.244	710/696	172	366	165	0.245	0.521	0.235	0.527	0.4680	1.13
0/162	0	0	81	0.000	0.000	1.000	53/1395	0	53	671	0.000	0.073	0.927	6.131	0.0133	0.00
63/99	11	41	29	0.136	0.506	0.358	562/884	105	352	266	0.145	0.487	0.368	0.000	0.9954	1.00
63/99	11	41	29	0.136	0.506	0.358	490/954	79	332	311	0.109	0.460	0.431	1.584	0.2081	1.24
0/166	0	0	83	0.000	0.000	1.000	1/1447	0	1	723	0.000	0.001	0.999	0.115	0.7348	0.00
16/151	2	11	70	0.024	0.133	0.843	153/1295	9	135	580	0.012	0.186	0.801	0.374	0.5409	0.84
6/160	0	6	77	0.000	0.072	0.928	25/1423	0	25	699	0.000	0.035	0.965	2.818	0.0932	2.14
23/139	3	17	61	0.037	0.210	0.753	315/1129	30	255	437	0.042	0.353	0.605	5.086	0.0241	0.59
76/90	19	38	26	0.229	0.458	0.313	556/886	107	342	272	0.148	0.474	0.377	3.258	0.0711	1.35
24/142	3	18	62	0.036	0.217	0.747	311/1135	29	253	441	0.040	0.350	0.610	4.495	0.0340	0.62
65/101	16	33	34	0.193	0.398	0.410	572/876	107	358	259	0.148	0.494	0.358	0.007	0.9311	0.99
17/147	0	17	65	0.000	0.207	0.793	121/1301	4	113	594	0.006	0.159	0.835	0.638	0.4244	1.24
10/152	0	10	71	0.000	0.123	0.877	101/1343	4	93	625	0.006	0.129	0.866	0.153	0.6956	0.87
79/85	20	39	23	0.244	0.476	0.280	664/756	155	354	201	0.218	0.499	0.283	0.117	0.7319	1.06
67/97	11	45	26	0.134	0.549	0.317	595/823	120	355	234	0.169	0.501	0.330	0.074	0.7856	0.96
85/79	18	49	15	0.220	0.598	0.163	710/696	172	366	165	0.245	0.521	0.235	0.104	0.7469	0.95
6/160	0	6	77	0.000	0.072	0.928	53/1395	0	53	671	0.000	0.073	0.927	0.001	0.9763	0.99
66/100	13	40	30	0.157	0.482	0.361	562/884	105	352	266	0.145	0.487	0.368	0.050	0.8231	1.04
59/107	12															

Combined CIDU-SSAGA cases										Combined CIDU-SSAGA controls										Combined results		
Allele counts	N	1/1	N	1/2	N	2/2	freq 1/1	freq 1/2	freq 2/2	Allele counts	N	1/1	N	1/2	N	2/2	freq 1/1	freq 1/2	freq 2/2	CHISQ	P	OR
3/2317	0	3	1157	0.000	0.003	0.997				3/2099	0	3	1048	0.000	0.003	0.997				0.015	0.9037	0.91
243/2079	161	211	334	0.014	0.142	0.844	0.068	0.110	0.822	205/1895	12	181	857	0.011	0.172	0.816	0.035	0.965	0.965	0.598	0.4392	1.08
59/2261	0	59	1101	0.000	0.051	0.949				37/2065	0	37	1014	0.000	0.035	0.965				3.182	0.0744	1.46
434/1868	58	318	775	0.050	0.276	0.673	0.031	0.148	0.821	452/1636	49	354	641	0.047	0.339	0.614	0.039	0.614	0.614	5.307	0.0212	0.84
974/1346	214	546	400	0.184	0.471	0.345	0.184	0.471	0.345	826/1270	157	512	379	0.150	0.489	0.362	0.150	0.489	0.362	3.022	0.0821	1.11
436/1880	57	322	779	0.049	0.278	0.673	0.031	0.148	0.821	452/1648	49	354	647	0.047	0.337	0.616	0.039	0.616	0.616	4.991	0.0295	0.83
899/1417	186	527	445	0.161	0.455	0.384	0.161	0.455	0.384	812/1288	155	502	393	0.148	0.478	0.374	0.148	0.478	0.374	0.010	0.9185	1.01
192/2118	9	174	972	0.008	0.151	0.842	0.008	0.151	0.842	175/1897	5	165	866	0.005	0.159	0.836	0.005	0.159	0.836	0.026	0.8727	0.98
145/2163	9	127	1018	0.008	0.110	0.882	0.008	0.110	0.882	142/1954	5	132	911	0.005	0.126	0.869	0.005	0.126	0.869	0.437	0.5996	0.92
1117/1183	271	575	304	0.236	0.500	0.264	0.236	0.500	0.264	1004/1066	244	516	275	0.236	0.499	0.266	0.236	0.499	0.266	0.002	0.9669	1.00
984/1276	216	552	362	0.191	0.488	0.320	0.191	0.488	0.320	901/1151	192	517	317	0.187	0.504	0.309	0.187	0.504	0.309	0.059	0.8075	0.99
1032/1128	269	544	292	0.243	0.492	0.264	0.243	0.492	0.264	978/1030	229	520	255	0.228	0.518	0.254	0.228	0.518	0.254	0.027	0.8690	1.01
89/2227	1	87	1070	0.001	0.075	0.924				84/2018	1	82	988	0.001	0.078	0.921				0.069	0.7930	0.96
884/1434	174	536	449	0.150	0.462	0.387	0.150	0.462	0.387	785/1313	146	493	410	0.139	0.470	0.391	0.139	0.470	0.391	0.243	0.6223	1.03
758/1548	133	492	528	0.115	0.427	0.458	0.115	0.427	0.458	674/1418	108	458	480	0.103	0.438	0.459	0.103	0.438	0.459	0.213	0.6445	1.03
1945	0	1	472	0.000	0.002	0.998				3/2099	0	3	1048	0.000	0.003	0.997				0.068	0.7940	0.74
85/861	3	79	391	0.006	0.167	0.827	0.006	0.167	0.827	205/1895	12	181	857	0.011	0.172	0.816	0.011	0.172	0.816	0.457	0.4991	0.91
18/926	0	18	454	0.000	0.038	0.962				37/2065	0	37	1014	0.000	0.035	0.965				0.079	0.7788	1.09
164/766	20	124	321	0.043	0.267	0.690	0.043	0.267	0.690	452/1636	49	354	641	0.047	0.339	0.614	0.047	0.339	0.614	8.379	0.0116	0.77
387/559	82	223	168	0.173	0.471	0.355	0.173	0.471	0.355	826/1270	157	512	379	0.150	0.489	0.362	0.150	0.489	0.362	0.612	0.4339	1.06
163/781	18	127	327	0.038	0.269	0.693	0.038	0.269	0.693	452/1648	49	354	647	0.047	0.337	0.616	0.039	0.616	0.616	7.320	0.0088	0.76
389/553	82	225	164	0.174	0.478	0.348	0.174	0.478	0.348	812/1288	155	502	393	0.148	0.478	0.374	0.148	0.478	0.374	1.880	0.1703	1.12
85/855	5	78	390	0.011	0.180	0.830	0.011	0.180	0.830	175/1897	5	165	866	0.005	0.159	0.836	0.005	0.159	0.836	0.292	0.5891	1.08
48/894	3	42	426	0.006	0.089	0.904	0.006	0.089	0.904	142/1954	5	132	911	0.005	0.126	0.869	0.005	0.126	0.869	3.128	0.0771	0.74
457/483	105	247	118	0.223	0.526	0.251	0.223	0.526	0.251	1004/1066	244	516	275	0.236	0.499	0.266	0.236	0.499	0.266	0.003	0.9535	1.01
388/528	75	238	145	0.164	0.520	0.317	0.164	0.520	0.317	901/1151	192	517	317	0.187	0.504	0.309	0.187	0.504	0.309	0.620	0.4392	1.04
444/444	109	226	109	0.245	0.509	0.245	0.245	0.509	0.245	978/1030	229	520	255	0.228	0.518	0.254	0.228	0.518	0.254	0.413	0.5204	1.05
29/915	0	29	443	0.000	0.061	0.939				84/2018	1	82	988	0.001	0.078	0.921				1.558	0.2120	0.76
361/583	71	119	462	0.150	0.464	0.386	0.150	0.464	0.386	785/1313	146	493	410	0.139	0.470	0.391	0.139	0.470	0.391	0.189	0.7029	1.04
316/620	58	200	210	0.124	0.427	0.449	0.124	0.427	0.449	674/1418	108	458	480	0.103	0.438	0.459	0.103	0.438	0.459	0.699	0.4030	1.07
21/902	0	2	950	0.000	0.002	0.998				3/2099	0	3	1048	0.000	0.003	0.997				0.114	0.7359	0.74
283/1700	14	170	751	0.015	0.197	0.788	0.015	0.197	0.788	205/1895	12	181	857	0.011	0.172	0.816	0.011	0.172	0.816	1.088	0.0529	1.12
52/1852	0	52	900	0.000	0.055	0.945				37/2065	0	37	1014	0.000	0.035	0.965				4.335	0.0373	1.57
360/1530	49	262	634	0.052	0.277	0.671	0.052	0.277	0.671	452/1636	49	354	641	0.047	0.339	0.614	0.047	0.339	0.614	4.128	0.0422	0.85
802/1102	175	452	325	0.184	0.475	0.341	0.184	0.475	0.341	826/1270	157	512	379	0.150	0.489	0.362	0.150	0.489	0.362	3.044	0.0811	1.12
362/1538	50	292	638	0.053	0.276	0.672	0.053	0.276	0.672	452/1648	49	354	647	0.047	0.337	0.616	0.039	0.616	0.616	3.758	0.0268	0.86
728/1171	153	423	374	0.161	0.445	0.394	0.161	0.445	0.394	812/1288	155	502	393	0.148	0.478	0.374	0.148	0.478	0.374	0.037	0.8465	0.99
158/1744	6	144	800	0.006	0.152	0.842	0.006	0.152	0.842	175/1897	5	165	866	0.005	0.159	0.836	0.005	0.159	0.836	0.072	0.7986	0.97
123/1772	7	106	833	0.007	0.112	0.881	0.007	0.112	0.881	142/1954	5	132	911	0.005	0.126	0.869	0.005	0.126	0.869	0.006	0.9666	1.00
908/981	218	473	254	0.231	0.501	0.269	0.231	0.501	0.269	1004/1066	244	516	275	0.236	0.499	0.266	0.236	0.499	0.266	0.066	0.7979	0.98
803/1053	179	445	304	0.193	0.480	0.328	0.193	0.480	0.328	901/1151	192	517	317	0.187	0.504	0.309	0.187	0.504	0.309	0.164	0.6855	0.97
891/929	224	443	243	0.246	0.487	0.267	0.246	0.487	0.267	978/1030	229	520	255	0.228	0.518	0.254	0.228	0.518	0.254	0.027	0.8768	1.01
77/1825	1	75	875	0.001	0.079	0.920				84/2018	1	82	988	0.001	0.078	0.921				0.007	0.8531	1.01
731/1171	142	447	362	0.149	0.470	0.381	0.149	0.470	0.381	785/1313	146	493	410	0.139	0.470	0.391	0.139	0.470	0.391	0.438	0.5080	1.04
626/1264	109	408	428	0.115	0.432	0.453	0.115	0.432	0.453	674/1418	108	458	480	0.103	0.438	0.459	0.103	0.438	0.459	0.369	0.5437	1.04
0/330	0	0	265	0.000	0.000	1.000				3/2099	0	3	1048	0.000	0.003	0.997				0.757	0.3842	0.00
48/482	1	46	218	0.004	0.174	0.823	0.004	0.174	0.823	205/1895	12	181	857	0.011	0.172	0.816	0.011	0.172	0.816	0.242	0.6227	0.92
11/517	0	11	253	0.000	0.042	0.958				37/2065	0	37	1014	0.000	0.035	0.965				0.246	0.6200	1.19
98/428	11	68	180	0.042	0.263	0.695	0.042	0.263	0.695	452/1636	49	354	641	0.047	0.339	0.614	0.047	0.339	0.614	4.800	0.0320	0.76
215/315	43	129	93	0.162	0.487	0.351	0.162	0.487	0.351	826/1270	1											

OCD	13 rs2020930	25590167	T	C	6/152	0	6	73	0.000	0.076	0.924	31/623	1	29	297	0.003	0.089	0.908	0.26	0.7930	0.79
OCD	14 rs7214981	25596486	G	A	57/99	10	37	31	0.128	0.474	0.397	223/429	41	141	144	0.126	0.433	0.442	0.3033	0.6223	1.11
OCD	15 rs1050565	25600202	C	T	48/104	7	34	35	0.092	0.447	0.461	184/464	29	126	169	0.090	0.389	0.522	0.6062	0.6445	1.16

	SNP	BP	NMISS	BETA	SE	R2	T	P	STAT	EMP1	EMP2	
EPON	1 rs28914832	2562500	2650	0.2304	0.4097	0.0001194	0.5623	0.5740	0.32	0.5846	1	CHR Chromosome number
EPON	2 rs140700	2562515	2650	-0.03985	0.06193	1.90E-04	-0.6436	0.5199	0.41	0.5190	0.9994	SNP SNP identifier
EPON	3 rs6355	2562526	2649	0.09681	0.1259	2.23E-04	0.7686	0.4422	0.59	0.4421	0.9959	BP Physical position (base-pair)
EPON	4 rs6354	2562526	2632	-0.1085	0.04643	0.002071	-2.336	0.0195	5.46	0.0187	0.1913	NMISS Number of non-missing genotypes
EPON	5 rs2020939	2562526	2646	0.03207	0.03808	2.68E-04	0.8419	0.3999	0.71	0.3984	0.9914	BETA Regression coefficient
EPON	6 rs2020936	2562526	2647	-0.1127	0.04658	0.002208	-2.419	0.0156	5.85	0.0149	0.1586	SE Standard error
EPON	7 rs2066713	25625791	2647	0.03555	0.03823	0.0003269	0.93	0.3525	0.86	0.3489	0.9812	R2 Regression r-squared
EPON	8 rs4251417	256257984	2620	0.123	0.06529	0.001354	1.884	0.0596	3.55	0.0654	0.4886	T Wald test (based on t-distribution)
EPON	9 rs2020935	25655581	2644	-0.08802	0.07763	0.0006032	-1.263	0.2068	1.60	0.2038	0.8916	P Wald test asymptotic p-value
EPON	10 rs2020934	25655586	2590	0.005651	0.0376	8.73E-06	0.1503	0.8805	0.02	0.8780	1	EMP1 Empirical p-value from permutation testing single SNP analysis
EPON	11 HTTLPR	25656631	2583	-0.03991	0.03749	0.000439	-1.065	0.2871	1.13	0.2897	0.9577	EMP2 Empirical p-value from permutation accounting for multiple testing
EPON	12 SHTLPR-rs25531	25658472	2535	0.0583	0.03777	0.0009723	1.57	0.1165	2.47	0.1141	0.7056	PLINK --assoc --perm output for quantitative traits
EPON	13 rs2020930	25690167	2648	-0.1314	0.1037	0.0006069	-1.268	0.2050	1.61	0.2041	0.8901	
EPON	14 rs7214991	25696486	2643	-0.0257	0.03814	1.72E-04	-0.6737	0.5006	0.45	0.5057	0.9991	
EPON	15 rs1050565	25600202	2638	-0.01097	0.03926	2.96E-05	-0.2795	0.7799	0.08	0.7736	1	
EPQJ	1 rs28914832	2562500	2641	-0.1066	0.5077	1.87E-05	-0.2099	0.83	0.04406	0.84	1	
EPQJ	2 rs140700	2562515	2643	0.03917	0.05749	0.0001757	0.6813	0.50	0.4642	0.49	0.9987	
EPQJ	3 rs6355	2562526	2641	0.05376	0.1169	8.01E-05	0.4599	0.65	0.2115	0.65	1	
EPQJ	4 rs6354	2562526	2622	0.06738	0.04258	0.0009551	1.583	0.11	2.505	0.11	0.6936	
EPQJ	5 rs2020939	2562526	2639	-0.0927	0.03443	0.001122	-1.721	0.09	2.963	0.09	0.586	
EPQJ	6 rs2020936	2562526	2641	0.04085	0.04289	0.0003434	0.9521	0.34	0.9066	0.34	0.9815	
EPQJ	7 rs2066713	25625791	2639	0.03143	0.03477	3.10E-04	0.8039	0.37	0.8171	0.37	0.9876	
EPQJ	8 rs4251417	256257984	2620	-0.1184	0.06103	0.001436	-1.84	0.05	3.764	0.05	0.4198	
EPQJ	9 rs2020935	25655581	2635	0.01268	0.07101	1.21E-05	0.1786	0.86	0.03191	0.86	1	
EPQJ	10 rs2020934	25655586	2599	0.006238	0.03409	0.0001289	0.183	0.85	0.03348	0.85	1	
EPQJ	11 HTTLPR	25656631	2579	0.02199	0.03422	0.0001602	0.6426	0.52	0.4129	0.52	0.9994	
EPQJ	12 SHTLPR-rs25531	25658472	2527	-0.02592	0.03423	0.0002269	-0.7571	0.45	0.5732	0.46	0.9968	
EPQJ	13 rs2020930	25690167	2639	-0.01716	0.0927	1.30E-05	-0.1851	0.85	0.03428	0.85	1	
EPQJ	14 rs7214991	25696486	2636	-0.004038	0.03484	6.13E-06	-0.127	0.90	0.01614	0.89	1	
EPQJ	15 rs1050565	25600202	2632	-0.006112	0.03592	0.00001101	-0.1702	0.86	0.02896	0.87	1	
HA	1 rs28914832	2562500	2643	-0.1595	0.4317	5.17E-05	-0.3698	0.71	0.1366	0.71	1	
HA	2 rs140700	2562515	2645	-0.02719	0.05942	0.00007821	-0.4576	0.65	0.2094	0.65	1	
HA	3 rs6355	2562526	2643	-0.1439	0.1227	0.0005209	-1.173	0.24	1.376	0.24	0.9257	
HA	4 rs6354	2562526	2624	-0.04996	0.0444	0.0004825	-1.125	0.26	1.266	0.26	0.9427	
HA	5 rs2020939	2562526	2642	0.04352	0.03605	5.62E-04	1.207	0.23	1.457	0.22	0.9121	
HA	6 rs2020936	2562526	2643	-0.0406	0.04446	3.16E-04	-0.913	0.36	0.8337	0.35	0.9869	
HA	7 rs2066713	25625791	2642	-0.01941	0.03651	1.07E-04	-0.5315	0.60	0.2825	0.58	0.9999	
HA	8 rs4251417	256257984	2615	0.1375	0.06311	0.001813	2.178	0.03	4.746	0.03	0.2644	
HA	9 rs2020935	25655581	2634	-0.04983	0.07387	0.0001167	-0.5442	0.58	0.3071	0.58	0.9999	
HA	10 rs2020934	25655586	2596	0.02317	0.03585	0.0001161	0.6462	0.52	0.4176	0.51	0.9993	
HA	11 HTTLPR	25656631	2580	0.005196	0.03566	8.24E-06	0.1457	0.88	0.02123	0.88	1	
HA	12 SHTLPR-rs25531	25658472	2535	0.01484	0.03569	6.83E-05	0.4158	0.68	0.1729	0.67	1	
HA	13 rs2020930	25690167	2641	-0.07973	0.09672	0.0002574	-0.8243	0.41	0.6795	0.41	0.9947	
HA	14 rs7214991	25696486	2638	-0.02146	0.03638	0.0001319	-0.5898	0.56	0.3478	0.56	0.9996	
HA	15 rs1050565	25600202	2632	-0.004771	0.03735	0.00006204	-0.1277	0.90	0.01632	0.90	1	