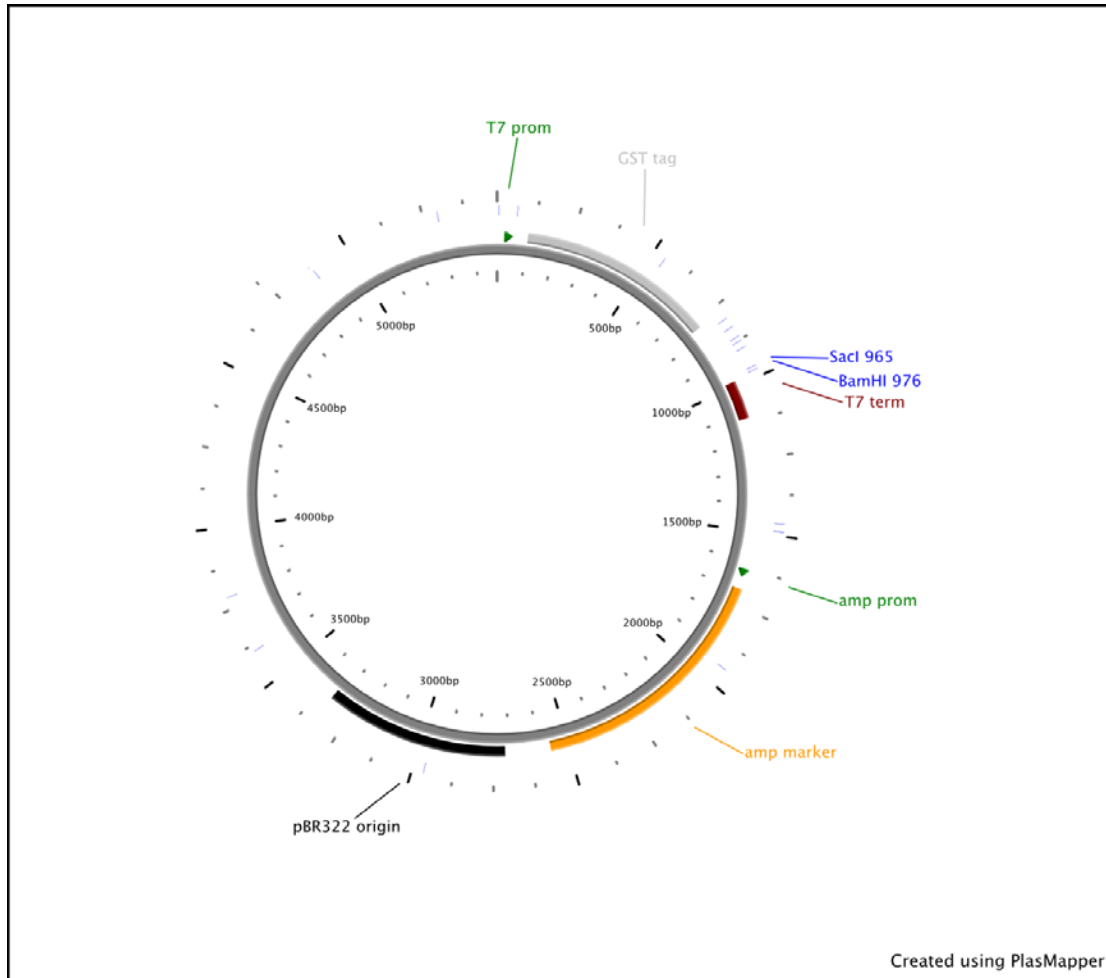


pTH5325



```
LOCUS       dna                5478 bp
FEATURES             Location/Qualifiers
     misc_binding   5..10
                     /dbxref="REBASE:BglII"
     Promoter       25..43
                     /gene="T7 prom"
     misc_binding   63..68
                     /dbxref="REBASE:XbaI"
     Tag            105..768
                     /gene="GST tag"
     ORF            105..989
                     /sequence="ORF_1 rf(3)"
     misc_binding   539..544
                     /dbxref="REBASE:BclI"
     misc_binding   796..803
                     /dbxref="REBASE:NotI"
     misc_binding   824..829
                     /dbxref="REBASE:KpnI"
     misc_binding   858..863
                     /dbxref="REBASE:ApaI"
     misc_binding   877..882
                     /dbxref="REBASE:NcoI"
     misc_binding   897..902
                     /dbxref="REBASE:StuI"
     misc_binding   960..965
                     /dbxref="REBASE:SacI"
     misc_binding   975..980
                     /dbxref="REBASE:BamHI"
```

Terminator 983..1111
/gene="T7 term"
misc_binding 1462..1467
/dbxref="REBASE:ClalI"
misc_binding 1487..1492
/dbxref="REBASE:EcoRI"
misc_binding 1487..1492
/dbxref="REBASE:ApoI"
Promoter 1628..1656
/gene="amp prom"
Marker 1698..2558
/gene="amp marker"
ORF 1698..2558
/sequence="ORF_2 rf(3)"
misc_binding 1941..1946
/dbxref="REBASE:HincII"
Rep_Origin 2713..3332
/gene="pBR322 origin"
misc_binding 2959..2967
/dbxref="REBASE:AlwNI"
misc_binding 3604..3609
/dbxref="REBASE:AccI"
Other Gene 3747..3938
/gene="ROP other"
misc_binding 3784..3789
/dbxref="REBASE:PvuII"
ORF 4577..5194
/sequence="ORF_3 rf(6)"
misc_binding 4876..4881
/dbxref="REBASE:NruI"
misc_binding 5290..5295
/dbxref="REBASE:SphI"

BASE COUNT 1347 a 1371 c 1471 g 1289 t 0 others
ORIGIN

```

1 atcgagatct cgatcccgcg aaattaatac gactcactat agggagacca caacggttct
61 cctctagaaa taattttgtt taactttaag aaggagatat acatatgtcc cctatactag
121 gttattggaa aattaagggc cttgtgcaac cactcgcact tcttttggaa tatcttgaag
181 aaaaatatga agagcatttg tatgagcgcg atgaaggatga taaatggcga aacaaaaagt
241 ttgaattggg tttggagttt cccaatcttc ctattatata tgatggtgat gttaaattaa
301 cacagtctat ggcacatcata cgttatatag ctgacaagca caacatggtg ggtggttgtc
361 caaaagagcg tgcagagatt tcaatgcttg aaggagcggg tttggatatt agatacgggtg
421 tttcgagaat tgcatatagt aaagactttg aaactctcaa agttgatttt cttagcaagc
481 tacctgaaat gctgaaaatg ttcgaagatc gtttatgtca taaaacatat ttaaagtgtg
541 atcatgtaac ccactcctgac ttcatggtgt atgacgctct tgatggtgtt ttatacatgg
601 acccaatgtg cctggatgcg ttcccaaaat tagtttgttt taaaaaacgt attgaagcta
661 tcccacaaat tgataagtac ttgaaatcca gcaagtatat agcatggcct ttgcagggct
721 ggcaagccac gtttgggtgt ggcgaccatc ctccaaaatc ggatctgggt cgcgctccat
781 cggagctgaa tccatgcggc cgcaagcttg acgtccatat gctggatacc cgtggaagtc
841 tggaaagtctt cttccagggg cccgaaggag acgcccacat ggggcatatg gtgcacaggc
901 ctttccaatc cgcggccagt taccccaacc ggcccagcaa gacaccccc cgagctgcag
961 agctcgctac gtttggatcc ggtgctaac aaagcccga aggaagctga gttggtgct
1021 gccaccgctg agcaataact agcataacc cttggggcct ctaaaccgggt cttgaggggt
1081 tttttgctga aaggaggaac tatatccgga tatccacagg acgggtgtgg tcgcatgat
1141 cgcgtagtcg atagtggctc caagttagcga agcagcagg actgggaggc ggccaagcg
1201 gtcggacagt gctccgagaa cgggtgcca tagaaattgc atcaacgcat atagcgtag
1261 cagcagcaca tagtgactgg cgatgctgtc ggaatggacg atatcccga agaggcccgg
1321 cagtaccgca ataaccaagc ctatgcctac agcatccagg gtgacggtgc cgaggatgac
1381 gatgagcgca ttgttagatt tcatacacgg tgctgactg cgttagcaat ttaactgtga
1441 taaactaccg cattaaagct tatcgatgat aagctgtcaa acatgagaat tcttgaagac
1501 gaagggcct cgtgatacgc ctatttttat aggttaatgt catgataata atggtttctt
1561 agacgtcagg tggcactttt cggggaaaatg tgcgcggaac ccctatttgt ttattttct
1621 aaatacattc aaatatgtat ccgctcatga gacaataacc ctgataaatg cttcaataat
1681 attgaaaaag gaagagtatg agtattcaac atttccgtgt cgcccttatt ccctttttt
1741 cggcattttg ccttctctgt tttgctcacc cagaaacgct ggtgaaagta aaagatgctg
1801 aagatcagtt ggggtgcacga gtgggttaca tgaactgga tctcaacagc ggtaagatcc
1861 ttgagagttt tcgccccgaa gaacgttttc caatgatgag cactttttaa gttctgctat
1921 gtggcgcggt attatcccgt gttgacgccc ggcaagagca actcggctgc cgcatacact
1981 attctcagaa tgacttgggt gagtactcac cagtcacaga aaagcatctt acggatggca
2041 tgacagtaag agaattatgc agtgctgcca taacctgag tgataaacct cgggccaact
2101 tacttctgac aacgatcgga ggaccgaagg agctaaccgc ttttttgcac aacatggggg
2161 atcatgtaac tcgccttgat cgttgggaac cggagctgaa tgaagccata ccaaacgacg

```

2221 agcgtgacac cacgatgcct gcagcaatgg caacaacgtt gcgcaaaacta ttaactggcg
2281 aactacttac tctagcttcc cggcaacaat taatagactg gatggaggcg gataaagttg
2341 caggaccact tctgcgctcg gcccttccgg ctggctgggt tattgctgat aaatctggag
2401 ccggtgagcg tgggtctcgc ggtatcattg cagcactggg gccagatggt aagcctccc
2461 gtatcgtagt tatctacacg acggggagtc aggcaactat ggatgaacga aatagacaga
2521 tcgctgagat aggtgcctca ctgattaagc attggtaact gtcagaccaa gtttactcat
2581 atatacttta gattgattta aaacttcatt ttaatttaa aaggatctag gtgaagatcc
2641 tttttgataa tctcatgacc aaaatccctt aacgtgagtt ttcgttccac tgagcgtcag
2701 accccgtaga aaagatcaaa ggatcttctt gagatccttt ttttctgcmc gtaatctgct
2761 gcttgcaaac aaaaaacca ccgctaccag cggtggtttg tttgcccgat caagagctac
2821 caactctttt tccgaaggtg actggcttca gcagagcgca gataccaaat actgtccttc
2881 tagttagctt ctgattagcc caccacttca agaactctgt agcaccgcct acatacctcg
2941 ctctgctaata cctgttacca gtggctgctg ccagtgccga taagtcgtgt cttaccgggt
3001 tggactcaag acgatagtta ccgataaagg ccagcggctc gggctgaacg gggggttcgt
3061 gcacacagcc cagcttggag cgaacgacct acaccgaact gagataccta cagcgtgagc
3121 catgagaaa cgccacgctc cccgaaggga gaaaggcgga caggatcccg gtaagcggca
3181 gggctcggaac aggagagcgc acgagggagc ttccaggggg aaacgcctgg tatctttata
3241 gtcctgctcg gtttcgccac ctctgacttg agcgtcgatt tttgtgatgc tcgtcagggg
3301 ggcggagcct atggaaaaac gccagcaacg cggccttttt acgggttctg gccttttctg
3361 ggcccttttg tccatgttcc tttcctgctg tatcccctga tctctgggat aaccgtatta
3421 ccgcttttga gtgagctgat accgctcgcc gcagccgaac gaccgagcgc agcagctcag
3481 tgagcgagga agcgaagag cgctgatgac ggtatcttct ccttacgcat ctgtcgggta
3541 tttcacaccg catatatggt gcactctcag tacaatctgc tctgatgccc catagttaag
3601 ccagataaac ctcgctatc gctacgtgac tgggtcatgg ctgcccctcg acaccgccca
3661 acaccgctg acgcgccctg acgggcttgt ctgctcccgg catccgctta cagacaagct
3721 gtgaccgtct ccgggagctg catgtgtcag aggttttccac cgctcatcacc gaaacgcgcy
3781 aggcagctgc ggtaaaagctc atcagcgtgg tcgtgaagcg attcacagat gtctgcctgt
3841 tcatcccgct tctgctaac agtatttctcc agaagcgtaa atgtctggct tctgataaag
3901 cgggcatatg taagggcggt ttttctctgt ttggctactg atgcctccgt gtaaggggga
3961 tttctgttca tgggggtaat gataccgatg aaacgagaga ggatgctcac gatacggggt
4021 actgatgatg aacatgcccg gttactggaa cgttgtgagg gtaaaact gggggtatgg
4081 atgcggcggt aacagagaaa aatcactcag ggtcaatgcc agcgtctcgt taatacagat
4141 gtaggtgttc cacagggtag ccagcagcat cctgcatgac agatccggaa cataatgggtg
4201 cagggcgctg acttccgctt ttccagactt tacgaaacac ggaacccgaa gaccattcat
4261 gttgttgctc aggtcgcaga cgttttgtag cagcagctgc ttcacgttctg ctgctgctatc
4321 ggtgattcat tctgctaacc agtaaggcaa cccgcccagc ctgagccgggt cctcaacgac
4381 aggagcacga tcatgcccac ccgtggccag gacccaacgc tgcccagatg cgcgccgctg
4441 cggctgctgg agatggcgga ccgatggat atgttctgccc aagggttgggt ttgcccattc
4501 acagtctctc gcaagaattg attggctcca attcttggag tgggtgaatcc gttagcaggg
4561 tcccgccgct ttccattcag gtcgaggtgg cccggctcca tgcaccgcca cgcaccgcy
4621 ggagcagac aaggatatag gcgccgctca caatccatgc caaccgcttc catgtgctcg
4681 ccgagccgccc ataaatcgcc gtgacgatca cgggtccagt gatcgaagtt aggctggtaa
4741 gagccgagc cgatccttga agctgtccct gatggctgct atctacctgc ctggacagca
4801 tggctgcaaa cgcgggcatc ccgatgccc cggagcgag aagaatcata atggggaagg
4861 ccattccagcc tccgctcgcg aacgccagca agacgtagcc cagcgcgctcg gccgccatgc
4921 cggcgataat ggcctgcttc tcccgaaac gtttgggtggc gggaccagtg acgaaggctt
4981 gagcgagggc gtgcaagatt ccgaataccg caagcgacag gccgatcatc gtcgctctcc
5041 agcgaaggcg gtcctcgccc aaaatgacct agagcgtgct cggcacctgt cctacgagtt
5101 gcatgataaa gaagacagtc ataagtgcgg cgacgatagt catgcccgcg gccaccgga
5161 aggagctgac tgggttgaag gctctcaagg gcacggctcg atcgacgctc tcccttatgc
5221 gactcctgca ttaggaagca gccagtagt aggttgaggc cgttgagcac cgcccgcga
5281 aggaatgggt catgcaagga gatggcgccc aacagtcccc cggccacggg gcctgccacc
5341 ataccacgc cgaaacaagc gctcatgagc ccgaagtggc gagcccgatc tcccctatcg
5401 gtgatgctcg cgatatagcc gccagcaacc gcacctgtgg ccgcccgtgat gccggccacg
5461 atgcgtccgg cgtagagg

//

The following pages contain up to ten aligned 8-mers for each successful ZFA. The logos were generated using WebLogo3 (Crooks GE, Hon G, Chandonia JM, Brenner SE WebLogo: A sequence logo generator, *Genome Research*, 14:1188-1190 (2004)).

Both “forward” and “reverse complement” orientations are given.

Labels are as follows:

E_1514_1M-HK_pTH5470.3_ZFA1

E: E-score

1514: Experiment name

1M-HK: Array design (either HK or ME)

pTH5470.3: Plasmid and protein (i.e. this is the third protein sample produced from pTH5470)

ZFA1: ZFA identifier, following Ramirez et al. numbering

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_1514_1M-HK_pTH5470.3_ZFA1			
GCAGCACC GCAACACC GGTGCACC		GGTGCTGC GGTGTTCG GGTGCACC	
E_2953_1M-HK_pTH5471.2_ZFA2			
TGCAGCCC- -GCAGCCCT -GCAGCCCC AGCAGCCC- -GGAGGACA -GCAGCCCA -ACAGCCCA GGCAGCCC- AACAGCCC- GACAGCCC-		-GGGCTGCA AGGGCTGC- GGGGCTGC- -GGGCTGCT TGTCTCC- TGGGCTGC- TGGGCTGT- -GGGCTGCC -GGGCTGTT -GGGCTGTC	
E_3103_1M-HK_pTH5421.4_ZFA3			
ACATGCAG- -CGTGCAGC -CATGCAGC -GCTGCAGC		-CTGCATGT GCTGCAGC- GCTGCATG- GCTGCAGC-	
E_1115_1M-HK_pTH5422.2_ZFA4			
--AGGGATGT ATAGGGTA-- CTAGGGTA-- -TAGGGTAC- -TAGGGATG-		ACATCCCT-- --TACCCTAT --TACCCTAG -GTACCCTA- -CATCCCTA-	
E_1118_1M-HK_pTH5423.2_ZFA5			
--CCCGCTCC- --CCCGCACC- -ACCCGCAC-- -ACCCGCTC-- --TCCGCTCC- ATCCCGCA--- ---CCGCTCCA ---CCGCTCCC AACCCGCA--- -ACCCGCTT--		-GGAGCGGG-- -GGTGCGGG-- --GTGCGGGT- --GAGCGGGT- -GGAGCGGA-- ---TGCGGGAT TGGAGCGG--- GGGAGCGG--- ---TGCGGGTT --AAGCGGGT-	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_1121_1M-HK_pTH5424.2_ZFA7			
<pre> -CCCTCCC- GCCCTCC- --CCCTCCC TCCCTCC- --CCCTCCCT -CCCTCCT- -CCCTCCG- TGCCCTCC- -GCCTCCC- CCCTCCTC- </pre>		<pre> -GGGAGGG- --GGAGGGC GGGAGGG- --GGAGGGGA AGGGAGGG- -AGGAGGG- -CGGAGGG- --GGAGGGCA -GGGAGGG- --GGAGGGG </pre>	
E_1124_1M-HK_pTH5425.2_ZFA8			
<pre> ---GCATCCCC- ---GCATCTCC- ---GCATCACC- GATGCATC--- --TGCATCCC- ----CATCCCC ---GCAGCACC- ---GCATCCTC- ---ACATCCCC- ---ACATCACC- </pre>		<pre> -GGGGATGC--- -GGAGATGC--- -GGTGATGC--- ---GATGCATC --GGATGCA--- GGGGATG---- -GGTGCTGC--- -GAGGATGC--- -GGGGATGT--- -GGTGATGT--- </pre>	
E_2954_1M-HK_pTH5426.2_ZFA10			
<pre> --CGCTCCCC- ---GCTCCTCC ---GCTCCGCC --CTCCGCC- ---GCTCCCC -ACGCTCCC- --CTCTCCC- --CGCTCCTC- --CGCTCCGC- TACGCTCC--- </pre>		<pre> -GGGGAGCG-- GGAGGAGC--- GGCGGAGC--- -GGGCGGAG-- GGGGGAGC--- --GGGAGCGT- -GGGAGGAG-- -GAGGAGCG-- -GCGGAGCG-- ---GGAGCGTA </pre>	
E_1126_1M-HK_pTH5428.2_ZFA15			
<pre> -CCCGCTGC- --CCGCTGCA -CCCGCTGG- --CCGCTGGC ACCCGCTG-- CCCGCTG-- GCCCGCTG-- -ACCGCTGC- -TCCGCTGC- -CCCGCAGC- </pre>		<pre> -GCAGCGGG- TGACGCGG-- -CCAGCGGG- CGCAGCGG-- --CAGCGGGT --CAGCGGGG --CAGCGGGC -GCAGCGGT- -GCAGCGGA- -GCTGCGGG- </pre>	
E_2956_1M-HK_pTH5473.2_ZFA24			
<pre> --GAGAAGAG --GGAGAAGA- TGGAGAAG-- CGGAGAAG-- --GAGAGGAG GGGAGAAG-- --GAGAAGCG --GGAGAAGC- --GAGAAGT- --GAGAAGTG </pre>		<pre> CTCTTCTC-- -TCTTCTCC- --CTTCTCCA --CTTCTCCG CTCTTCTC-- --CTTCTCCC CGTCTTCTC- -GCTTCTCC- -ACTTCTCC- CACTTCTC-- </pre>	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_1068_1M-HK_pTH5569.2_ZFA45			
ATCTATAT-- ATCTACAT-- --CTATATAG TGCTACAT-- -TCTACATT- -TCTACATG- ATCTAGAT-- TTCTACAT-- -TCTATATA- -TCTATATG-		--ATATAGAT --ATGTAGAT CTATATAG-- --ATGTAGCA -AATGTAGA- -CATGTAGA- --ATCTAGAT --ATGTAGAA -TATATAGA- -CATATAGA-	
E_1070_1M-HK_pTH5571.2_ZFA57			
---CGTCCTCT --CCGTCCTC- --ACGTCCTC- ---CGTCCTCC -ACCGTCCA-- --TCGTCCTC- ---CGTCCTCG AACCGTCC---		AGAGGACG--- -GAGGACGG-- -GAGGACGT-- GGAGGACG--- ---TGGACGGT- -GAGGACGA-- CGAGGACG--- ---GGACGGTT	
E_1073_1M-HK_pTH5574.2_ZFA75			
--GGGATCCC CCGGCATC-- --CGGCATCC- --GGCATCCT TCGGCATC-- --GGCATCCC GCGGCATC-- -CGGCATCG- -CGGCATCA- -CGGCATCT-		GGGATCCC-- --GATGCCGG -GGATGCCG- AGGATGCC-- --GATGCCGA GGGATGCC-- --GATGCCGC -CGATGCCG- -TGATGCCG- -AGATGCCG-	
E_1086_1M-HK_pTH5576.2_ZFA93			
-ACCGCTTC- --CCGCTTCA --CCGCTTCG -TCCGCTTC- -GCCGCTTC- --CCGCTTCC --CCGCTTCT GACCGCTT-- -ACCGCATC- -CCGCTTTC-		-GAAGCGGT- TGAAGCGG-- CGAAGCGG-- -GAAGCGGA- -GAAGCGGC- GGAAGCGG-- AGAAGCGG-- --AAGCGGTC -GATCGGGT- -GAAGCGGG-	
E_1076_1M-HK_pTH5578.2_ZFA107			
-GAGGTTGC -GAGGTGGT TGAGGTTG- -GAGGTTGT -GAGGCTGC -GAGGTAGC -GAGGTAGT -GAGGTGGC -GAGGCCGT GGAGGTTG-		GCAACCTC- ACCACCTC- -CAACCTCA ACAACCTC- GCAGCCTC- GCTACCTC- ACTACCTC- GCCACCTC- ACCGCTC- -CAACCTCC	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_1077_1M-HK_pTH5580.2_ZFA145			
<pre> CCCATTCC- --CCATTCCA --CCCTTCCG CCCTTCC- --CCTTCCCC --CCGTTCCA ACCTTTC- --CCTTCCCG ACCCTTCC- GCCTTTC- </pre>		<pre> --GGAATGGG TGGAAATGG- CGGAAGGG- --GGAAGGGG GGGAAAGG- TGGAACGG- --GGAAGGT CGGAAAGG- --GGAAGGGT --GGAAGGCC </pre>	
E_1079_1M-HK_pTH5581.2_ZFA152			
<pre> --CCACCGCA-- --CACCGCAC- ---ACCGCACT ---CACCGCAG- CCCACCGC--- ---ACCGCAGT ACCACCGC--- ---TACCGCAG- ---ACCGCACC --ACACCGCA-- </pre>		<pre> --TGCGGTGG- --GTGCGGTG-- AGTGCGGT--- --CTGCGGTG-- ---GCGGTGGG ACTGCGGT--- ---GCGGTGGT --CTGCGGTA-- GGTGCGGT--- --TGCGGTGT- </pre>	
E_1080_1M-HK_pTH5582.2_ZFA160			
<pre> GCTATAGC--- --TATAGCGA- --CTATAGCG-- --ATAGCGAG --TTATAGCG-- --CATAGCAG- --CATAGCGA- GTATAGC--- GTTATAGC--- --CGTAGCG-- </pre>		<pre> ---GCTATAGC --TCGCTATA-- --CGCTATAG- CTCGCTAT--- --CGCTATAA- --CTGCTATG-- --TCGCTATG-- ---GCTATGAC ---GCTATAAC --CGTAGCG-- </pre>	
E_1096_1M-HK_pTH5584.2_ZFA169			
<pre> --ACCGCACC-- --GCCGCACC-- --CCGCACCG- --GCCACACC-- --ACCACACC-- --CCGCACCC- CACCGCAC--- --CCGCACCA- ---CGCACCGC --ACCGCTCC-- </pre>		<pre> --GGTGCGGT- --GGTGCGGC- --CGGTGCGG-- --GGTGTGGC- --GGTGTGGT- --GGGTGCGG-- ---GTGCGGTG --TGGTGCGG-- GCGGTGCG--- --GGAGCGGT- </pre>	
E_1515_1M-HK_pTH5585.4_ZFA188			
<pre> --GAGTAATC- --GACTAAGT- TGACTAAG-- GGACTAAG-- --AGTAATC- --GACTAAGC- --ACTTAATC- --GAGTAACC- --AGTAATCA --AGTAATCC </pre>		<pre> --GATTACTC- --ACTTAGTC- --CTTAGTCA --CTTAGTCC --GATTACTT- --GCTTAGTC- --GATTAAGT- --GGTTACTC- TGATTACT-- GGATTACT-- </pre>	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_1498_1M-ME_pTH5470.3_ZFA1			
<pre> -----GGTGCACC--- -----GCAGCACC--- -----GTAGCACC--- -----GCAACACC--- -----GCACCATT -----GGAGCACC--- -----GGGTGCAC--- -----AAAGGGAT--- CAAAGGGA----- -----GTGCACCA-- </pre>		<pre> -----GGTGCACC--- -----GGTGTGC--- -----GGTGTAC--- -----GGTGTTC--- AATGGTGC----- -----GGTGTCC--- -----GTGCACCC--- -----ATCCCTTT--- -----TCCCTTTG --TGGTGAC----- </pre>	
E_0493_1M-ME_pTH5471.1_ZFA2			
<pre> TAGGGCTG-- -AGGGCTGC- -AGGGCTGT- --GGGCTGTC --GGGCTGCT --GGGCTGCA --GGGCTGTT -TGGGCTGC- -GGGGCTGC- -TGGGCTGT- </pre>		<pre> --CAGCCCTA -GCAGCCCT- -ACAGCCCT- GACAGCCC-- AGCAGCCC-- TGCAGCCC-- AACAGCCC-- -GCAGCCCA- -GCAGCCCC- -ACAGCCCA- </pre>	
E_0496_1M-ME_pTH5421.1_ZFA3			
<pre> CGTGCAGC CATGCAGC </pre>		<pre> GCTGCAGC GCTGCATG </pre>	
E_0497_1M-ME_pTH5422.1_ZFA4			
<pre> --GGATCCCT-- GGGATCCC--- --CGACCCTA- --GTACCCTA- --GGTCCCTA- ---GACCCTTT </pre>		<pre> --AGGGATCC- ---GGGATCCC --TAGGGTCC- --TAGGGTAC- --TAGGGACC- AAAGGGTC--- </pre>	
E_0350_1M-ME_pTH5423.1_ZFA5			
<pre> ---CCCCTCC- --TCCCGCTC-- ---TCCGCTCC- ----CCGCTCCC --TCCCGCAC-- ---CCCGCACCC- ---CCCCTTTC- CGTCCCGC--- CATCCCGC--- -GTCCCACA--- </pre>		<pre> --GGAGCGGG-- --GAGCGGGA-- --GGAGCGGA-- GGGAGCGG--- --GTGCGGGA-- --GGTGCGGG-- --GAAGCGGG-- ---GCGGGACG ---GCGGGATG ---TGCGGGAC- </pre>	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_0351_1M-ME_pTH5424.1_ZFA7			
<pre> ACCCCTCC-- --CCCTCCC- --CCCTCCT- --CCCTCCCT TCCCTCC-- GCCCTCC-- --CCCTCCA- --CCCTCAA --CCCTCCCC --CCCTCCG-</pre>		<pre> --GGAGGGGT --GGAGGGG- --AGGAGGG- AGGGAGGG-- --GGAGGGGA --GGAGGGGC --TGGAGGG- TTGGAGGG-- GGGAGGG-- --CGAGGGG-</pre>	
E_0352_1M-ME_pTH5425.1_ZFA8			
<pre> ---GCATCACC- ---ACATCACC- --TGCATCAC-- ---ACATCCCC- ----CATCACCC ---GCATCCCC- GATGCATC---- ---ACATCTCC- ----CATCCCCC --GTGCATCC--</pre>		<pre> --GGTGATGC--- --GGTGATGT--- --GTGATGCA-- --GGGATGT--- GGGTGATG---- --GGGATGC--- ----GATGCATC --GGAGATGT--- GGGGATG---- --GGATGCAC-</pre>	
E_0353_1M-ME_pTH5426.1_ZFA10			
<pre> ---GCTCCGCC- ---GCTCCTCC- --CGTCCGC-- ----CTCCGCCC ----CTCCTCCC ----CTCCGCCA --CGTCCCC-- AAGCTCC---- --ACGCTCCG-- --ACGCTCCC--</pre>		<pre> --GGCGGAGC--- --GGAGGAGC--- --GCCGAGCG-- GGCGGAG--- GGGAGGAG--- TGGCGGAG--- --GGGAGCG-- ----GGAGCGTT --CGGAGCGT- --GGGAGCGT-</pre>	
E_0355_1M-ME_pTH5428.1_ZFA15			
<pre> --CCGCTGC-- --CCGCTGCA- GCCCGCTG--- --CCGCTGCG- --TCCGCTGC-- TCCCGCTG--- CCCCGCTG--- --CCGCTGCC- --CGCTGCAT --CCGCTGG--</pre>		<pre> --GCAGCGGG- --TGCAGCGG-- ---CAGCGGGC --CCGAGCGG-- --GCAGCGGA- ---CAGCGGGA ---CAGCGGGG --GCCAGCGG-- ATGCAGCG--- --CCAGCGGG-</pre>	
E_0495_1M-ME_pTH5473.1_ZFA24			
<pre> --GCTTTTCC-- CTCTTCTC--- --CTTCTCCC- --CTTTTCCC- ---TTTCCCC --ACTTCTCC- --CTTCTCCG- CGTTTCTC--- --CTTCTCCT- CCCTTCTC---</pre>		<pre> --GGAAAAGC- ---GAGAAGAG --GGGAGAAG-- --GGGAAAAG-- GGGGAAAA--- --GGAGAAGT- --CGGAGAAG-- --GAGAAGCG --AGGAGAAG-- ---GAGAAGGG</pre>	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_1052_1M-ME_pTH5569.1_ZFA45			
<pre>--ATGTAGAT CTATATAG-- --ATATAGAT --AATGTAGA- --AATATAGA- --ATATAGCA --TATATAGA- --ATGTAGCA --ATCTAGAT --CATGTAGA-</pre>		<pre>ATCTACAT-- --CTATATAG ATCTATAT-- --TCTACATT- --TCTATATT- TGCTATAT-- --TCTATATA- TGCTACAT-- ATCTAGAT-- --TCTACATG-</pre>	
E_1054_1M-ME_pTH5571.1_ZFA57			
<pre>AGAGGACG- -GAGGACGT</pre>		<pre>-CGTCCTCT ACGTCCTC-</pre>	
E_1057_1M-ME_pTH5574.1_ZFA75			
<pre>--CGGCATCC- CCGGCATC-- GCGGCATC-- --GGCATCCT TCGGCATC-- --CGGCATCT- --CGGCATCA- --GGCATCAT --GGCATCCC --GGCATCAC</pre>		<pre>--GGATGCCG- --GATGCCGG --GATGCCGC AGGATGCC-- --GATGCCGA --AGATGCCG- --TGATGCCG- ATGATGCC-- GGGATGCC-- GTGATGCC--</pre>	
E_0953_1M-ME_pTH5576.1_ZFA93			
<pre>--CCGCTTCA --ACCGCTTC- --GCCGCTTC- --TCCGCTTC- --CCGCTTCG --CCGCTTCT --CCGCTTCC --CCGCTTTC- GTCGCTT-- GACCGCTT--</pre>		<pre>TGAAGCGG-- --GAAGCGGT- --GAAGCGGC- --GAAGCGGA- CGAAGCGG-- AGAAGCGG-- GGAAGCGG-- --GAAGCGGG- --AAGCGGAC --AAGCGGTC</pre>	
E_0955_1M-ME_pTH5578.1_ZFA107			
<pre>ACCACCTC- GCAACCTC- ACAACCTC- ACTACCTC- GCCACCTC- GCTACCTC- --CCACCTCC ACAGCCTC- ACCTCCTT- ACGCCTC-</pre>		<pre>--GAGGTGGT --GAGGTTGC --GAGGTTGT --GAGGTAGT --GAGGTGGC --GAGGTAGC GGAGGTGG- --GAGGCTGT --AAGGAGGT --GAGGCGGT</pre>	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_0957_1M-ME_pTH5580.1_ZFA145			
<pre> --CCTTTCG-- --CGTTCCA-- --CCTTCCA-- ACCTTTCC-- --CTTTCCAC CCCTTTCC-- GCCTTTCC-- --CCTTCCAC GGAATTCC-- --CCATTCCA-- </pre>		<pre> --CGAAAGG-- --TGGAACGG-- --TGGAAAGG-- --GAAAGGT GTGGAAG-- --GAAAGGG --GAAAGGC GTGGAAG-- --GGAATTCC --TGGAATGG-- </pre>	
E_0958_1M-ME_pTH5581.1_ZFA152			
<pre> --CACCGCAC-- ---ACCGCAAT CCCACCGC--- --TTACCGCA-- --TACCGCAG-- ---ACCGCATT --CCACCGCA-- ---ACCGCACT ---ACCGCAGT --GCACCGCA-- </pre>		<pre> --GTGCGGTG-- ATTGCGGT--- ---GCGGTGGG --TGCGGTAA-- --CTGCGGTA-- AATGCGGT--- --TGCGGTGG-- AGTGCGGT--- ACTGCGGT--- --TGCGGTGC-- </pre>	
E_0959_1M-ME_pTH5582.1_ZFA160			
<pre> ---GCTATAGC --TGCTATAA-- ---GCTATAAC --CTGCTATG-- --CTGCTATA-- --CGCTATAG-- --CGTATAAA-- CTCGCTAT--- CTCGCTAG--- --CGTATAT-- </pre>		<pre> GCTATAGC--- --TTATAGCA-- GTTATAGC--- --CATAGCAG-- --TATAGCAG-- --CTATAGCG-- --TTATAGCG-- ---ATAGCGAG ---CTAGCGAG --ATATAGCG-- </pre>	
E_0961_1M-ME_pTH5584.1_ZFA169			
<pre> --ACCACACC-- --ACCGCACC-- --ACCGCTCC-- --CACCGCAC-- --ACCGCACT-- ---CCGCACCA --ACCGCAAT-- --ACCACTCC-- --GCCGCACC-- CCACCGCA--- </pre>		<pre> --GGTGTGGT-- --GGTGCGGT-- --GGAGCGGT-- --GTGCGGTG-- --AGTGCGGT-- TGGTCCGG--- --ATTGCGGT-- --GGAGTGGT-- --GGTCCGGC-- ---TGCGGTGG </pre>	
E_1499_1M-ME_pTH5585.4_ZFA188			
<pre> --GACTAAGT --GATTACTC --GACTAAGC TGACTAAG- GGATTACG- --GATTACGC --GGTACTCT --GATTACGT --GATTAAGC GGATTACT- </pre>		<pre> ACTTAGTC- GAGTAATC- GCTTAGTC- --CTTAGTCA --CGTAATCC GCGTAATC- GAGTAACC- ACGTAATC- GCTTAATC- --AGTAATCC </pre>	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_1514_1M-HK_pTH5470.3_ZFA1			
<pre> ----GCACCATT -GCAACACCA--- ---TGCACCATT- ---CAAAAGGAA-- -GCACCCTT--- -GTTGCACCC--- -GCAGCACCA--- --GTGCACCAT-- GGCAGCACC--- -GCAGCACCC--- </pre>		<pre> AAATGGTGC---- ---TGGTGTTC- -AATGGTGCA--- ---TTCCTTTTG-- ---AAGGGGTGC- ---GGTGCAAC- ---TGGTGTTC- ---ATGGTGAC-- ---GGTGTGCC- ---GGTGTTC- </pre>	
E_2953_1M-HK_pTH5471.2_ZFA2			
<pre> --GGAGGACAA -AGGGCTGCT- --GTCCATCAT -GGGGCTGCA- TAGGGCTGC-- -AGGGCTGCA- --GGGCTGCAC TGGGGCTGC-- AAGGGCTGC-- --GGGCTGTCT </pre>		<pre> TTGTCTCC-- -AGCAGCCCT- ATGGAGGAC-- -TGCAGCCCC- --GCAGCCCTA -TGCAGCCCT- GTGCAGCCC-- --GCAGCCCCA --GCAGCCCTT AGACAGCCC-- </pre>	
E_3103_1M-HK_pTH5421.4_ZFA3			
<pre> -CCGTGCAGC-- --CATGCAGCG- -CCGATCAGC-- --CATGCAGCA- -ACATGCAGC-- ---CTGCAGCGC --CATGCAGTA- --CGAGCAGCA- TACATGCAG--- -GCTGCAGCG- </pre>		<pre> --GCTGCACGG- -CGCTGCATG-- --GCTGATCGG- -TGCTGCATG-- --GCTGCATGT- GCGCTGCAG--- -TACTGCATG-- -TGCTGTCTG-- ---CTGCATGTA -CGCTGCAGC-- </pre>	
E_1115_1M-HK_pTH5422.2_ZFA4			
<pre> ----GTGTACACG--- -CTAGGGTAA----- --TAGGGTAAA----- --TAGGGTATG----- -----TATAAAGGG CATAAAGTA----- --TAGGGTATA----- -GTAGGGATG----- --TAGGGTACA----- -CTAGGGTAT----- </pre>		<pre> ---CGTGTACAC--- -----TTACCCTAG- -----TTTACCCTA-- -----CATACCCTA-- CCCTTTATA----- -----TACCTTATG -----TATACCCTA-- -----CATCCCTAC- -----TGTACCCTA-- -----ATACCCTAG- </pre>	
E_1118_1M-HK_pTH5423.2_ZFA5			
<pre> --CCCGCTCCC -ACCGCTCC- --CCCGCTCCG -GCCCGCTCC- --CCCGCTCC- --CCCGCTCCA ATCCCGCTC-- -ACCGCACC- -ACCGCTTC- --CCCGCTCCT </pre>		<pre> GGGAGCGGG-- --GGAGCGGGT- CGGAGCGGG-- --GGAGCGGGC- --GGAGCGGGG- TGGAGCGGG-- --GAGCGGGAT --GGTCCGGGT- --GAAGCGGGT- AGGAGCGGG-- </pre>	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_1121_1M-HK_pTH5424.2_ZFA7			
<pre> ---GGGAGGGG--- ---GGGAGGGGA- AAGGGAGGG--- ---TGGGAGGGG--- ---AGGGAGGGG--- ---GGGAGGGGC- ---GGAGGGGAC GGGGGAGGG--- ---AGGAGGGGA- ---GGGAGGGGG- </pre>		<pre> ---CCCTCCCC- ---TCCCTCCC-- ---CCCTCCCTT ---CCCTCCCA- ---CCCTCCCT- ---GCCCTCCC-- GTCCCTCC--- ---CCCTCCCC ---TCCCTCCT-- ---CCCCTCCC-- </pre>	
E_1124_1M-HK_pTH5425.2_ZFA8			
<pre> ---ACAGCACCC- TGCATCCCC-- ---GCATCCCC- CGCATCCTC-- CGCATCCCC-- TGCATCTCC-- ---CATCCCCC ---GCATCCCCG- ---GCAGACCA- ---GCATCTCC- </pre>		<pre> ---GGTGCTGT- ---GGGGATGCA ---GGGGATGC- ---GAGGATCGG ---GGGGATGCG ---GGAGATGCA GGGGGATG-- ---CGGGATGC- ---TGGTGCTGC- ---GGGAGATGC- </pre>	
E_2954_1M-HK_pTH5426.2_ZFA10			
<pre> CGCTCCGCC-- ---CTCCGCCCT CTCTCCGCC-- ---GCTCCTCCC- CGCTCCACC-- CGCTCCTCC-- ---GCTCCGCCT- ---GCTCCGCC- CGTTCGCC-- CGTCCCCC-- </pre>		<pre> ---GGCGGAGCG AGGGCGGAG-- ---GGCGGAGAG ---GGGAGGAGC- ---GGTGAGCGG ---GGAGGAGCG ---AGGCGGAGC- ---GGGCGGAGC- ---GGCGGAACG ---GGGGGAGCG </pre>	
E_1126_1M-HK_pTH5428.2_ZFA15			
<pre> ---TCCGCTGCG- ---CCCGCTGCC- CCCCGCTGC-- ---CCCGCAGCG- GCCCGCTGC-- ---CCCGCTGCG- ---CCGCTGCGG ACCCGCTGC-- ---CCCGCTGGC- ACCCGCAGC-- </pre>		<pre> ---CGCAGCGGA- ---GGCAGCGGG- ---GCAGCGGGG ---CGTGCGGG- ---GCAGCGGGC ---CGCAGCGGG- CCGCAGCGG-- ---GCAGCGGGT ---GCCAGCGGG- ---GCTGCGGGT </pre>	
E_2956_1M-HK_pTH5473.2_ZFA24			
<pre> ---CTCTCTCC-- ---CTCTTCTCC-- ACTCTTCTC--- CCTCTTCTC--- ---CTTCTCCGG ---GCTTTTCCC- ---CTCTTCTCT-- ---CGTCTCTCC-- ---CACTTCTCC-- ---TCTTCTCCC- </pre>		<pre> ---GGAGAGGAG- ---GGAGAAGAG- ---GAGAAGAGT ---GAGAAGAGG CCGAGAAG--- ---GGGAAAAGC-- ---AGAGAAGAG- ---GGAGAAGCG- ---GGAGAAGTG- ---GGGAGAAGA-- </pre>	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_1068_1M-HK_pTH5569.2_ZFA45			
GTGCTACAT-- AATCTACAT-- AATCTATAT-- --TCTACATTA --TCTATATGA GTTCTACAT-- -ATCTACATA- -ATCTACATG- --TCTATATAG --TCTACATAG		--ATGTAGCAC --ATGTAGATT --ATATAGATT TAATGTAGA-- TCATATAGA-- --ATGTAGAAC --TATGTAGAT- -CATGTAGAT- CTATATAGA-- CTATGTAGA--	
E_1070_1M-HK_pTH5571.2_ZFA57			
--CGTCCTCTA ACCGTCCTC-- CCCGTCCTC-- --CATCCTCTA --GCGTCCTCT- --CGTCCTCCA -ACGTCCTCT- --CGTCCTCTG --CGTCCTCA- --CGTCCTTTA		TAGAGGACG-- --GAGGACGGT --GAGGACGGG TAGAGGATG-- -AGAGGACGC- TGGAGGACG-- -AGAGGACGT- CAGAGGACG-- -TGAGGACGG- TAAAGGACG--	
E_1073_1M-HK_pTH5574.2_ZFA75			
----GATGCCGAG ---GGATGCCGG- -AGGGATCCC--- --GAGATGCCG-- --TCGATGCCG-- ----GATGCCGGT TAAGGATGC---- --AGGATGCCG-- -AAGGATGCC--- GGGAGATGC----		CTCGGCATC---- -CCGGCATCC--- ---GGGATCCCT- --CGGCATCTC-- --CGGCATCGA-- ACCGGCATC---- ----GCATCCTTA ---CGGCATCCT-- ---GGCATCCTT- ----GCATCTCCC	
E_1086_1M-HK_pTH5576.2_ZFA93			
ATCCGCTTC-- --CCGCTTCGC -ACCGCTTCA- -ACCGCTTCG- GACCGCTTC-- TACCGCTTC-- --CCGCTTCAG --CCGCTTCAT --CCGCTTCGT -TCCGCTTCA-		--GAAGCGGAT GCGAAGCGG-- -TGAAGCGGT- -CGAAGCGGT- --GAAGCGGTC --GAAGCGGTA CTGAAGCGG-- ATGAAGCGG-- ACGAAGCGG-- -TGAAGCGGA-	
E_1076_1M-HK_pTH5578.2_ZFA107			
TACCACCTC---- --CAACCTCAC-- -GCAACCTCA---- -GCAACCTCC-- ---CACCTCACC-- CGCAACCTC---- ---AACCTCCTA-- TACAACCTC---- ---CTACCTCGC-- ----CCTCACCGT		----GAGGTGGTA ---GTGAGGTTG-- ----TGAGGTTGC- ---GGAGGTTGC- ---GGTGAGGTTG-- ----GAGGTTGCC --TAGGAGGTT-- ----GAGGTTGTA ---GCGAGGTTAG-- ACGGTGAGG----	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_1077_1M-HK_pTH5580.2_ZFA145			
<pre> ---TCCATTCCA- ---CCCATTCCT- ---CCCATCCGC- TCCGCCGTA---- ---ACCCTTCCG- ---GCCATTCCA- ---CCATTCCAC- ---GCCGTTCCA- ---GCCTTTCCC- ---ACCCCTTCC- </pre>		<pre> -TGGAATGGA--- -AGGAATGGG--- -GCGGATGGG--- ----TACGGCGGA -CGGAAGGGT--- -TGGAATGGC--- GTGGAATGG--- -TGGAACGGC--- -GGGAAGGGC--- --GGAAGGGT-- </pre>	
E_1079_1M-HK_pTH5581.2_ZFA152			
<pre> TCCCACCGC---- ----ACCGCAGTA --CCCACCGCA--- GTGCACCGC---- ---CACCGCAGT- ---CACCGCACT- --CCACCGCAC-- --CCACCGCAG-- --CAACCGCAC-- --CACCGCACC- </pre>		<pre> ----GCGGTGGGA TACTGCGGT---- --TGCGGTGGG- ----GCGGTGCAC -ACTGCGGTG--- -AGTGCCTGG--- --GTGCGGTGG-- --CTGCGGTGG-- --GTGCGGTG-- --GGTGCCTG-- </pre>	
E_1080_1M-HK_pTH5582.2_ZFA160			
<pre> ---CGCTATAGC- ----GCTATAGCA --TCGCTATAG-- -CTCGCTATA--- --ACGCTATAG-- ----GTTGTAGCA ----AACATAGCA --TCGCTATAA-- CCTCGCTAT--- ----GCTATAACA </pre>		<pre> -GCTATAGCG--- TGCTATAGC--- --CTATAGCGA-- --TATAGCGAG- --CTATAGCGT-- TGCTACAAC--- TGCTATGTT--- --TTATAGCGA-- ----ATAGCGAGG TGTATATAGC--- </pre>	
E_1096_1M-HK_pTH5584.2_ZFA169			
<pre> --ACCGCACCG-- -TACCGCACC--- -CGCCACACC--- --CCACACCGC- -AGCCGCACC--- -CGCCGCACC--- GCGCCGCAC--- --ACCGCTCCC--- --ACCACACC--- ----CGCACCGCA </pre>		<pre> --CGGTGCGGT-- --GGTGCGGTA- --GGTGCGGCG- -GCGGTGTGG-- --GGTGCGGCT- --GGTGCGGCG- --GTGCGGCGC- --GGGAGCGGT-- --GGGTGTGGT-- TCCGCTGCG--- </pre>	
E_1515_1M-HK_pTH5585.4_ZFA188			
<pre> --ACTTAGTCA--- -GGATTACTC--- -GATTACTCA--- -GATTACTCT--- -GATTACTCC--- --ACTTAGTCC--- ----TACTTAGTC --GCTTAATCA--- ATGATTACT--- --GCTTAGTCC--- </pre>		<pre> --TGACTAAGT-- ----GAGTAATCC- --TGAGTAATC-- --AGAGTAATC-- --GGAGTAATC-- --GGACTAAGT-- GACTAAGTA--- --TGATTAAGC-- ----AGTAATCAT --GGACTAAGC-- </pre>	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_1498_1M-ME_pTH5470.3_ZFA1			
<pre> --GGTGACCC----- --GCAGCACCC----- GGCAGCACCC----- --GGAACACCA----- --GCAACACCC----- --GCAGCACCA----- GGGAGCACCC----- GGCAACACCC----- -----TCCCTTTGT --GTAACACCC----- </pre>		<pre> -----GGGTGCACC- -----GGGTGCTGC- -----GGTGCTGCC- -----TGGTGTTCC- -----GGGTGTTGC- -----TGGTGCTGC- -----GGTGCTCCC- -----GGTGTGTTGCC ACAAAGGGA----- -----GGGTGTTAC- </pre>	
E_0493_1M-ME_pTH5471.1_ZFA2			
<pre> TGGAGGACC-- --ACAGCCCTA- --GCAGCCCTA- --ACAGCCCA- --CAGCCCAAT TTCCTCCTT-- --CAGCCCTAA --GCAGCCCAA- --GAGTCCTCC AGCAGCCCA-- </pre>		<pre> --GGTCCTCCA --TAGGGCTGT- --TAGGGCTGC- --TGGGGCTGT- ATTGGGCTG-- --AAGGAGGAA TTAGGGCTG-- --TTGGGCTGC- GGAGGACTC-- --TGGGCTGCT </pre>	
E_0496_1M-ME_pTH5421.1_ZFA3			
<pre> ---GCTGCACGG ---CGCTGCAGC- ---CACTGCAGT- ---CGCTGCACG- ---TGTCCTCAA- ---GCTGCATGT ---TGCTGCACG- TACTACCCA--- AGTAATGTA--- ---ACCTCAGAC </pre>		<pre> CCGTGCAGC--- --GCTGCAGCG-- --ACTGCAGTG-- --CGTGCACCG-- --TTGAAGACA- ACATGCAGC--- --CGTGCAGCA-- ---TGGTGAGTA ---TACATTACT GTCTGAGGT--- </pre>	
E_0497_1M-ME_pTH5422.1_ZFA4			
<pre> GGGTACCT----- GGGATCCT----- --GAACCCCTA---- --GGATCCCTA---- --GACCCTTTT----- -----CCCTAGGGA --CGACCCTAG---- --GGTACCTTA---- --AGGGCCCTA---- --TTGACCTTT----- </pre>		<pre> -----AGGGTACCC -----AGGGATCCC -----TAGGGTTCC- -----TAGGGATCC- -----AAAAGGGTC- TCCCTAGGG----- -----CTAGGGTCG-- -----TAGGGTACC- -----TAGGGCCCT- -----AAGGGTCAA- </pre>	
E_0350_1M-ME_pTH5423.1_ZFA5			
<pre> --TCCCGTCC-- --CCCGTCCC- --CCCGTCCA- --ACCGCTCC-- --GCCGCTCC-- ATCCCGCTC--- ---CCGCTCCAC --CCGCTCCG- --TCCGTCCTA- --CCGCTCCT- </pre>		<pre> --GGAGCGGGA- --GGGAGCGGG-- --TGGAGCGGG-- --GGAGCGGGT- --GGAGCGGGC- --GAGCGGGAT GTGGAGCGG--- --CGGAGCGGG-- --TGGAGCGGA-- --AGGAGCGGG-- </pre>	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_0351_1M-ME_pTH5424.1_ZFA7			
<pre>--TCCCCTCCC-- --CCTCGACCC-- TACCCCTCC-- --TCCCTCCCT-- --ACCCCTCCC-- --ACCCCTCCA-- --GCCCTCCT-- ---CCCTCCACC --CCCTCCCT-- --ACCCCTCCT--</pre>		<pre>--GGGAGGGGA-- --GGTGCAGG-- ---GGAGGGTA --AGGGAGGGA-- --GGAGGGGT-- --TGGAGGGGT-- --AGGAGGGGC-- GGTGGAGGG-- --AGGGAGGGG-- --AGGAGGGGT--</pre>	
E_0352_1M-ME_pTH5425.1_ZFA8			
<pre>--GGTGATGCA- AAGGTGATG--- ---GTGATGCAT ---GGGATGTA- --GGTGATGTA- --AGGTGATGC- --TGGTGATGC-- --CGGTGATGT-- --GGTGATGTC- --GGTGAGGTG-</pre>		<pre>--TGCATCACC-- ---CATCACCTT ATGCATCAC--- --TACATCCCC-- --TACATCACC-- --GCATCACCT-- --GCATCACCA-- --ACATCACCG-- --GACATCACC-- --CACCTCACC--</pre>	
E_0353_1M-ME_pTH5426.1_ZFA10			
<pre>CGCTCCGCC--- --CTCCGCCCC- --CTCCGCCAT- CGCTCCCTCC--- --GCTCCTCCC-- ---TCCTCCCCT --GTCCGCCCC-- --GCTCCGCCCC- --CTCCTCCCC- --CTCCTCCAT-</pre>		<pre>---GGCGGAGCG --GGGCGGAG-- --ATGGCGGAG-- ---GGAGGAGCG --GGGAGGAGC- AGGGGAGGA--- --GGCGGAAC- --GGCGGAGC- --GGGAGGAG-- --ATGGAGGAG--</pre>	
E_0355_1M-ME_pTH5428.1_ZFA15			
<pre>TCCCGCTGC-- --CCGCTGCAT --CCGCTGCAC --CCCGTGTCT- GCCCGCTGC-- --CCGCTGCGG --CCCGTGCA- --CCGCTGCC- --CCGCTGCG- ACCCGCTGC--</pre>		<pre>--GCAGCGGGA ATGCAGCGG-- GTGCAGCGG-- --AGCAGCGGG- --GCAGCGGGC CCGCAGCGG-- --TGCAGCGGG- --GCCAGCGGG- --CGCAGCGGG- --GCAGCGGGT</pre>	
E_0495_1M-ME_pTH5473.1_ZFA24			
<pre>--CCTTCTCC-- --CTTTCCCT-- --CTTCTCTCC-- --GCTTTTCCT- ACTTCTCTC--- --GCTTCTCCC- --GCTTTTCCA- ---CTTCTCCCC CCTTCTCTC--- --CTTCTCTCA--</pre>		<pre>--GGAGAAGGG- --AGGAAAAG- --GGAGAAGAG- --AGGAAAAGC-- ---GAGAAGAGT --GGGAGAAGC-- --TGGAAAAGC-- GGGGAGAAG--- ---GAGAAGAGG --TGAGAAGAG-</pre>	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_1052_1M-ME_pTH5569.1_ZFA45			
<pre> ---ATGTAGATC --AATGTAGAT- --TATATAGAT- --TCATGTAGA-- --CATGTAGAT- ---ATATAGATT --AATATAGAT- --TAATGTAGA-- ---ATATAGATC GCTATATAG---</pre>		<pre> GATCTACAT--- --ATCTACATT-- --ATCTATATA-- --TCTACATGA- --ATCTACATG-- AATCTATAT--- --ATCTATATT-- --TCTACATTA- GATCTATAT--- ---CTATATAGC</pre>	
E_1054_1M-ME_pTH5571.1_ZFA57			
<pre> --CGTCCTCTA --CATCCTCTA --CATCCTTTA AACGTCCTC-- --ACGTCCTCT- --GCGTCCTCT- --ACATCCTCT- --CATCCTCTT --CGTCCTTCA --CGTCCTCT-</pre>		<pre> TAGAGGACG-- TAGAGGATG-- TAAAGGATG-- --GAGGACGTT --AGAGGACGT- --AGAGGACGC- --AGAGGATGT- AAGAGGATG-- TGAAGGACG-- --AGAGGACGG-</pre>	
E_1057_1M-ME_pTH5574.1_ZFA75			
<pre> CGATGATGC---- --AGGATGCCG-- ---GGATGCCGC- --GTGATGCCG-- TATCGATAC---- --TAGGATGCC--- ---AGATGCCGA- ----GATGCCGCT ---GGATGCCGG- ----GATGCCGAC</pre>		<pre> ----GCATCATCG --CGGCATCCT-- --GCGGCATCC-- --CGGCATCAC-- ----GTATCGATA ---GGCATCCTA- --TCGGCATCT-- AGCGGCATC---- --CCGGCATCC-- --GTCGGCATC---</pre>	
E_0953_1M-ME_pTH5576.1_ZFA93			
<pre> --ACCGCTTCA- --CCGCTTCAT --CCGCTTCAC --GCCGCTTCA- TACCGCTTC-- GACCGCTTC-- --CCGCTTCAA GTCGCTTTC-- --CCGCTTCGA --CCGCTTCTT</pre>		<pre> --TGAAGCGGT- ATGAAGCGG-- GTGAAGCGG-- --TGAAGCGGC- --GAAGCGGTA --GAAGCGGTC TTGAAGCGG-- --GAAGCGGAC TGAAGCGG-- AAGAAGCGG--</pre>	
E_0955_1M-ME_pTH5578.1_ZFA107			
<pre> --ACCACCTCA- AGCAACCTC-- --GCAACCTCA- TGCAACCTC-- TACAACCTC-- --CAGCCTCAT TACCACCTC-- --GCAGCCTCA- --ACAGCCTCA- --ACCACCTCT-</pre>		<pre> --TGAGGTGGT- --GAGGTTGCT --TGAGGTTGC- --GAGGTTGCA --GAGGTTGTA ATGAGGCTG-- --GAGGTGGTA --TGAGGCTGC- --TGAGGCTGT- --AGAGGTGGT-</pre>	

Alignment Fwd	Logo Fwd	Alignment Rev	Logo Rev
E_0957_1M-ME_pTH5580.1_ZFA145			
<pre> -CCCATCCA-- ---CCTTCCACA --CCTTCCAG- --CCGTCAC- CCCCTTCC--- TACCTTCC--- --CTATTCCAA- --CCGATCCAC- --CCGTTCGCG- -ACCTTCCA-- </pre>		<pre> --TGGATGGGG- TGTGGAAGG--- -CTGGAAGG-- -GTGGAGCGG-- ---GGAAGGGGG ---GGAAGGTA --TTGGAATAG-- -GTGGATCGG-- -CGGGAACGG-- --TGGAAGGT- </pre>	
E_0958_1M-ME_pTH5581.1_ZFA152			
<pre> ----ACCGCGGTG --GGTGCCAC-- TCCCACCGC--- --AACCGCATT- ---CACCGCTTT- ---TACCGCAGC- --TACCGCAAT- -TGAACCGCA-- --GCACCGCAC- ----ACCGCAATT </pre>		<pre> CACCGCGGT---- --GTGCCAC-- ----GCGGTGGGA -AATGCGGTT--- -AAAGCGGTG--- -GCTGCGGTA--- -ATTGCGGTA--- --TGCGGTTCA- --GTGCGGTGC-- AATTGCGGT---- </pre>	
E_0959_1M-ME_pTH5582.1_ZFA160			
<pre> ---GCTATAGCA-- --CGCTATAAC--- --CGCTATAGC--- --CGCTACAGC--- ----TATAGCATA -GCGCTATAG---- --CGTAGAAC--- CTCGCTATG--- --CGCTATGAC--- ---GCCATAGCA-- </pre>		<pre> ---TGCTATAGC--- ---GTTATAGCG-- ---GCTATAGCG-- ---GCTGTAGCG-- TATGCTATA---- ---CTATAGCGC- ---GTTCTAGCG-- ---CATAGCGAG ---GTCATAGCG-- --TGCTATGGC--- </pre>	
E_0961_1M-ME_pTH5584.1_ZFA169			
<pre> -TAACCGCAT--- ATAACCGCA---- --CACCGCAC-- --AACCGCATT- --TACCGCTCC-- ----CCGCACCGC --TACCACACC-- ACCACCGCA---- --CGCCGCACC-- --TACCGCAAT-- </pre>		<pre> ---ATGCGGTTA- ----TGCGGTTAT --GGTGCGGTG-- --AATGCGGTT-- --GGAGCGGTA-- GCGGTGCGG---- --GGTGTGGTA-- ----TGCGGTGGT --GGTGCGGCG-- --ATTGCGGTA-- </pre>	
E_1499_1M-ME_pTH5585.4_ZFA188			
<pre> AACTAGTC- GGATTACTC- -ACGTAATCC -ACTTAGTCA TACTTAGTC- TGATTACTC- -GCTTGACCA -GCTTGATCA -GATTACTCT -GCTTAGTCA </pre>		<pre> -GACTAAGTT -GAGTAATCC GGATTACGT- TGACTAAGT- -GACTAAGTA -GAGTAATCA TGGTCAAGC- TGATCAAGC- AGAGTAATC- TGACTAAGC- </pre>	