

AVG Ct						
GENES	WA01	AE iPS	IMR-90 iPS	H7TF	IMR-90	WA07
ACLY	20.68	20.37	21.19	22.38	22.74	21.62
ACO1	23.17	23.06	24.08	23.88	22.12	22.93
ACO2	23.45	23.04	23	23.1	24.15	23.22
AGL	23.83	24.28	24.82	25.7	25.94	23.71
ALDOA	19.31	18.79	19.37	19.37	18.35	19.47
ALDOB	30	30	30	30	30	30
ALDOC	24.26	23.63	24.13	28.1	25.08	25.22
BPGM	23.51	23.53	23.9	22.74	23.13	23.54
CS	20.96	21.07	21.66	21.56	22.4	20.98
DLAT	21.73	21.69	22.56	23.56	24.35	21.85
DLD	25.68	26.16	26.64	26.24	27.34	25.65
DLST	22.62	22.38	23.08	23.05	23.99	22.56
ENO1	17.98	20.79	19.01	19.29	19.19	18.2
ENO2	23.54	23.28	23.3	24.09	22.77	22.73
ENO3	24.58	25.3	25.22	27.32	27.3	24.78
FBP1	25.91	26.32	25.51	29.94	30	26.87
FBP2	25.22	27.38	28.23	25.69	30	25.51
FH	21.26	21.18	21.68	21.38	22.58	21.68
G6PC	30	30	30	30	30	30
G6PC3	23.76	24.06	24.62	25.43	26.11	24.85
G6PD	25.93	25.35	26.14	25.42	24.87	26.09
GALM	25.56	25.16	26.04	25.49	26.3	25.32
GBE1	23.45	23.7	24.32	21.73	20.86	23.67
GCK	30	30	30	30	30	30
GPI	20.61	20.79	21.21	21.51	21.3	20.7
GSK3A	24.25	23.72	24.73	25.21	25.57	24.59
GSK3B	22.29	22.29	22.55	22.72	23.17	22.42
GYS1	23.88	23.8	23.83	24.01	22.92	23.97
GYS2	30	30	30	30	30	30
H6PD	27.43	26.44	25.78	24.58	24.47	27.15
HK2	25.2	25.33	25.53	27.87	26.4	26.34
HK3	30	30	30	30	30	30
IDH1	19.58	19.95	21.6	23.04	24.17	20.07
IDH2	23.13	23.21	23.48	23.87	23.73	23.58
IDH3A	23.04	22.84	23.36	22.58	23.51	22.66
IDH3B	21.91	21.75	22.43	22.89	24.22	22.15
IDH3G	23.44	23.25	23.66	23.38	23.78	23.76
MDH1	19.31	19.34	20.12	20.8	21.97	19.91

MDH1B	26.41	26.79	27.01	29.02	30	27.01
MDH2	20.01	19.68	20.02	20.19	20.67	19.89
OGDH	23.31	22.91	23.49	23.76	24.54	23.49
PC	25.16	25.22	25.72	26.85	25.39	26.56
PCK1	30	30	30	30	30	30
PCK2	22	22.25	22.61	24.95	24.38	23.01
PDHA1	21.59	21.61	22.09	22.36	23.22	21.46
PDHB	20.85	20.94	21.39	21.81	22.5	20.7
PDK1	24.59	24.85	23.69	25.67	23.06	22.36
PDK2	28.48	27.96	28.56	27.18	29.32	27.86
PDK3	22.91	23.56	22.41	23.68	25.05	22.36
PDK4	30	30	30	30	27.9	29.91
PDP2	24.22	24.53	25.51	26.7	27.05	24.58
PDPR	23.85	23.65	25.12	26.09	26.02	24.36
PFKL	23.34	22.73	23.15	22.7	22.34	22.81
PGAM2	26.88	26.29	27.52	28.77	28.05	26.67
PGK1	19.71	19.74	19.68	20.22	18.81	19.49
PGK2	30	30	30	30	30	30
PGLS	22.37	22.44	22.51	21.94	22.55	22.27
PGM1	23.49	23.23	22.34	22.2	22.52	21.52
PGM2	22.79	22.72	23.4	23.32	24.43	22.89
PGM3	22.35	22.73	23.11	22.59	23.08	22.46
PHKA1	26.53	26.35	26.56	26.98	28.01	25.99
PHKB	22.92	22.86	23.59	22.81	23.64	22.78
PHKG1	28.99	28.95	29.4	29	29.43	28.9
PHKG2	26.3	25.81	27.16	27.83	27.7	26.69
PKLR	28.62	30	30	30	30	29.56
PRPS1	21.55	21.3	20.78	22	23.33	21.06
PRPS1L1	30	30	30	30	30	30
PRPS2	23.5	22.63	23.18	23.55	23.88	23.46
PYGL	24.54	23.62	23.57	23.8	23.15	23.19
PYGM	26.63	26.41	27.29	30	30	27.8
RBKS	25.92	26.22	26.48	27.15	28.11	26.69
RPE	21.05	21.3	21.94	21.99	23.11	21.5
RPIA	23.7	25.21	23.83	24.72	25.39	23.78
SDHA	21.8	24.79	22.08	21.86	22.42	21.83
SDHB	21.52	21.38	21.94	21.64	22.5	21.49
SDHC	24.67	24.95	25.41	25.79	25.96	24.71
SDHD	24.18	24.28	24.92	24.77	25.29	24.25
SUCLA2	21.71	21.98	22.26	22.88	23.53	21.91

SUCLG1	23.38	23.42	24.26	23.02	23.89	23.09
SUCLG2	23.15	23.17	23.21	24.09	23.65	24.4
TALDO1	20.85	20.56	21.2	21.63	21.58	20.73
TKT	19.86	19.48	19.56	21.53	21.82	20.14
TPI1	19.43	19.05	19.82	20.25	19.08	19.21
UGP2	18.63	18.69	19.54	21.4	22.39	19