

SUPPLEMENTARY DATA

TABLE S1. Genetic analysis of diploid parental genotypes with SSR markers

SSR marker	T. Ciaculli	W. Leaf	Anana	Duncan	Star Ruby	Sweet orange ^a	Fairchild	Kara	Kinnow	Page	Sunburst	Mapo	Minneola	Murcott	Ortanique	Nadorcott
TAA 15	191 204	191 204	176 188	164 188	164 188	164 188	188 191	185 188	204 204	188 191	188 191	188 191	188 188	188 204	164 204	188 204
mCrCIR02D09	236 238	236 238	230 236	226 230	226 230	230 230	230 230	230 236	230 238	230 238	230 230	230 236	230 230	230 230	228 230	228 230
mCrCIR04H06	190 196	190 196	190 196	184 184	184 184	184 190	190 190	188 190	188 196	184 196	184 196	184 190	184 190	188 188	184 190	188 190
CAC 15	168 177	168 177	177 177	177 180	177 180	177 177	177 180	177 177	177 177	177 180	177 180	168 177	177 180	177 177	177 177	177 177
mCrCIR03C08	207 225	207 225	207 221	212 212	212 212	207 212	225 225	221 225	225 228	225 225	225 225	225 225	207 212	207 228	212 225	207 207
mCrCIR05A05	144 163	144 163	150 163	163 163	163 163	153 163	144 163	153 153	153 163	153 163	153 163	144 163	150 163	153 153	163 163	153 163
Ci01C07	260 262	260 262	260 280	276 280	276 280	280 298	260 276	260 298	262 298	276 298	276 298	260 276	262 276	298 298	262 280	262 298
mCrCIR07D06	179 188	179 188	179 188	166 188	166 188	166 188	166 188	188 197	188 197	166 195	188 197	179 188	188 195	197 197	166 188	188 197
mCrCIR03G05	226 228	226 228	199 224	199 228	199 228	199 228	228 228	224 226	226 226	228 228	199 228	228 228	199 228	226 228	199 228	226 226
mCrCIR02D04b	199 229	199 229	199 209	201 209	201 209	201 209	209 209	229 229	199 229	209 229	201 209	199 201	209 229	201 229	209 229	199 229
mCrCIR03D12a	251 280	251 280	251 261	253 261	253 261	253 261	261 261	280 280	251 280	261 280	253 261	251 253	261 280	253 280	261 280	251 280
Mest 15	204 210	204 210	192 204	192 192	192 192	192 201	192 201	192 207	192 210	192 204	201 204	192 204	192 204	192 207	192 207	192 204
Mest 88	111 111	111 111	130 130	100 100	100 100	117 117	111 111	103 103	103 111	117 117	117 117	100 111	117 117	100 103	111 111	100 111
mCrCIR07E12	114 118	114 118	118 124	124 124	124 124	118 124	118 124	118 120	114 120	118 124	118 124	114 124	118 124	118 120	118 124	118 118
Mest 56	135 139	135 139	139 141	135 135	135 135	135 147	135 139	137 145	135 145	135 145	135 145	135 135	135 145	145 145	135 135	135 145
mCrCIR02F12	122 130	122 130	122 126	122 130	122 130	122 130	120 130	120 130	120 130	122 130	120 130	130 130	120 130	120 130	120 122	130 130
mCrCIR01C06	133 165	133 165	131 133	133 159	133 159	133 159	131 165	131 145	159 165	133 159	133 165	133 165	133 159	131 159	131 159	131 159
TAA 1	161 164	161 164	161 161	161 164	161 164	161 164	161 164	161 161	164 164	161 164	161 164	161 161	161 164	161 164	161 164	161 164
Ci07C07	245 258	245 258	256 258	245 245	245 245	245 245	243 245	252 256	256 258	245 245	243 245	245 245	245 245	243 256	245 258	243 258
Ci02B07	180 188	180 188	188 188	178 182	178 182	178 182	180 188	178 182	180 188	180 188	180 182	178 188	178 188	188 188	180 182	180 188
mCrCIR02G02	116 122	116 122	112 122	112 122	112 122	112 122	112 122	112 124	116 122	112 122	112 112	116 122	112 122	116 122	112 122	122 140
mCrCIR02G12	250 250	250 250	250 256	250 250	250 250	240 250	250 250	244 258	250 258	250 250	250 250	250 250	240 250	240 258	248 250	240 250
Ci07C09	258 268	258 268	258 274	264 274	264 274	258 274	258 274	258 266	268 274	258 274	258 274	258 274	258 274	258 274	258 274	258 274
Mest 192	222 222	222 222	222 222	202 222	202 222	222 226	222 232	222 240	222 240	222 222	222 232	222 222	222 232	222 240	216 226	222 240
P(N)^b	0.00010	0.00010	0.00031	0.00189	0.00189	0.00037	0.00092	0.00017	0.00012	0.00042	0.00023	0.00055	0.00257	0.00107	0.00017	0.00037

Numbers indicate the size in nucleotides of the alleles for each SSR marker.

^a With all SSR markers that were used, the profiles obtained for the different genotypes of 'sweet orange' were identical and hence we refer to them all with the one generic name.

^b Probability that a zygotic plant arising from selfing would not be different from the nucellar plants.