

Table S1 Nucleotide sequence of Primers

CYP	Nucleotide Sequence of Primer (5'-3')		Restriction Site
	Forward	Reverse	
CYP675A2	CCGACTTGTTGAGACTTCGC	GGGCTCTAGATCAACGACGTCTGAACAT	<i>Xba</i> I
CYP620H3	CCCCTCTACCAACGTTAGGC	GGGCTCTAGATTAACACTCCACCTTCTCG	<i>Xba</i> I
CYP682D2	CCGTGCATCCTTCGGTAT	GGGCTCTAGACTATTTTATTAAGACCCGCA	<i>Xba</i> I
CYP65AD1	CCTTGCCCTGCCAACAACT	GGGCTCTAGACTATATTTTCCTAGGCAG	<i>Xba</i> I
CYP62C2	CCGAGTGGCAGATATACTTGG	GGGCTCTAGATCAGTAGTTACACTCAACCT	<i>Xba</i> I
CYP57B3	CCATAGGGACGGTCTTGG	GGGCTCTAGACTAAGCCACATTTTCGACC	<i>Xba</i> I
CYP52G4	CCTCCGATGCTCGTACAAC	GGGCTCTAGACTATAGCTCGGCCTGGTG	<i>Xba</i> I
CYP5076C1	CCGATATCAAGGAAAAGCC	GGGCTCTAGACTATATAGCACGTTTTTGAA	<i>Xba</i> I
CYP504B6	CCGCCATAACAGCAACTCT	GGGACTAGTTCATATAACACGCTTCAAGGA	<i>Spe</i> I
CYP5116A1	CCTCGTTATTTCTTGTGATAGTG	GGGCTCTAGATCAAACAGGTCCAG	<i>Xba</i> I
CYP65AC2	CCACTTTGAGTGCAGAATCAT	GGGCTCTAGACTAGCGAACCACAGGC	<i>Xba</i> I
CYP65AB1	CCCTGTTCTCCTTGGGAC	GGGCTCTAGATCAATGCCTTAATGGCTT	<i>Xba</i> I
CYP613C1	CCGATTGCTTCTCTCTAGATGG	CCCCCTCGAGTTAATCGTTTCTACGTTGA	<i>Xba</i> I
CYP660C2	CCTCTGGTTCCACCACGA	GGGCTCTAGATTACCCAATTATCAGGCCA	<i>Xba</i> I
CYP58H1	CCGATGAATTTACAATTTCCGC	GGGCTCTAGATTAAGATTTACTTGCAATCC	<i>Xba</i> I

CYP5099A1	CCGAGCATCACACTTGGGCA	GGGCTCTAGATCAAGTGCACAGGTGG	<i>Xba</i> I
CYP5286A1	CCGCCTCGCCTATGAAGT	GGGCTCTAGACTAGATAGCGGGTCTGAA	<i>Xba</i> I
CYP655B1	CCTTTACCCTAACAGAGTACTTCATC	GGGCTCTAGATTACGCAGTCTTTACAG	<i>Xba</i> I
CYP505A3	CCAGCACGCCCAAGGCA	GGACTAGTTTAAGCAAAAATATCCGTAGTA	<i>Spe</i> I
CYP5061B5	CCCCTGTGCTTGCTACCTT	GGACTAGTCTAGTCAGTCGTTCCCT	<i>Spe</i> I
CYP51F2	CCGCATCCTTCACTCTCGT	GGACTAGTTCATGACTTTTCTGGGA	<i>Spe</i> I
CYP617D4	CCATGGGACTTCCCTGG	GGACTAGTTCACCACCCTTCTATATTA	<i>Spe</i> I
CYP61A6	CCGACGCCAAGATGGCTA	GGACTAGTCTAAGGCCGCCTCTTGAA	<i>Spe</i> I
CYP5068A2	CCGAACTGATCATCGGCCTCT	GGACTAGTTCAAATACGGTCTCGGAT	<i>Spe</i> I
CYP61A1	CCGCCAACGTCACTGGGAG	GGACTAGTTTAGGCACGAGGGCGGAA	<i>Spe</i> I
CYP59D2	CCGGTGCTAACACCTTGGGA	GGACTAGTTCAACGTAGAGTAACTTTACAA	<i>Spe</i> I
CYP504A8	CCTCGTTACAAACAATTGCGAT	GGACTAGTCTACAGATCCTTCGTCCG	<i>Spe</i> I
CYP595B1	CCTTCGGTCAAATCTTCTCCAGT	GGACTAGTTCAAATACTAAATCCTCGGT	<i>Spe</i> I
CYP5111A1	CCCTTCAGGATTTAATAGCCACTCT	GGACTAGTTTAATGTAACATGAAGAT	<i>Spe</i> I
CYP5075B1	CCTTGCTAATCATCGCAGTG	GGACTAGTTCACTCAACCTGCTCCCA	<i>Spe</i> I
CYP578C2	CCGCCGGATCGCCTATAGTGG	CCCCAAGCTTTTACGCGGCTTCAAAT	<i>Hind</i> III
CYP573A5	CCGTTCTTGCAGGGGAGGA	GGGCTCTAGATCATAGAGGCTTCACAG	<i>Xba</i> I
CYP58D2	CCGGTGTGATTTCCGTTGTC	GGGCTCTAGACTAGTCTTTGCGGATGC	<i>Xba</i> I
CYP65X1	CCGCCCTTGCAGCTGAGTACTT	GGGCTCTAGATCATGCAAATCTGTGAGT	<i>Xba</i> I

CYP548F1	CCATCTTACTCTTGTGTACTAGTCTTTTG	GGGCTCTAGACTATGGTACCTTAACATTTTC	<i>Xba</i> I
CYP5070A1	CCGCGCTTTTTACATTCCG	GGGCTCTAGACTATCCATCAAGTTTACTG	<i>Xba</i> I
CYP5110A1	CCGCAATCCAATCGACTCTG	GGGCTCTAGATCACACTCCTAAGACG	<i>Xba</i> I
CYP577A4	CCACTATCACACTCGTTGCAAT	CCCCCAAGCTTTTAGGGGAAACATACTCG	<i>Hind</i> III
CYP65AC1	CCAGCCAATTTGCTCGCGAGA	GGGCTCTAGATCAGCGTGC GACTGGA	<i>Xba</i> I
CYP59A4	CCTACCTTTTCGCTCCTCATA	GGGCTCTAGATCAACATCGTTCCTTGACA	<i>Xba</i> I
CYP60B3	CCTATTTTCTCTCGCTACCAG	GGGCTCTAGATTACTGTGGACTGCTGGAA	<i>Xba</i> I
CYP62A1	CCACCAACACTGCGTCAAGAG	GGGCTCTAGACTACAAC TGAATGGCGCA	<i>Xba</i> I
CYP584G1	CCGCTGTTTCCCTGAGTTTTCTTAC	GGGCTCTAGACTAAGCAGGCACCATCG	<i>Xba</i> I
CYP620G1	CCATGTACACTTTAAGCACCTTGG	GGGCTCTAGACTATACCCTCACTGACTC	<i>Xba</i> I
CYP65T4	CCCCATTCAACATACTATTGTG	GGGCTCTAGACTAGCCCC TAAAGCTCTC	<i>Xba</i> I
CYP58E2	CCCTGGACACCATTT CAGAAAG	GGGCTCTAGATTACAGGATCTTTTCCGT	<i>Xba</i> I
CYP540B10	CCCCTATACGACAGTTCTATCTCC	GGGCTCTAGATTAGTTCTCCGTCTTCGGTG	<i>Xba</i> I
CYP65AG1	CCACAAC TTCGGTCTCGGCT	GGGCTCTAGATCAATCAGTCTCCTGTGGTA	<i>Xba</i> I
CYP5119A1	CCCTCCCTACCCTTCCCAATA	GGACTAGTTCAGTAGCGCTCAAATGCTTTA	<i>Spe</i> I
CYP65AE1	CCGAAGCCTTGCCAACCTAC	GGGCTCTAGATCATT CACGGACTGGGA	<i>Xba</i> I
CYP5098A1	CCGGTCTAATATTAGCATTTGCCGT	GGGCTCTAGATTATGCGGAGGCCGTGTGGA	<i>Xba</i> I
CYP51F1	CCGGCATCCTAGCTGTCATTC	GGGCTCTAGACTACGCCTTGGTGACAG	<i>Xba</i> I
CYP620H1	CCATGCTTGTAGTCAGCCTCCTC	GGGCTCTAGATCAGATTTTCAGCTGAAGTT	<i>Xba</i> I

CYP53A13	CCATTGCCGAGCTCCTGACGCCCA	GGGCTCTAGACTAAACAGCAACACTTCTC	<i>XbaI</i>
CYP630D1	CCGCACTAGAAAAGTTATTTCATTGTGG	GGACTAGTCTATGCTTCGAGATCCCTCTCC	<i>SpeI</i>
CYP620H9	CCTCTTACATGGTTCTTGGGCT	GGGCTCTAGACTACAGTACCGCAAT	<i>XbaI</i>
CYP5089A2	CCGTCTCCAGTACGGCCTTT	GGGCTCTAGATCACGCTAATTCTTCATACT	<i>XbaI</i>
CYP5097A1	CCGATCTTACTCTTCATCTCATCCT	GGGCTCTAGACTAGAATCCTAGACTACTT	<i>XbaI</i>
CYP657B2	CCGAAAAGGATGGATTATCTA	GGGCTCTAGATCACACACGCGCTATTATAC	<i>XbaI</i>
CYP620H2	CCTTGGTCCCTAGTCAGCCTCGT	GGGCTCTAGATCAGATCCTCAATTGTG	<i>XbaI</i>
CYP628C1	CCGATACATTGTGGGTCTTG	GGGCTCTAGATCACCTCTCACGGAATAC	<i>XbaI</i>
CYP541B3	CCCCGTCGCCGATTCCGAAGCCGAAAGG	GGGCTCTAGATTAGGCAGCGCGAGCCC	<i>XbaI</i>
CYP653B1	CCGATTACATGGATTATTTGAAAGAA	GGGCTCTAGATCAGATATCAACGTTTTTC	<i>XbaI</i>
CYP55A5v2	CCCAGTTAGAACCAGTGTATCCCAG	GGACTAGTTCAATCTCTATCCCAAGTCAC	<i>SpeI</i>
CYP673C1	CCACCCTTCTTCAGAATATC	GGGCTCTAGATCAACGAACTCGAGCTCTAA	<i>XbaI</i>
CYP535E1	CCGGGTAGTCGAGCTGGTCTT	CCCCAAGCTTCTAGAGACAGCTACCCA	<i>HindIII</i>
CYP5109A1	CCTCACCGTTCATCTTTGCTG	GGGGCTCTAGATTATGACCAGGATCTTG	<i>XbaI</i>
CYP630B13	CCTTATCTCTTGTCCTTGTTGC	CCCCCTCGAGCTAGCCATCAAACCTGCG	<i>XhoI</i>
CYP660C1	CCTCGGATATCCTCTCCATTATAG	GGGGCTCTAGATTATCCAGTGATCAGAC	<i>XbaI</i>
CYP5093A2	CCGATTATATCCACTCGCTCC	GGACTAGTTCAAGAGTTGCCTTGCATTC	<i>SpeI</i>
CYP551A2	CCGAAGATACCTTTAACTTGACC	GGGCTCTAGATCACCGTATCAAACCCT	<i>XbaI</i>
CYP548D3	CCCTCGTCCAGGAGGTTTG	GGGCTCTAGACTAGACGGTTATATCCCTC	<i>XbaI</i>

CYP58K1	CCGTGATGGACCAGGC	GGGCTCTAGATTACTCCCTCACGGCCTT	<i>Xba</i> I
CYP5068B1	CCGTTTCATATGAATGGTGTCTC	GGGCTCTAGATTACGCAGACGAATCCTT	<i>Xba</i> I
CYP5118A1	CCTTCGTTCTTCCAACCAC	GGGCTCTAGACTAAATGCGGGGTGTCAG	<i>Xba</i> I
CYP540B9	CCCCTATCAGACTCTTCTACCTTTC	GGGCTCTAGATCAAAGTGAAGCTCTCGTA	<i>Xba</i> I
CYP630A3	CCCCTGGAATCTATGTTTTGG	GGGCTCTAGATCATGCCTTTTCCCTTC	<i>Xba</i> I
CYP620H4	CCGCTTCCCTACATTTGGC	CCCCCTCGAGCTATACCTTAATATTAACAA	<i>Xho</i> I
CYP56C1	CCGTCATGCACGGCCTCTGTA	GGGCTCTAGATTACTTGCCTTCGGTGAAAA	<i>Xba</i> I
CYP5042A2	CCGGAGCATCAATCCAT	GGGCTCTAGATCAAATTAGGCGCTTAGCAT	<i>Xba</i> I
CYP58J1	CCGATTCACCAAGACTCTGGA	GGGCTCTAGATCAATCCTCATAAACCCCTCA	<i>Xba</i> I
CYP684A2	CCGATTCGGGTTTATTTCGC	GGGCTCTAGATCACACTTCCAGGAGGC	<i>Xba</i> I
CYP5080B2	CCTATATCCTACTCCTTCTCCCAGTTC	GGGCTCTAGACTACGCTTGTTTGGC	<i>Xba</i> I
CYP5113A1	CCACGGCCGAAACGGGATT	GGGCTCTAGATTATGCATCCC GG CACA	<i>Xba</i> I
CYP5107A1	CCATTGGCGAGCAGTATAACC	GGGCTCTAGATCATGTCATCCTCTTG	<i>Xba</i> I
CYP51F4	CCTCCTGGCCTCGGATTGG	GGGCTCTAGATTATCCCGATTTTGCAG	<i>Xba</i> I
CYP531E1	CCTTATCTATCACCGAGCTGATAATG	GGGCTCTAGATTAAACACTGACAGCCA	<i>Xba</i> I
CYP5087B1	CCTCACCTCGGGGCAAAATG	GGGACTAGTTTAACTCAAACCTATGAGA	<i>Spe</i> I
CYP58G1	CCAATCTACCCTTGATTTGGA	GGGCTCTAGATCACAGAGCATTAGTAAC	<i>Xba</i> I
GYP58F1	CCGCCTTGTTGGTGATATTAG	GGGCTCTAGACTACTCGCTAATAACTCCC	<i>Xba</i> I
CYP5106A1	CCTCTTTTGCCTCAGCACTCAT	GGGCTCTAGACTATCGCCCCACCCAT	<i>Xba</i> I

CYP548H1	CCCAGGCAGTCGCGCTGCTGAGA	GGGCTCTAGACTACCGGAAAGAAACCTG	<i>Xba</i> I
CYP567D2	CCC GTTCATCCACACAGTTGACAGCGCTTTACTGGGTT	GGGCTCTAGATCAATGGTCTCTAGTGCAG	<i>Xba</i> I
CYP654B1	CCGACTTATTCCCAGAGACTAT	GGGCTCTAGACTATGTGCACCTTCTCC	<i>Xba</i> I
CYP682B2	CCACTCTAATATCGCTGTCTCTTCTT	CCCCCTCGAGCTACTGCGCACTTAATCT	<i>Xho</i> I
CYP52H3	CCCTGGCCCAAATTGCTCC	GGGCTCTAGATTACTGGTTAAACCAGCA	<i>Xba</i> I
CYP5117A1	CCA ACTCAATTTCCGCCCTGT	GGGCTCTAGACTAACTCTTACAGGGTGC	<i>Xba</i> I
CYP68Q1	CCGACCATTTTAATCTGGCAGG	GGGCTCTAGATTATCGCTCAAACCAAGAAG	<i>Xba</i> I
CYP5094A1	CCGCTTCCTTAACAGGTGCT	GGGCTCTAGATCAAGAACGAGTAAATGTC	<i>Xba</i> I
CYP5053C1	CCGTCACATTCTGGACAGGC	GGGCTCTAGATCATAGTTTCTCTGGATTGT	<i>Xba</i> I
CYP620K1	CCGAGTCTATACTTCTATTTCTCACTATT	GGGCTCTAGATCACACCAGCCTAAGCTC	<i>Xba</i> I
CYP65AF1	CCAATGTTCCGATAATCATGCTTTTCT	GGGCTCTAGACTATATCCCAACCCTAGGTC	<i>Xba</i> I
CYP52G3	CCATTCCCCTTCTCATTCTT	GGGCTCTAGACTAAGCCCCCTCCCTCAAC	<i>Xba</i> I
CYP653C1	CCGACAAATTGACCGCCAC	GGGCTCTAGACTACGCTGTACTCCGC	<i>Xba</i> I
CYP630B12	CCTGGTCCGCTCTATCTATCG	GGGCTCTAGATCATGCCTCCTGCACATTG	<i>Xba</i> I
CYP631B2	CCTTAATACTTCTCGGATTACTATGCC	GGGCTCTAGATCAATGAGGAACGGCA	<i>Xba</i> I
CYP531C3	CCGATTCTTTTCTGTTTTTGG	GGGCTCTAGATCAGGAGCGACGGGAGAGTT	<i>Xba</i> I
CYP584E5	CCGAACTCCTTCCAAAACCTCGTAA	GGGCTCTAGATCAAGGAATAAGCCCAACT	<i>Xba</i> I
CYP52K1	CCCTAACCCTTTCTTTCTCTGCGT	CCCCCTCGAGTTATCGACCTAGTGTCA	<i>Xho</i> I
CYP68L2	CCTTGGGCGATCTTTTC	CCCCCTCGAGTCACAGAACGGTTTCT	<i>Xho</i> I

CYP537B2	CCTGGTCATTATGGTTATCTAGTATT	GGACTAGTCTACGCAGTATCGACATCATC	<i>SpeI</i>
CYP5095A1	CCGGATTCACCCAGGATCT	GGGCTCTAGACTAGTTAATCTTCACACG	<i>XbaI</i>
CYP578B3	CCACATCCGCTACCGCAAT	GGGCTCTAGATCATGCCTCCTTTATAGGG	<i>XbaI</i>
CYP630B11	CCTACAGCTTACTTCTTATTGTCACCTC	GGGCTCTAGATTAATTATCTTCATATACCC	<i>XbaI</i>
CYP532A6	CCACGCTTCTTGCGGAGGT	GGGCTCTAGACTACTGTACCTCAATCTTCC	<i>XbaI</i>
CYP547C3	CCGACTTGATGCTCGCCCT	GGGCTCTAGATCACCAGTCATCCACC	<i>XbaI</i>
CYP5078A5	CCATTGACGCCGCGAGTGTT	GGGCTCTAGATCACGAACGCACCCTTG	<i>XbaI</i>
CYP5102A1	CCGTTGTGTGTGTGATTACGGT	GGGCTCTAGATCACTGGGAATTGGTCCTT	<i>XbaI</i>
CYP5101A1	CCTTGGATGACCTAGTGAGCA	GGGCTCTAGACTACACGTTACGGCGA	<i>XbaI</i>
CYP5075A1	CCCTTCTACTGCTGCTCGAAACT	GGGCTCTAGATTAGACCCGCCGACATTT	<i>XbaI</i>
CYP5100A1	CCCCTGCAATCAGTCTTTCTTT	GGGCTCTAGACTAGCAGATAAAAAGGAT	<i>XbaI</i>