

# Figure S1

	1	50
Nmnat1	(1) -----	
Nmnat3	(1) -----	
dNmnat	(1) -----	
yNmnat2	(1) MDPTKAPDFKPPQPNEELQPPPDPHTTIPKSGPIVPYVLADYNSSIDAPF	
mjNmnat	(1) ----- 51	100
Nmnat1	(1) -----	
Nmnat3	(1) -----	
dNmnat	(1) -----	
yNmnat2	(51) NLDIYKTLSSRKIQNANSSNRMDIPLNTSDFQPLSRDVSSSEESEGQSNG	
mjNmnat	(1) ----- 101	150
Nmnat1	(1) -----	
Nmnat3	(1) -----	
dNmnat	(1) -----MIVKISWPIONNITSECFRFGSFKRRSKSKIMSAFI	
yNmnat2	(101) IDATLQDVMTGPNLGVLSQIAADLEEVPHITVRQARTIEDYEFPVHRLTK	
mjNmnat	(1) ----- 151	200
Nmnat1	(1) -MDSSKKTEVVLLACGSFNPITNMHLRLPFLAQYMHATOKYSVINGIIS	
Nmnat3	(1) ---MKNRIFPVVLACGSFNPITNMHLRLPFLAQYMHATOKYSVINGIIS	
dNmnat	(37) EETKSLLPRIAFIACCCFSPPTPMHLRMEIAKOHFEMQGTHRVVGGIIS	
yNmnat2	(151) KLQDPEKLPLIIVACGSFSPIITYLHLRMEIAKOHFEMQGTHRVVGGIIS	
mjNmnat	(1) ----- 201	250
Nmnat1	(50) PVGDAYKKKGGLI PAHHRIIMAEALATK-NSHHVEVDWESIQLKEWVEVVKV	
Nmnat3	(48) PVNSDYCKKDILVASHHRAVAVRLALQ-TSDGIIPVDPWESQAOWMETVKV	
dNmnat	(87) PTHDSYOKKGGLASALDRCAVVKLATQ-SENNAIRLSDWEVHQNQWMTQAW	
yNmnat2	(201) PVSDNYQKRGGLAPAYHVRVACELACERTSALMVAEVESILOSSYTRTAKV	
mjNmnat	(1) -----MRGFIIGRFQPFPHKGHLEVKK 251	300
Nmnat1	(99) URYIQEKLATGSCSYPOSSPALEKPGRKRKWADQKDSSPQKPQEPKPTG	
Nmnat3	(97) URHHRRELLRSSAQMDGPDPSKTPSAS-----AA	
dNmnat	(136) LQHQQNYINNNHINSGGGGDGENTHLPGWLPRGLHD-----RD	
yNmnat2	(251) UDHFNHEINIKR-----GIMTVDGEIKMG-----	
mjNmnat	(23) IAEEVDEIIIGICSAQKSHTLENPFTAG----- 301	350
Nmnat1	(149) VPKVKLLCGADLLESFSPVNLWKMEDITQIVANGLICITRAGSDAQKF	
Nmnat3	(126) LPELKLLCGADVLKTEQTINLWKOTBHQEIVEKFGLVCVSRSGHDPERYI	
dNmnat	(176) PVHLKLLCGADLLESFAVPGIWAEADEDITDVANHGIVVITRAGSNPGKF	
yNmnat2	(275) -VKIMLLACGDLIESMGEPHVVAQSDSLHHBLQNYCCLIVERTGSDVRSFL	
mjNmnat	(51) ERIMMITQSLKDYLDTYYPIPIKQIEFNSLWVSYVESLTPPFDIVYSGNP 351	400
Nmnat1	(199) YESDVLWRHOSNIHLHVNEWITNOISSTKIRRALPFGQSIYLVVVDLVQEF	
Nmnat3	(176) SDSPLIQQFOHNINHAREPVLINEISAGTVKALGOGQSVNLLPEAVITY	
dNmnat	(226) FDSDDLTKYQSNITLITNNVPNEVSSTLIRRLLQGQSVNLLDDLVLEY	
yNmnat2	(324) LSHDIMYEHRRNIIILIKQLIYNDIISSTKVLFLFIPROMGVOYLLPNSVIRY	
mjNmnat	(101) LVRVLFEERGYEVKRPEMFNRKRYSCPIIRRMLNCEKWEHLVPKAWDV 401	437
Nmnat1	(249) DEKHELYNTSESEGRNAGVTIPLQLRNAAEAKHNHSTL	
Nmnat3	(226) IRDQGLYINDGSWKGKGKGTG	
dNmnat	(276) IGRQRQLFNFKSRDAPAPTECDS-----	
yNmnat2	(374) IQEYNLYINQSEPVKQVLDLSKE-----	
mjNmnat	(151) IIEIKGVERLRKLAQTDK-----	