

Alternative Language Abstract S1. Translation of Abstract into Thai by Sutas Suttiprapa.

การสร้างพยาธิซิสโตโซมแปลงพันธุ

Victoria H. Mann^{1,*}, Sutas Suttiprapa^{1,*}, Gabriel Rinaldi^{1,2,*}, Paul J. Brindley¹

1 Department of Microbiology, Immunology & Tropical Medicine, George Washington University Medical Center, Washington, DC 20037 USA

2 Departamento de Genética, Facultad de Medicina, Universidad de la República, (UDELAR), Montevideo, Uruguay

* Equal contribution

บทคัดย่อ

พิมพ์เขียวของจีโนมของพยาธิซิสโตโซม (schistosome) ชนิด *Schistosoma japonicum* และ *S. mansoni* ขณะนี้สามารถนำมาใช้ประโยชน์ได้แล้ว ลำดับดีเอ็นเอของพยาธิซิสโตโซมประกอบด้วยยีนที่สามารถแปรรหัสเป็นโปรตีนได้ประมาณ 13,000 ชนิด ซึ่งมีส่วนน้อยของยีนเหล่านี้เท่านั้นที่ทราบบทบาทหน้าที่ในพยาธิ ยีนใหม่ที่ยังไม่ทราบหน้าที่เป็นเป้าหมายที่สำคัญในการพัฒนาการรักษา เครื่องมือในระดับโมเลกุลเป็นสิ่งที่ต้องการเพื่อใช้ตรวจสอบความสำคัญของยีนใหม่ ๆ เหล่านี้ การแปลงพันธุ (transgenesis) มีบทบาทในการศึกษาความสำคัญของยีน โดยการศึกษาด้วยวิธีการเพิ่มและการลดบทบาทหน้าที่ของยีน เช่นการตรวจกรองผลของการกลายพันธุ์ (insertional mutagenesis screening) และการแทรกแซงการแสดงของยีนด้วยอาร์เอ็นเอ (RNA interference) ซึ่งบทความนี้จะเน้นการพัฒนาวิธีการ ระบบ และเครื่องมือเพื่อแสดงให้เห็นถึงปัญหาของการสร้างพยาธิซิสโตโซมแปลงพันธุ ซึ่งสามารถนำไปประยุกต์ใช้ในการตอบปัญหาพื้นฐานทางด้านสรีรวิทยา ความสัมพันธ์ระหว่างโฮสต์กับพยาธิ และการพัฒนาการรักษาด้วยวิธีใหม่