

Table S2- Pairwise genetic distance matrices for the A genome of *S. alburnoides* complex populations based on F_{ST} (below diagonal) and G'_{ST} (above diagonal) estimators. Do, Douro River basin; Mo, Mondego River basin; Tg, Tagus River basin; Gd, Guadiana River basin.

	Do-Tâmega	Do-Rabaçal	Do-Paiva	Do-Manzanas	Do-Lodeiro	Mo-Ceira	Mo-Alva	Tg-Almonte	Gu-Zujar
Do-Tâmega		0,211	0,432	0,116	0,490	0,906	0,898	0,798	0,778
Do-Rabaçal	0,120		0,591	0,279	0,622	0,832	0,819	0,740	0,699
Do-Paiva	0,302	0,359		0,658	0,000	1,000	1,000	0,972	0,944
Do-Manzanas	0,089	0,184	0,548		0,694	0,877	0,860	0,768	0,736
Do-Lodeiro	0,416	0,475	0,000	0,657		0,988	0,968	0,917	0,889
Mo-Ceira	0,679	0,556	0,843	0,747	0,881		0,296	0,842	0,796
Mo-Alva	0,630	0,512	0,771	0,689	0,832	0,230		0,774	0,748
Tg-Almonte	0,436	0,352	0,571	0,493	0,704	0,555	0,473		0,513
Gu-Zujar	0,384	0,297	0,504	0,432	0,651	0,490	0,422	0,199	