

Table S1 The *CsERF* genes identified in this study are listed according to their *CsERF* numbers defined by multiple sequence alignment (Figure S2).

Serial No.	Gene Name	Gene ID	CuGI(5'-3')	Length of chr (bp)	Chromosomal location	Length (a.a.)	No. of Introns	Group name
1	<i>CsERF001</i>	Csa002836	1350153-1349175	22434855	4	180	1	V
2	<i>CsERF002</i>	Csa014841	15208734-15209357	22434855	4	138	2	V
3	<i>CsERF003</i>	Csa005862	18494975-18495575	22000590	2	164	1	V
4	<i>CsERF004</i>	Csa001957	15271088-15271957	17370973	7	196	1	V
5	<i>CsERF005</i>	Csa005861	18488382-18489011	22000590	2	175	1	V
6	<i>CsERF006</i>	Csa006854	631812-630472	22000590	2	246	1	V
7	<i>CsERF007</i>	Csa002035	31922812-31923895	34445220	3	194	1	V
8	<i>CsERF008</i>	Csa022657	8462-9248	13703	Scaffold000393	223	1	V
9	<i>CsERF009</i>	Csa003049	1527385-1528304	22434855	4	190	2	V
10	<i>CsERF010</i>	Csa009694	26544766-26545851	28091742	5	361	0	V
11	<i>CsERF011</i>	Csa015404	19399419-19400496	28091742	5	212	0	V
12	<i>CsERF012</i>	Csa020206	8143974-8143339	22434855	4	211	0	V
13	<i>CsERF013</i>	Csa019531	316141-316866	319939	Scaffold000131	241	0	V
14	<i>CsERF014</i>	Csa007982	17124858-17125502	26547709	6	214	0	VIII
15	<i>CsERF015</i>	Csa011614	9915259-9915918	26547709	6	219	0	VIII
16	<i>CsERF016</i>	Csa019805	3390113-3389469	34445220	3	214	0	VIII
17	<i>CsERF017</i>	Csa016336	7651209-7651703	25430643	1	164	0	VIII
18	<i>CsERF018</i>	Csa015626	19286010-19286591	22434855	4	193	0	VIII
19	<i>CsERF019</i>	Csa003390	2180880-2180251	17370973	7	209	0	VIII
20	<i>CsERF020</i>	Csa016229	7666682-7666047	25430643	1	211	0	VIII
21	<i>CsERF021</i>	Csa000861	21263555-21264580	28091742	5	341	0	VIII
22	<i>CsERF022</i>	Csa011398	14429466-14430542	22000590	2	358	0	VIII
23	<i>CsERF023</i>	Csa003016	1119240-1119923	22434855	4	227	0	VIII
24	<i>CsERF024</i>	Csa023463	3481-4167	6853	Scaffold000677	228	0	VIII
25	<i>CsERF025</i>	Csa009872	16743027-16740950	17370973	7	389	1	VII
26	<i>CsERF026</i>	Csa013360	22272823-22271143	34445220	3	370	1	VII
27	<i>CsERF027</i>	Csa002799	1832463-1831545	22434855	4	272	1	VII
28	<i>CsERF028</i>	Csa007704	7871002-7869906	26547709	6	337	1	I
29	<i>CsERF029</i>	Csa003368	2420250-2419057	17370973	7	397	0	I
30	<i>CsERF030</i>	Csa000642	24948986-24949513	26547709	6	175	0	IX
31	<i>CsERF031</i>	Csa012067	22481978-22481499	26547709	6	250	1	I
32	<i>CsERF032</i>	Csa011099	14386960-14385884	22434855	4	358	0	I
33	<i>CsERF033</i>	Csa006177	9209327-9208125	22000590	2	400	0	I
34	<i>CsERF034</i>	Csa016672	9166496-9167080	22434855	4	194	0	IX
35	<i>CsERF035</i>	Csa012537	1252601-1253083	28091742	5	160	0	IX
36	<i>CsERF036</i>	Csa012536	1247100-1247813	28091742	5	237	0	IX
37	<i>CsERF037</i>	Csa017104	1586163-1585129	34445220	3	344	0	IX
38	<i>CsERF038</i>	Csa002749	2287694-2286942	22434855	4	250	0	IX
39	<i>CsERF039</i>	Csa017144	1669749-1670588	34445220	3	279	0	IX

40	<i>CsERF040</i>	Csa000407	6006431-6005958	34445220	3	157	0	IX
41	<i>CsERF041</i>	Csa015122	20933066-20933446	34445220	3	126	0	IX
42	<i>CsERF042</i>	Csa000150	8965136-8964735	34445220	3	133	0	IX
43	<i>CsERF043</i>	Csa019346	11809343-11809789	17370973	7	148	0	IX
44	<i>CsERF044</i>	Csa022480	10161945-10162631	22000590	2	228	0	IX
45	<i>CsERF045</i>	Csa000151	8945006-8944320	34445220	3	228	0	IX
46	<i>CsERF046</i>	Csa001354	18506357-18505683	34445220	3	224	0	IX
47	<i>CsERF047</i>	Csa019306	11796883-11796188	17370973	7	231	0	IX
48	<i>CsERF048</i>	Csa010078	20115512-20116789	26547709	6	338	1	X
49	<i>CsERF049</i>	Csa000408	6003134-6002700	34445220	3	144	0	IX
50	<i>CsERF050</i>	Csa005593	1951916-1955219	26547709	6	364	2	X
51	<i>CsERF051</i>	Csa008584	4931216-4930683	26547709	6	177	0	X
52	<i>CsERF052</i>	Csa018661	326047-327680	411159	Scaffold000111	285	1	X
53	<i>CsERF053</i>	Csa008878	4066091-4064303	26547709	6	404	1	X
54	<i>CsERF054</i>	Csa010237	20921657-20921076	26547709	6	193	0	VII
55	<i>CsERF055</i>	Csa003542	358765-357989	17370973	7	258	0	VII
56	<i>CsERF056</i>	Csa008749	13733610-13732786	34445220	3	274	0	VII
57	<i>CsERF057</i>	Csa008966	2537686-2538642	26547709	6	318	0	VI
58	<i>CsERF058</i>	Csa001015	23085965-23086894	28091742	5	309	0	VI
59	<i>CsERF059</i>	Csa020336	11118158-11119108	22434855	4	316	0	VI
60	<i>CsERF060</i>	Csa012752	15983553-15984509	28091742	5	318	0	VI
61	<i>CsERF061</i>	Csa019969	16219410-16220390	34445220	3	326	0	VI
62	<i>CsERF062</i>	Csa015455	19016343-19015537	28091742	5	268	0	VI
63	<i>CsERF063</i>	Csa007656	8048779-8049393	26547709	6	204	0	VI
64	<i>CsERF064</i>	Csa017883	30847250-30846696	34445220	3	184	0	IV
65	<i>CsERF065</i>	Csa003622	16252055-16252693	22000590	2	212	0	IV
66	<i>CsERF066</i>	Csa005696	1334610-1333345	26547709	6	421	0	IV
67	<i>CsERF067</i>	Csa007621	7427734-7428273	26547709	6	179	0	IV
68	<i>CsERF068</i>	Csa018854	12152362-12151250	22434855	4	370	0	IV
69	<i>CsERF069</i>	Csa002451	27503953-27503030	34445220	3	230	1	IV
70	<i>CsERF070</i>	Csa005700	1276290-1275373	26547709	6	305	0	IV
71	<i>CsERF071</i>	Csa012414	522938-522336	28091742	5	200	0	III
72	<i>CsERF072</i>	Csa008861	11874380-11873739	34445220	3	213	0	III
73	<i>CsERF073</i>	Csa012870	15262990-15262313	28091742	5	225	0	III
74	<i>CsERF074</i>	Csa004675	25841918-25841304	34445220	3	204	0	III
75	<i>CsERF075</i>	Csa012869	15277531-15276773	28091742	5	252	0	III
76	<i>CsERF076</i>	Csa022610	8225-7716	15472	Scaffold000379	169	0	III
77	<i>CsERF077</i>	Csa008860	11887175-11886597	34445220	3	192	0	III
78	<i>CsERF078</i>	Csa005091	25834056-25834607	34445220	3	183	0	III
79	<i>CsERF079</i>	Csa000388	6224581-6224039	34445220	3	180	0	III
80	<i>CsERF080</i>	Csa008546	5675974-5675333	26547709	6	213	0	III
81	<i>CsERF081</i>	Csa023237	1739-1134	8810	Scaffold000576	201	0	III
82	<i>CsERF082</i>	Csa009843	17099285-17098680	17370973	7	201	0	III
83	<i>CsERF083</i>	Csa021087	17482290-17481601	22000590	2	229	0	III

84	<i>CsERF084</i>	Csa002191	33648340-33647657	34445220	3	227	0	III
85	<i>CsERF085</i>	Csa018998	559702-560208	651424	Scaffold000118	168	0	III
86	<i>CsERF086</i>	Csa017112	1509830-1509186	34445220	3	214	0	III
87	<i>CsERF087</i>	Csa009589	27747151-27746573	28091742	5	192	0	II
88	<i>CsERF088</i>	Csa009590	27726472-27725981	28091742	5	163	0	II
89	<i>CsERF089</i>	Csa009622	27355787-27355296	28091742	5	163	0	II
90	<i>CsERF090</i>	Csa003012	1044217-1044711	22434855	4	164	0	II
91	<i>CsERF091</i>	Csa012919	19140452-19139841	25430643	1	203	0	II
92	<i>CsERF092</i>	Csa013079	14191691-14192332	26547709	6	213	0	II
93	<i>CsERF093</i>	Csa009304	22349007-22348447	22434855	4	186	0	II
94	<i>CsERF094</i>	Csa008952	2719822-2719217	26547709	6	201	0	II
95	<i>CsERF095</i>	Csa011091	14097006-14097704	22434855	4	232	0	II
96	<i>CsERF096</i>	Csa011471	15315130-15315558	22000590	2	142	0	II
97	<i>CsERF097</i>	Csa009478	21425457-21425906	22434855	4	149	0	II
98	<i>CsERF098</i>	Csa020278	12479634-12480113	22000590	2	159	0	II
99	<i>CsERF099</i>	Csa010224	21063174-21062653	26547709	6	173	0	II
100	<i>CsERF100</i>	Csa005900	19222095-19222541	22000590	2	148	0	II
101	<i>CsERF101</i>	Csa005450	2122879-2123478	25430643	1	199	0	V
102	<i>CsERF102</i>	Csa000299	7196619-7195888	34445220	3	243	0	V
103	<i>CsERF103</i>	Csa004614	4193219-4194205	25430643	1	328	0	VI