

Sup. Table 1: Correlation between maternal stress during infancy and increased DNA methylation in adolescence in full sample (all CpG sites with FDR <20%). Sites with greater than 5% differential methylation are highlighted in grey.

Gene	CpG Site	Slope	Range	Differential Methylation	Spearman ρ	FDR
PKN1a ^a	cg19103609	0.091	0.185	0.065	0.400	0
TPM3	cg24490338	0.031	0.117	0.022	0.317	0
GRHPR	cg05845503	0.012	0.051	0.009	0.315	0
PGAM2	cg26057752	0.135	0.313	0.096	0.312	0
RBP2	cg17778120	0.027	0.065	0.019	0.312	0
C8orf32	cg12646585	0.016	0.051	0.011	0.311	0
RASA2 ^a	cg20247102	0.021	0.060	0.015	0.302	0
PRSS21	cg21085768	0.074	0.190	0.053	0.300	0
FLJ46380	cg19180828	0.098	0.321	0.070	0.297	0
BMP10	cg12711530	0.078	0.204	0.055	0.292	0
LSM10	cg12880200	0.021	0.053	0.015	0.292	0
RAB3GAP2	cg08293760	0.014	0.063	0.010	0.285	0
PQLC2	cg06305312	0.008	0.047	0.006	0.283	0
UGT8	cg25892041	0.056	0.140	0.040	0.282	0
MTMR3	cg03538345	0.075	0.181	0.054	0.275	0
HCA112	cg02244695	0.038	0.102	0.027	0.272	0
ATG4C	cg03370542	0.040	0.121	0.029	0.271	0
BMP8A	cg17685111	0.056	0.172	0.040	0.270	0
C1orf115	cg01471713	0.048	0.150	0.034	0.269	0
FSTL3	cg23260026	0.058	0.225	0.041	0.268	0
ZC3H12A	cg18891404	0.011	0.041	0.008	0.268	0
ENO2	cg17303299	0.016	0.061	0.011	0.267	0
TESSP1	cg22059008	0.065	0.218	0.046	0.267	0
FBXO17	cg24010336	0.064	0.255	0.046	0.265	0
TM9SF4	cg27643859	0.048	0.119	0.034	0.264	0
CD3G	cg15880738	0.076	0.235	0.054	0.264	0
MAPKAP1	cg09155852	0.013	0.046	0.009	0.264	0
EXTL1	cg04629204	0.070	0.187	0.050	0.262	0
RTCD1	cg26661897	0.029	0.105	0.020	0.261	0
HIST1H4I	cg02599464	0.021	0.069	0.015	0.257	0
PITPNB	cg25477181	0.008	0.107	0.006	0.254	0
NQO2	cg00365193	0.064	0.210	0.046	0.254	0
TRPC3	cg18474934	0.091	0.331	0.065	0.253	0

ATG5	cg09354267	0.074	0.250	0.053	0.252	0
ZNF146	cg02275359	0.042	0.465	0.030	0.251	0
MUC7	cg03970609	0.224	0.770	0.159	0.251	0
AGA	cg00398048	0.040	0.165	0.029	0.251	0
ATG7	cg27056145	0.024	0.080	0.017	0.250	0
ESAM	cg18170080	0.021	0.079	0.015	0.250	0
DYNLL2	cg07056057	0.058	0.220	0.041	0.250	0
SAA1	cg03458191	0.032	0.093	0.023	0.249	0
NEUROG1	cg04330449	0.082	0.239	0.058	0.249	0
HSPA12B	cg15127733	0.063	0.254	0.045	0.249	0
PGAM2	cg23616741	0.146	0.415	0.104	0.248	0
PLEKHB1	cg02254407	0.100	0.351	0.071	0.248	0
DKFZP566N034	cg15297650	0.059	0.241	0.042	0.247	0
DNM2	cg17165284	0.085	0.223	0.060	0.247	0
EIF5A2	cg26209058	0.010	0.074	0.007	0.246	0
WFIKKN2	cg07168556	0.076	0.304	0.054	0.245	0
ARPP-21	cg05615150	0.061	0.168	0.044	0.245	0
SORD	cg06424894	0.104	0.327	0.074	0.245	0
GNMT	cg27588902	0.021	0.073	0.015	0.245	0
SPTBN1	cg13618372	0.037	0.118	0.026	0.243	0
GP1BB	cg07359545	0.117	0.447	0.083	0.242	0
ZNF488	cg08341667	0.034	0.089	0.024	0.242	0
UPP2	cg03520136	0.047	0.216	0.033	0.242	0
HMG20A	cg22211866	0.039	0.119	0.028	0.242	0
HSPA6	cg13817266	0.102	0.315	0.072	0.240	0
IPO8	cg25943131	0.017	0.052	0.012	0.239	0
GJA4	cg15006973	0.056	0.219	0.040	0.239	0
ST3GAL3	cg09903430	0.016	0.050	0.011	0.238	0
ABCB5	cg21643191	0.070	0.204	0.050	0.238	0
DHX32	cg12869240	0.067	0.196	0.048	0.238	0
CBR3	cg14564494	0.019	0.078	0.014	0.237	0
KIAA1822L	cg00613344	0.041	0.139	0.029	0.237	0
TNRC4	cg26050734	0.072	0.188	0.051	0.236	0
GABRD	cg06063714	0.077	0.223	0.055	0.236	0
WT1	cg13641903	0.054	0.208	0.038	0.235	0
ZZEF1	cg07607921	0.018	0.100	0.013	0.235	0
TMEM2	cg11558474	0.038	0.129	0.027	0.234	0
PARK2	cg21926612	0.013	0.070	0.009	0.233	0
HCA112	cg26385222	0.043	0.204	0.031	0.233	0

PON2	cg07666065	0.026	0.072	0.019	0.233	0
CCDC41	cg02639007	0.024	0.068	0.017	0.232	0
C5orf21 ^b	cg18370979	0.078	0.413	0.055	0.232	0
CD74	cg22975568	0.033	0.108	0.024	0.231	0
HYPK	cg24125648	0.054	0.178	0.038	0.231	0
CGB1	cg17164520	0.038	0.193	0.027	0.231	0
BAIAP3	cg18282543	0.015	0.074	0.011	0.230	0
ISL1	cg21410991	0.019	0.053	0.014	0.229	0
CUL3	cg07310661	0.035	0.121	0.025	0.229	0
SPINK4	cg00079056	0.027	0.106	0.019	0.229	0
PRSS21	cg22730830	0.124	0.401	0.089	0.229	0
NKX6-2	cg08441806	0.029	0.168	0.021	0.228	0
CACNG6	cg04080057	0.056	0.171	0.040	0.228	0
CHST8	cg24739326	0.029	0.088	0.021	0.228	0
ADAMTS19	cg13701109	0.075	0.254	0.053	0.226	0
ARSG	cg00374717	0.040	0.142	0.029	0.226	0
TBX1	cg02887841	0.040	0.151	0.029	0.226	0
SCNN1B	cg00925717	0.024	0.144	0.017	0.226	0
SNRPN	cg16321029	0.060	0.288	0.042	0.226	0
CAST1	cg04759439	0.063	0.160	0.045	0.226	0
KRTAP19-5	cg07374637	0.038	0.121	0.027	0.226	0
CALCOCO1	cg16847051	0.017	0.061	0.012	0.226	0
GLULD1	cg03352153	0.022	0.084	0.016	0.225	0
SEC63D1	cg03714397	0.033	0.079	0.023	0.224	0
SLC5A4	cg21578906	0.030	0.104	0.021	0.223	0
RORA	cg27167601	0.056	0.162	0.040	0.223	0
USP54	cg16193203	0.028	0.123	0.020	0.223	0
COL11A2	cg01635061	0.013	0.083	0.009	0.223	0
C14orf58	cg04001333	0.141	0.584	0.100	0.223	0
CD47	cg06806080	0.032	0.144	0.023	0.223	0
KIAA0859	cg01639034	0.016	0.168	0.012	0.223	0
INDOL1	cg16957569	0.109	0.367	0.077	0.222	0
CHRN3	cg00367281	0.070	0.226	0.050	0.222	0
PANK1	cg14967972	0.018	0.076	0.013	0.222	0
PCK1	cg16101800	0.163	0.429	0.116	0.221	0
TRIM49	cg22767466	0.030	0.097	0.022	0.221	0
PAN3	cg08923109	0.035	0.154	0.025	0.220	0
PDE4D	cg05992340	0.027	0.093	0.019	0.220	0
HLCS	cg27519424	0.144	0.363	0.102	0.220	0

FBXO25	cg01680762	0.055	0.196	0.039	0.220	0
BRD4	cg08044694	0.018	0.104	0.013	0.220	0
NR1D2	cg14452875	0.012	0.054	0.009	0.218	0
CMTM1	cg10221501	0.036	0.142	0.026	0.218	0
OTUD4	cg09779091	0.051	0.223	0.036	0.218	0
LEP	cg19594666	0.069	0.325	0.049	0.218	0
HIF3A	cg02879662	0.013	0.062	0.009	0.218	0
MAP2K6	cg04228573	0.021	0.080	0.015	0.217	0
CREG2	cg09498007	0.031	0.154	0.022	0.217	0
MGAT5	cg08251036	0.025	0.072	0.018	0.217	0
BANK1	cg00332153	0.098	0.307	0.070	0.217	0
DIRAS3	cg22901840	0.070	0.356	0.050	0.217	0
KLHL5	cg19906926	0.040	0.110	0.028	0.216	0
MOBP	cg16729794	0.091	0.261	0.065	0.216	0
MGC26856	cg07684809	0.021	0.071	0.015	0.216	0
PLA2G1B	cg16396488	0.043	0.217	0.030	0.216	0
STRA6	cg11787522	0.118	0.435	0.084	0.215	0
COG2	cg17031727	0.030	0.137	0.021	0.215	0
MPZ	cg00101227	0.014	0.098	0.010	0.214	0
DLG5	cg17791617	0.023	0.124	0.017	0.214	0
FLJ14054	cg16434306	0.114	0.835	0.081	0.213	0
SEMA5B	cg00212549	0.026	0.221	0.018	0.213	0
AFAR3	cg11376198	0.149	0.455	0.106	0.213	0
POLR3B	cg24107581	0.016	0.059	0.012	0.213	0
KCNV2	cg26428825	0.031	0.105	0.022	0.213	0
ADNP	cg16003500	0.013	0.057	0.009	0.213	0
SCO1	cg12478185	0.100	0.302	0.071	0.212	0
BAZ2B	cg01416012	0.064	0.237	0.045	0.212	0

Note. FDR = false discovery rate (%). Slope = slope of least squared line. Range = range of average beta.

^aAlso significant for girls (but not boys) in gender-specific analyses.

^bAlso significant for boys (but not girls) in gender-specific analyses.