




Population average levels of DSBs or total events per chromatid

Intrinsic probability of a DSB per pair of chromatids (M)	<i>Trans</i> inhibition level (K)											Δ Pop Avg	
	0	0.1	0.2	0.3	0.4	0.5	0.6	0.7	0.8	0.9	1	[K=1 vs K=0.5]	[K=0.5 vs K=0]
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1	0.05	0.05	0.05	0.05	0.05	0.05	0.05	0.05	0.05	0.05	0.05	0	0
0.2	0.10	0.10	0.10	0.10	0.10	0.10	0.09	0.09	0.09	0.09	0.09	0.01	0
0.3	0.15	0.15	0.15	0.14	0.14	0.14	0.14	0.13	0.13	0.13	0.12	0.02	0.01
<i>his4::URA3-arg4</i> 0.4	0.20	0.20	0.19	0.19	0.18	0.18	0.18	0.17	0.17	0.16	0.16	0.02	0.02
0.5	0.25	0.24	0.23	0.23	0.23	0.22	0.21	0.21	0.20	0.19	0.19	0.03	0.03
0.6	0.30	0.29	0.28	0.27	0.26	0.26	0.25	0.24	0.23	0.22	0.21	0.05	0.04
<i>HIS4LEU2</i> 0.7	0.35	0.34	0.33	0.31	0.30	0.29	0.28	0.26	0.25	0.24	0.23	0.06	0.06
0.8	0.40	0.38	0.37	0.35	0.34	0.32	0.30	0.29	0.27	0.26	0.24	0.08	0.08
0.9	0.45	0.43	0.41	0.39	0.37	0.35	0.33	0.31	0.29	0.27	0.25	0.1	0.1
1	0.50	0.48	0.45	0.43	0.40	0.38	0.35	0.33	0.30	0.28	0.25	0.13	0.12

-  Observed K (Figure 4C)
-  Predicted for K = 0 (no *trans* inhibition) at observed M
-  Predicted for locus with same DSB efficiency (M) as *his4::URA3-arg4* and same strength of *trans* inhibition (K) as *HIS4LEU2*.

Supplemental Figure 6