Supplementary Table 7. Primer sequences.

Gene	Primer 1	Primer 2
14-3-3epsilon	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACGATCGAACAGAAGGAGGAG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGAGAAGTTCAATGCCAAGCC
14-3-3zeta	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGTCATCGTGGCGTGTCATCT	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACTTCGTAGCAGATTTCCCTCA
4EBP	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATTATCTACGAGCGGGCTTTC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACGGTTTTAGTGGGTGCATCT
Cdc37	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGCTTTGAGAAGACCGTAATC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAAGCTGACACAGGCGCGAG
CG11063	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGTTTGTTCTGGTTTTGTGCG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGTGGACTGCTACATCTGCGA
CG11870	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATCACCCACCAGGACCATAAC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGATCGCAAATATCACCCACC
CG14353	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGCCGGCTATGATAATGGAGA	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATGCCAGTCAAAGCAGTGAAC
CG16734	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGCCTCATTCAGAACGTGACA	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAAACACAGCCACAAACTTCCC
CG16908	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGTGACGAAGATAAAGCCAGC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATGAATGGCTGTCTGTACGAG
CG18428	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAAAAGCATAAGGAGAAGCGCA	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACTCCTGGTTGACCCTTTCAG
CG3004	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGCGTGCAAAAGAATGTGAC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGTCTTCCAAATGCACACAGTG
CG6182	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGTATTCTCCCGCTCCACAAA	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAACAAATCTTCGCGCTTCAGT
CG7971	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGAAGCGGTATGCCCTAGT	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGCTTCTTGCGCTTCTTCTTG
CG8060	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGAAGCCCCTGAAAGAGC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGTCCGTGGGTGTGGTGG
CG9422	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACTTACAAAAGCCAAATACGTCC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAACTGGCGGGTAAATTCTCTTC
Chico	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATTGTGCTGTACGAGGAGACG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACATAAGGTGAGTGCGCTGTT
CSN4	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAATGAACGCTGTCAGCACTTG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGCTCGGCGACACTTATCTTC
EGFP	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATGCCGAGAGTGATCCCGGCGGCGG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATCACCGGGGTGGTGCCCATCCTGG
eIF-4E	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATGAGATTGGTCACAAGCTGC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGATAACAAAGGGGGTTCCGT
Foxo	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACACAACCGCTTTATGAGGGT	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACTCTCGGGAAAGTGATCCAG
gft	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGACTTTGAAAAGCCCTTCC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATCTGCACGAATGTTATGGGA
Git1	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGAGCCAATAGTGTTTGGGA	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGTGTTATGATTGTTGGCCC
hdc	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACGGAGTGACCTGTCCGTATT	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGTCCGGATTAATTTGCTGCT
Hexo2	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACTTCGAGAGCCAGCGGG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATTCGCACCACCAGGGCG
Hop	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGAACTACAAGCAGGCGAAGG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAACATTGCGTTTTTGAGGACC
ImpL2	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAATCGAGATCGTTTGCGAGAT	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGTGTAGATGATTCGCGGTT
InR	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACGATGGCGGTGTTATGGAG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACGCTCCTTTTCCCGATGC
l(3)01239	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATTGTGGCCCAGTTCCAACAG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGCCTTGTCCTCCGCATCG
lin19	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGAGCACGAGAAGTCCCTC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACGTCCGACTCCTTCTCGTAG
Lobe	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGCCACGCCCACTCTCTAC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACGCTCGATTCTCTCATTTGTC
lqfR	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAAACTATTTGGTGCGAAACGG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAAGAGCGATAGTCGCCATCAT
Mib2	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGCAGTACCTGGACGTGAAT	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATTAAGCGCTGCATGGTGTAG
msn	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACAATGTCAATGTAACGCCCA	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGCAGCATTAAGCCATTCTCC
NippedA	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAAATGGCGTCGATTGCCGAAC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGCTTGTGCTGATGCGTGAAC
p110	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAATCAAAGAGGCCTGCGAGTA	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGTGAGCGAGAAGGGAGTGTC
p60	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACAGGAGGAAATGGATCTGGA	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAACCGCAGCCGTGTTTATATC
pall	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGTTTCATACCTGGTCGCGTT	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATCAGAGTGTGATTTGCTGGC
Pgam5	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGATCCGCTACTTTGTCTGCC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGATATACGTTACGGTGCGGC
pli	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGTTACTTGCCACAGGGAG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACTGGTTGCGTGAGAGTGTG
pont	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATTCCGCTAGATCTGCTCGAT	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATTTTACTGGGAAATCCGTGC
Pvr	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACAACGATATCCGACAGGGAT	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATTCTGTCCAATCGGTTCTCC
Raptor	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGCAAACGGACTGGTGCTGG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATCTCTACCTGGGGTGGGG
rept	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATGCTGGACATTGAGTGCTTC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACTCCTTGAGGATCTTGCTCG
Rheb	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAATGCCAACCAAGGAGCGCC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATCGATGAGGATCAGTAGCTGA
Rictor	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAAAAGGGCTCCCACCACAGC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACGAGCAGGTACAGAAGCAC
Rpp20	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACCGCTGCGAGGAGCTGAT	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACAGGGACTGGGCTTGCGT
rtGEF	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGGTCTATCAAAGCCCTTCC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATGATCAGCTCCAACTGCAAC
S6K	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATCCCAGTTGACGTGTTTGAA	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGCGTGAGGGCATCTTCTTAG
Sec23	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACGCATCACGACATCCACAAG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATTCACATTCAGCGACACACAC
Sec24	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAACATGGTAGAATCGTTCCGC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAAAGATGTAGAGCGGGAGCAA
Sin1	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACGGGTGGAGGAGGTGGAG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATGGAGAAGGAAGGGGACGA
SkpA	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAATATCCAGATCGCCAAGTGC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAATTTCCTCGGGAGTCTTTCC
Spag	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGATCTTGCCAATCGAGAAGC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAAGTCTGAACCTTGGGGACC
Tcp-1eta	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGCGAGTTCCTTAAGCAGGTG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATCGTGGATCTTAGCCAGCTT
Tcp-1zeta	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACTTCTTCTACAAGACCGCCG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATGCAGTCCTCAACGAAAGTG
Tor	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAATGTCGACGACGTCGGTGG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGCAAGGCGATAGCCAGC
TSC1	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGGTCAGGTCTTCAGTTTGGG	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGATATGTCAGTTCTGTCCGTGTC
TSC2	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAAATGTGCTGACAGCCTTCCT	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGCACACTCGACTCCAGATGA
Unk	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGACAGTCTCTTCTTTCCGTCGC	CGCTAATACGACTCACTATAGGGAGAGTGCTAGGTCATAGCGCTC