

Primers for Q-PCR  
ChIP / Cleavage

ARV1	FW : ACAAGGGGAGAAGCATTGTG	REV : GTTGCCCATTTCCACTCAAC
CTNNBIP1	FW : AGTAGTGGGCCTTGGGCTAT	REV : TGGCCAGGTCCTTGTATTTTC
GNAI3	FW : CGGGAGGGCATTATGAGTTA	REV : TCCTCAGGGAGAGGAGTTGA
AMIGO1	FW : AAAGTGAATTCGCTGCACCT	REV : GCCCTTCAGTGGTACCTCAA
ATXN7L2	FW : CCTCCCTGCACCTACCCTAT	REV : TCCACTCTCCCAAGCTCACT
I-SCE-1 (300bp)	FW : GGCCACAAGTTCAGCGTGTG	REV / AAGCACTGCACGCCGTAGGT
I-SCE-1 (2460bp)	FW : CTGGTCATCATCCTGCCTTT	REV : ATGCAGATCGAGAAGCACCT
DSB4_4000bp	FW : CCTTCTTTCCAGTGGTTCA	REV : GTGGTCTGACCCAGAGTGGT
DSB4_0.14MB	FW : TCAACTCTCCTGCCTCCCTA	REV : CCCTTTGCATATCTCCTCCA
DSB5_800bp	FW : TTCCTGCAGCCTCATTTTCT	REV : TGATGATGCCTTTTCCCTTC
DSB3_0.44MB	FW : GCATCACCTTGTCCCTTCAT	REV : CTATTCGCTCAGCTGCTCCT
GBP5	FW : GCAGACAGGATCTCCAAAGC	REV : CCCAGGTTCAGTAAGCAAA
GBP6	FW : GGGAGGCTCTTCTAGTTGG	REV : TGATTCTGTCCTGCCAGATG
No DSB	FW : CCCATCTCAACCTCCACT	REV : CTTGTCCAGATTGCTGTGA
DSB1_80bp	FW : GATTGGCTATGGGTGTGGAC	REV : CATCCTTGCAAACCAGTCCT
DSB2_200bp	FW : TGCCGGTCTCCTAGAAGTTG	REV : GCGCTTGATTTCCCTGAGT
Cohesin Binding Site	FW : CAGCTCTGTGCTCCTGTCTTATCC	REV : CAGCTATAATTGATGAAGAGGCG
GAPDH	FW : GAAGGTGAAGGTCGGAGTCA	REV : GAAGATGGTGATGGGATTTTC
DSB1_319bp	FW : AGGACTGGTTTGCAAGGATG	REV : ACCCCCATCTCAAATGACAA
DSB1_500bp	FW : CCTGGATATGAGTTTGATCAGC	REV : CTCTCCTTTGCTGACACTG
DSB1_1019bp	FW : AGGAATTGACTGCGGTGTTC	REV : GGGGAGGAGGAAAGGTGTAG
DSB1_2500bp	FW : GCCATAACAGAGGGTGAAA	REV : AACTTTAGGATGGGGCTGCT
DSB1_3200bp	FW : ACATGGGTCTCCAGGTGAC	REV : GGAACCTACAACCCACACTT
DSB3_41kb	FW : GCATCACCTTGTCCCTTCAT	REV : CTATTCGCTCAGCTGCTCCT
DSB3_0.78Mb	FW : GCTCTTCCCTGTGAGGTCTG	REV : CGATGAAACAGGCAAATGA
DSB3_1.14Mb	FW : GCATGCATCTAGGGTCACT	REV : AGGTTGCATAGGGCAACTCA
DSB3_1.42Mb	FW : GGAAGTCAGCCGTGAGACC	REV : AGCGTCCCTCGAAGTACAAA
DSB3_1.45Mb	FW : GCTAGAGGCTCTGCTCTGGA	REV : GGGGTATCTAGCCCTCGTTC
DSB3_1.49Mb	FW : ATGTGTTCTTTGCGACACCA	REV : TGCAAGGGAAGAAAATGTCC

## Caron et al, Table S3

Primers for Q-PCR  
RT

SARS	FW : CTGGCCTGTCTACCTGCTTC	REV : CTGGCAGCATGATTCAAAGA
PSRC1	FW : GGGAAAAGAGGTCACCTTCC	REV : AAGCAGGCCAGAGTCCAGTA
GNAI3	FW : GGGGTACAAGCTTGCTTCAG	REV : TTGGCCACCTACATCAAACA
ARV1	FW : AACCAGGAGGCCAAAGAGTT	REV : CCACCACCTCAGGTATGCTT
AMIGO1	FW : CCAAGTAATGAACGGGTGCT	REV : CTGTGTTGAGGGTGTCCATGG
ZFAND3	FW : GGAGGAAGCCATCATGAAAA	REV : TGGCTGGCTAAAGAAAGGAA
AMPD2	FW : CGTAGTGCCCCGTATGAGTT	REV : CGAGTCACTGTCCGTCTTCA
CTNNBIP1	FW : TTGGCTGCAGGAAGAACTT	REV : GCAGCCAATCAGACCTCTTC
P0	FW : GGCGACCTGGAAGTCCAAC	REV : CCATCAGCACCCAGCCTTC
SCC1	FW : TGACTTTGATCAGCCACTGC	REV : TCTCAGGATCATCCATTCCA

siRNA

siSCC1	FW : GGUGAAAAUGGCAUUACGGtt	REV : CCGUAAUGCCAUUUCACct
siCtrl	FW : CAUGUCAUGUGUCACAUCUtt	REV : AGAUGUGACACAUGACAUGtt

Biot-oligo

Test Cleavage	FW : CGCAAGCTTTAATACGACTCACTATAGGG	REV : Biot-CCCTATAGTGAGTCGTATTAAAGCTTGCGAT
---------------	------------------------------------	--------------------------------------------