

SNP	Minor/Major Alleles	Clinical stage T3 or higher, or evidence of metastasis at the time of diagnosis				WHO III or Gleason score 8 or higher at the time of diagnosis				Clinical stage T3 or higher, evidence of metastasis, WHO III, or Gleason score 8 or higher at the time of diagnosis			
		OR	95% LI	95% UI	P	OR	95% LI	95% UI	P	OR	95% LI	95% UI	P
rs1465618	A/G	1.08	0.84	1.38	0.55	1.08	0.80	1.44	0.62	1.16	0.93	1.43	0.18
rs721048	A/G	0.99	0.76	1.30	0.96	0.99	0.71	1.38	0.95	0.94	0.74	1.20	0.63
rs12621278	G/A	0.71	0.45	1.13	0.14	1.12	0.69	1.82	0.65	0.74	0.49	1.10	0.13
rs2660753	T/C	1.07	0.75	1.53	0.72	0.85	0.54	1.34	0.49	1.09	0.80	1.50	0.59
rs10934853	A/C	1.10	0.86	1.41	0.44	1.16	0.86	1.55	0.33	1.09	0.88	1.36	0.41
rs12500426	A/C	0.98	0.79	1.21	0.86	1.19	0.92	1.53	0.20	1.06	0.88	1.28	0.55
rs17021918	T/C	0.94	0.75	1.18	0.58	1.08	0.82	1.41	0.58	0.91	0.75	1.11	0.35
rs7679673	A/C	0.87	0.70	1.07	0.19	0.83	0.64	1.08	0.16	0.87	0.72	1.05	0.15
rs2736098	A/G	1.11	0.87	1.40	0.41	0.97	0.73	1.30	0.86	1.03	0.83	1.27	0.82
rs401681	A/G	0.95	0.77	1.17	0.62	1.01	0.78	1.30	0.95	0.99	0.82	1.19	0.92
rs2347867	G/A	0.83	0.66	1.04	0.10	1.19	0.91	1.55	0.20	1.00	0.83	1.22	0.97
rs9364554	T/C	1.19	0.95	1.49	0.13	0.91	0.69	1.19	0.48	1.14	0.93	1.39	0.20
rs10486567	T/C	0.80	0.61	1.04	0.091	0.66	0.47	0.92	0.013	0.75	0.59	0.96	0.021
rs6465657	C/T	1.04	0.84	1.29	0.72	1.11	0.86	1.42	0.44	1.04	0.86	1.25	0.71
rs2928679	A/G	1.09	0.88	1.36	0.42	1.14	0.88	1.47	0.32	1.09	0.90	1.32	0.37
rs12543663	C/A	1.06	0.84	1.33	0.64	1.04	0.79	1.37	0.80	1.02	0.83	1.25	0.88
rs10086908	C/T	1.11	0.89	1.38	0.37	0.87	0.66	1.14	0.29	1.01	0.83	1.23	0.90
rs1016343	T/C	1.30	1.02	1.66	0.035	1.34	1.01	1.79	0.043	1.28	1.03	1.58	0.024
rs13252298	G/A	0.97	0.74	1.26	0.80	0.90	0.66	1.23	0.50	0.96	0.76	1.22	0.74
rs16902094	G/A	0.87	0.63	1.20	0.38	0.89	0.61	1.30	0.55	0.89	0.68	1.19	0.44
rs445114	C/T	0.87	0.69	1.08	0.21	0.83	0.63	1.08	0.16	0.89	0.73	1.08	0.25
rs620861	A/G	0.84	0.67	1.05	0.12	0.84	0.64	1.09	0.19	0.87	0.71	1.06	0.15
rs6983267	T/G	0.95	0.77	1.17	0.63	0.79	0.62	1.01	0.064	0.93	0.77	1.13	0.48
rs4242382	A/G	1.02	0.73	1.42	0.93	1.01	0.68	1.52	0.94	0.99	0.74	1.33	0.94
rs10763588	G/T	1.28	1.04	1.59	0.020	1.25	0.97	1.62	0.081	1.18	0.98	1.42	0.077
rs7098889	C/T	1.29	1.04	1.59	0.018	1.22	0.95	1.57	0.12	1.17	0.97	1.41	0.092
rs10993994	T/C	1.30	1.05	1.62	0.015	1.27	0.98	1.64	0.072	1.19	0.99	1.44	0.065
rs17178655	A/G	0.97	0.75	1.25	0.81	0.88	0.65	1.20	0.41	0.90	0.72	1.13	0.35
rs7127900	A/G	1.24	0.96	1.61	0.10	1.15	0.85	1.56	0.35	1.17	0.93	1.48	0.17
rs11228565	A/G	1.46	1.14	1.88	0.0029	1.29	0.95	1.75	0.10	1.38	1.10	1.74	0.0049
rs7931342	G/T	1.08	0.88	1.34	0.47	1.00	0.78	1.30	0.97	1.08	0.89	1.30	0.44
rs10896449	G/A	1.10	0.89	1.36	0.38	0.97	0.76	1.26	0.85	1.08	0.89	1.31	0.43
rs11649743	T/C	0.76	0.59	1.00	0.044	0.73	0.52	1.01	0.061	0.76	0.60	0.96	0.022
rs4430796	C/T	1.09	0.88	1.35	0.44	0.80	0.62	1.04	0.10	0.94	0.77	1.13	0.50
rs7501939	A/G	1.12	0.90	1.40	0.33	0.87	0.66	1.15	0.34	0.97	0.79	1.18	0.73
rs1859962	T/G	0.86	0.70	1.06	0.17	0.83	0.65	1.07	0.15	0.89	0.74	1.07	0.23
rs8102476	A/G	0.95	0.77	1.18	0.67	0.83	0.64	1.07	0.15	0.91	0.76	1.11	0.35

rs925013	G/A	1.10	0.86	1.41	0.45	0.89	0.65	1.21	0.46	1.00	0.80	1.24	0.97
rs266882	G/A	1.08	0.87	1.35	0.48	1.02	0.79	1.33	0.86	1.07	0.88	1.30	0.49
rs2271094	C/T	1.19	0.97	1.48	0.10	1.00	0.77	1.29	0.98	1.14	0.95	1.38	0.17
rs61752561	A/G	1.20	0.71	2.02	0.50	1.20	0.67	2.13	0.55	1.14	0.73	1.79	0.57
rs17632542	C/T	0.57	0.35	0.92	0.021	1.07	0.65	1.75	0.80	0.74	0.50	1.10	0.13
rs2735839	A/G	0.82	0.60	1.12	0.21	0.94	0.65	1.36	0.75	0.83	0.62	1.09	0.18
rs198977	T/C	1.25	0.98	1.59	0.073	1.00	0.74	1.35	0.99	1.05	0.84	1.30	0.67
rs198978	T/G	1.10	0.89	1.37	0.38	0.97	0.75	1.26	0.82	0.98	0.80	1.18	0.80
rs80050017	T/G	1.23	0.83	1.82	0.30	1.28	0.82	2.02	0.28	1.18	0.84	1.67	0.34
rs1654553	G/A	0.89	0.72	1.10	0.29	0.98	0.76	1.27	0.90	0.98	0.81	1.18	0.81
rs7291691	G/T	1.16	0.88	1.51	0.29	1.06	0.77	1.45	0.73	1.11	0.88	1.41	0.38
rs5759167	T/G	0.86	0.69	1.06	0.15	0.84	0.65	1.09	0.19	0.85	0.70	1.02	0.087
rs5945619	G/A	1.20	0.88	1.64	0.26	1.22	0.85	1.75	0.29	1.30	0.99	1.71	0.059