

Table S6. Functional information for SNPs in LD with rs4919694

No.	rs	Chromosome	Position	Allele	LDsnp	Pop/LD	TFBS	Splicing(site)	Splicing(ESE or ESS)	Splicing(abolish domain)	miRNA(miRanda)	miRNA(Sanger)	nsSNP	Stop Codon	Polyphen	SNPs3D(svm profile)	SNPs3D(svm structure)	RegPotential	Conservation	Nearby Gene	Distance (bp)	Allele	GIH
1	rs10509760	10	104624097	G/A	rs4919694	GIH/0.419	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.102	AS3MT	4897  27549	A	0.955
2	rs11191439	10	104628713	C/T	rs4919694	GIH/0.694	--	--	Y	Y	--	--	Y	--	--	--	--	0.183361		1 AS3MT	9513  22933	T	0.949
3	rs11191545	10	104819783	A/G	rs4919694	GIH/0.790	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.026001		0 CNM2	151679  8448	G	0.955
4	rs12240508	10	104929222	A/G	rs4919694	GIH/0.500	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA		0 NT5C2	91320  13784	G	0.931
5	rs12257935	10	104793052	A/C	rs4919694	GIH/0.790	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.14869		0.002 CNM2	124948  35179	C	0.955
6	rs3740394	10	104624464	G/A	rs4919694	GIH/0.419	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.011213		0 AS3MT	5264  27182	A	0.955
7	rs4917995	10	104835433	A/T	rs4919694	GIH/0.501	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0		0 CNM2  NT5C2	-7202  -2469	T	0.932
8	rs4919694	10	104688968	C/T	rs4919694	1	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.077234		0.005 CNM2	20864  139263	T	0.943
9	rs7100592	10	104759088	G/T	rs4919694	GIH/0.790	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0		0.025 CNM2	90984  69143	T	0.955