

Table S7. Functional information for SNPs in LD with rs3740394

No. rs	Chromosome	Position	Allele	LDsnp	Pop/LD	TFBS	Splicing(site)	Splicing(ESE or ESS)	Splicing(abolish domain)	miRNA(miRanda)	miRNA(Sanger)	nsSNP	Stop Codon	Polyphen	SNPs3D(svm profile)	SNPs3D(svm structure)	RegPotential	Conservation	Nearby Gene	Distance (bp)	Allele	GIH
1 rs10509760	10	104624097	G/A	rs3740394	GIH/1.000	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.102	AS3MT	4897 27549	A	0.955
2 rs11191381	10	104483434	C/T	rs3740394	GIH/0.476	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.003	SFXN2	19146 15499	C	0.909
3 rs11191401	10	104563393	A/G	rs3740394	GIH/0.597	--	--	--	--	Y	--	--	--	--	--	--	0.075831	0.001	C10orf26	69676 12618	A	0.926
4 rs11191439	10	104628713	C/T	rs3740394	GIH/0.664	--	--	Y	Y	--	--	Y	--	--	--	--	0.183361	1	AS3MT	9513 22933	T	0.949
5 rs11191545	10	104819783	A/G	rs3740394	GIH/0.540	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.026001	0	CNNM2	151679 8448	G	0.955
6 rs12257935	10	104793052	A/C	rs3740394	GIH/0.540	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.14869	0.002	CNNM2	124948 35179	C	0.955
7 rs12416687	10	104619001	C/T	rs3740394	GIH/0.597	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	C10orf32 AS3MT	-5041 -199	T	0.926
8 rs12775883	10	104475291	A/G	rs3740394	GIH/0.418	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	SFXN2	11003 13642	G	0.898
9 rs1475642	10	104536173	A/G	rs3740394	GIH/0.597	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.001	C10orf26	42456 129838	A	0.926
10 rs17784294	10	104469375	A/C	rs3740394	GIH/0.418	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.146476	0	SFXN2	5087 19558	C	0.898
11 rs3740394	10	104624464	G/A	rs3740394	1	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.011213	0	AS3MT	5264 27182	A	0.955
12 rs4919682	10	104574320	C/T	rs3740394	GIH/0.597	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	C10orf26 CYP17A1	-8309 -5958	C	0.926
13 rs4919685	10	104577352	G/T	rs3740394	GIH/0.511	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	C10orf26 CYP17A1	-11341 -2926	G	0.915
14 rs4919686	10	104582239	A/C	rs3740394	GIH/0.511	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.229877	0	CYP17A1	1961 5041	A	0.915
15 rs4919687	10	104585238	A/G	rs3740394	GIH/0.418	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.166795	0	CYP17A1	4960 2042	G	0.898
16 rs4919690	10	104606490	C/T	rs3740394	GIH/0.476	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	C10orf32	2481 7470	T	0.908
17 rs4919694	10	104688968	C/T	rs3740394	GIH/0.419	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.077234	0.005	CNNM2	20864 139263	T	0.943
18 rs7100592	10	104759088	G/T	rs3740394	GIH/0.540	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.025	CNNM2	90984 69143	T	0.955
19 rs7904252	10	104446715	G/T	rs3740394	GIH/0.418	--	--	--	--	Y	--	--	--	--	--	--	NA	0	ARL3	23237 17465	G	0.898
20 rs7904396	10	104446828	A/G	rs3740394	GIH/0.418	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	ARL3	23350 17352	G	0.898
21 rs9527	10	104613568	T/C	rs3740394	GIH/0.597	--	--	--	--	Y	Y	--	--	--	--	--	0.233079	0.981	C10orf32	9559 392	C	0.926