

Table 2 Genes Up

Probeset	Fold change	p-val	Gene Symbol
1452656_at	2,16	1,6E-04	Zdhhc2
1452655_at	2,02	5,1E-04	Zdhhc2
1452654_at	1,88	1,8E-03	Zdhhc2
1416102_at	1,84	3,8E-03	Ywhaz
1416004_at	1,95	7,1E-04	Ywhah
1447943_x_at	1,91	1,8E-03	Yeats2
1448594_at	1,89	2,7E-03	Wisp1
1436953_at	1,94	1,1E-03	Wipf1
1436954_at	1,93	1,3E-03	Wipf1
1419631_at	1,99	1,3E-03	Was
1456292_a_at	2,56	9,1E-08	Vim
1450641_at	2,51	2,6E-07	Vim
1438118_x_at	2,40	1,4E-06	Vim
1427256_at	2,77	4,4E-10	Vcan
1427257_at	2,13	8,1E-05	Vcan
1421694_a_at	1,95	5,2E-04	Vcan
1423726_at	2,10	1,6E-04	Vat1
1435195_at	2,07	2,9E-04	Vash1
1435110_at	1,85	3,7E-03	Unc5b
1454920_at	1,78	5,5E-03	Uhrf2
1448260_at	2,01	5,9E-04	Uchl1
1450792_at	1,97	1,5E-03	Tyropb
1451091_at	2,05	3,1E-04	Txndc5
1423746_at	1,88	2,1E-03	Txndc5
1452679_at	2,03	5,1E-04	Tubb2b
1427347_s_at	1,96	5,3E-04	Tubb2a
1418884_x_at	2,10	4,9E-05	Tuba1a
1438948_x_at	2,16	1,2E-04	Tspo
1456251_x_at	1,98	7,5E-04	Tspo
1416695_at	1,92	2,0E-03	Tspo
1455642_a_at	1,89	2,1E-03	Tspan17
1426784_at	2,23	2,2E-05	Trim47
1417961_a_at	1,81	4,0E-03	Trim30
1423732_at	2,16	1,3E-04	Tram1
1433883_at	2,16	1,0E-04	Tpm4
1427567_a_at	2,18	6,1E-05	Tpm3
1427260_a_at	1,91	1,1E-03	Tpm3
1425028_a_at	2,02	4,4E-04	Tpm2
1449577_x_at	2,02	4,8E-04	Tpm2
1459910_at	1,92	1,9E-03	Tnks
1442590_at	2,07	2,0E-04	Tnfrsf22 /// Tnfrsf23
1418571_at	2,13	7,9E-05	Tnfrsf12a
1418572_x_at	2,09	1,3E-04	Tnfrsf12a
1415906_at	2,19	9,7E-05	Tmsb4x
1422587_at	2,19	2,2E-05	Tmem45a
1418004_a_at	1,99	6,5E-04	Tmem176b
1423909_at	2,18	8,1E-05	Tmem176a
1425603_at	2,08	1,9E-04	Tmem176a
1426436_at	1,99	6,6E-04	Tmem159
1451344_at	2,01	4,1E-04	Tmem119
1418162_at	1,83	2,9E-03	Tlr4
1460287_at	2,11	1,7E-04	Timp2
1420924_at	1,90	1,2E-03	Timp2
1460227_at	2,38	1,5E-06	Timp1
1449388_at	2,31	7,1E-06	Thbs4

1416623_at	1,89	2,9E-03	Thbs3
1415871_at	2,19	1,6E-04	Tgfb1
1448123_s_at	2,17	8,7E-05	Tgfb1
1437463_x_at	2,17	9,5E-05	Tgfb1
1417455_at	2,11	3,3E-04	Tgfb3
1450922_a_at	2,55	1,8E-07	Tgfb2
1423250_a_at	2,38	2,2E-06	Tgfb2
1450923_at	1,97	7,7E-04	Tgfb2
1438303_at	1,87	1,5E-03	Tgfb2
1418136_at	1,92	2,3E-03	Tgfb1i1
1435964_a_at	2,13	1,7E-04	Taok3
1426529_a_at	1,96	8,2E-04	Tagln2
1429590_at	1,88	1,5E-03	Tacc1
1428295_at	2,33	8,0E-06	Synpo2l
1447657_s_at	2,13	8,3E-05	Synpo2l
1447658_x_at	2,03	3,1E-04	Synpo2l
1434089_at	2,34	2,0E-05	Synpo
1419182_at	2,20	3,8E-05	Svep1
1436319_at	2,54	6,1E-07	Sulf1
1438200_at	2,31	1,3E-05	Sulf1
1450841_at	2,19	6,1E-05	Stt3a
1455824_x_at	2,09	1,7E-04	Stt3a
1455156_at	1,86	3,0E-03	Strn
1415849_s_at	1,79	3,2E-03	Stmn1
1450199_a_at	2,00	5,0E-04	Stab1
1418075_at	1,84	3,1E-03	St6galnac4
1421890_at	1,88	2,0E-03	St3gal2
1448843_at	1,98	5,8E-04	Ssr1
1427919_at	2,43	2,8E-06	Srpx2
1423160_at	1,91	1,9E-03	Spred1
1416114_at	1,91	9,6E-04	Sparcl1
1416589_at	2,36	3,3E-06	Sparc
1448392_at	2,33	5,4E-06	Sparc
1450191_a_at	2,03	3,9E-04	Sox13
1437197_at	2,43	7,2E-07	Sorbs2
1417697_at	1,84	3,4E-03	Soat1
1431055_a_at	2,09	4,8E-04	Snx10
1416688_at	1,91	2,2E-03	Snap91
1447643_x_at	2,04	5,6E-04	Snai2
1429045_at	2,10	1,5E-04	Smurf2
1415935_at	1,85	3,3E-03	Smoc2
1427275_at	2,11	2,2E-04	Smc4
1427276_at	1,99	4,5E-04	Smc4
1452197_at	1,96	5,6E-04	Smc4
1448635_at	1,89	2,3E-03	Smc2
1437744_at	2,33	1,1E-05	Slitrk4
1417392_a_at	1,95	2,2E-03	Slc7a7
1454764_s_at	1,88	1,8E-03	Slc38a1
1434222_at	1,98	7,7E-04	Sipa111
1437503_a_at	2,02	4,6E-04	Shisa5
1436997_x_at	1,91	1,2E-03	Sh3bgrl
1428107_at	1,88	1,3E-03	Sh3bgrl
1448201_at	1,90	2,4E-03	Sfrp2
1428136_at	2,20	1,4E-04	Sfrp1
1454877_at	2,15	1,5E-04	Sertad4
1456733_x_at	1,92	1,0E-03	Serpinh1
1416168_at	2,23	4,5E-05	Serpinf1

1453724_a_at	1,89	1,6E-03	Serpinf1
1450138_a_at	2,03	7,3E-04	Serpinb6a
1434291_a_at	2,23	9,8E-05	Serf1
1429459_at	2,17	5,9E-05	Sema3d
1450941_at	1,94	1,6E-03	Sdcbp
1423332_at	1,93	1,3E-03	Sdcbp
1428983_at	2,05	2,7E-04	Scx
1456291_x_at	1,86	1,7E-03	Scx
1421375_a_at	2,26	3,4E-06	S100a6
1460351_at	2,52	5,3E-07	S100a11
1416762_at	2,13	6,3E-05	S100a10
1437224_at	2,28	2,9E-05	Rtn4
1421116_a_at	2,22	3,1E-05	Rtn4
1452649_at	2,18	9,4E-05	Rtn4
1434239_at	2,02	3,7E-04	Rrp12
1449221_a_at	1,82	4,2E-03	Rrbp1
1455819_at	1,92	1,1E-03	Rod1
1426206_at	1,79	4,2E-03	Robo4
1452769_at	1,91	1,7E-03	Rnf145
1448449_at	1,88	1,5E-03	Ripk3
1449028_at	1,90	1,3E-03	Rhou
1435394_s_at	1,94	9,7E-04	Rhoc
1424780_a_at	2,10	1,0E-04	Reep3
1424779_at	1,95	6,5E-04	Reep3
1424382_at	2,23	3,3E-05	Rcn3
1416601_a_at	1,89	1,8E-03	Rcan1
1416600_a_at	1,83	3,3E-03	Rcan1
1451321_a_at	1,82	3,7E-03	Rbm43
1417400_at	2,14	2,3E-04	Rai14
1426799_at	1,86	2,5E-03	Rab8b
1424684_at	1,92	9,5E-04	Rab5c
1416527_at	2,02	5,7E-04	Rab32
1416165_at	2,04	4,7E-04	Rab31
1455030_at	2,15	1,1E-04	Ptprj
1422124_a_at	2,09	3,6E-04	Ptprc
1450967_at	2,14	2,1E-04	Ptplad2
1448254_at	1,97	5,9E-04	Ptn
1448816_at	2,18	5,0E-05	Ptgis
1434891_at	2,37	5,6E-06	Ptgfrn
1417323_at	1,84	3,0E-03	Psrc1
1460403_at	2,00	6,5E-04	Psip1
1460437_at	1,89	3,0E-03	Pscd4
1431057_a_at	2,15	8,2E-05	Prss23
1437671_x_at	1,86	2,3E-03	Prss23
1448233_at	1,89	1,6E-03	Prnp
1425681_a_at	2,16	1,0E-04	Prnd
1437234_x_at	1,83	3,4E-03	Prmt2
1423771_at	2,43	2,8E-06	Prkcdbp
1416321_s_at	1,86	2,8E-03	Prelp
1436194_at	1,97	5,4E-04	Prelid2
1424906_at	1,93	7,3E-04	Pqlc3
1454934_at	1,81	3,6E-03	Ppm1f
1450911_at	2,32	1,4E-05	Ppib
1423606_at	2,66	5,0E-08	Postn
1417133_at	2,36	9,3E-06	Pmp22
1422706_at	1,85	2,9E-03	Pmepa1
1423725_at	2,32	2,4E-06	Pls3

1453572_a_at	2,43	1,9E-06	Plp2
1417128_at	2,14	9,3E-05	Plekho1
1448748_at	2,16	1,1E-04	Plek
1426926_at	1,99	5,3E-04	Plcg2
1448558_a_at	2,00	5,3E-04	Pla2g4a
1441870_s_at	2,13	1,6E-04	Pkd2
1419280_at	2,23	5,1E-05	Pip4k2a
1449404_at	1,96	7,3E-04	Pip4k2a
1453839_a_at	2,05	3,9E-04	Pi16
1454862_at	1,89	2,1E-03	Phldb2
1449002_at	1,94	1,4E-03	Phlda3
1449018_at	1,78	4,5E-03	Pfn1
1416069_at	2,16	3,3E-05	Pfkip
1430634_a_at	1,91	1,4E-03	Pfkip
1448995_at	1,93	9,8E-04	Pf4
1416406_at	1,93	1,5E-03	Pea15a
1449330_at	2,00	5,4E-04	Pdzd3
1419309_at	1,91	1,7E-03	Pdpn
1423946_at	2,29	3,9E-05	Pdlim2
1424650_at	2,07	2,6E-04	Pdia5
1428896_at	2,16	2,2E-04	Pdgfrl
1433761_at	1,82	3,9E-03	Pde4dip
1451527_at	2,05	3,9E-04	Pcolce2
1437165_a_at	2,61	3,2E-08	Pcolce
1448433_a_at	2,54	4,6E-07	Pcolce
1422889_at	2,12	1,2E-04	Pcdh18
1453070_at	2,04	3,4E-04	Pcdh17
1448627_s_at	2,26	6,5E-05	Pbk
1418908_at	1,89	1,6E-03	Pam
1449380_at	1,86	2,4E-03	Pacsin1
1418883_a_at	1,94	6,5E-04	Pabpc1
1419853_a_at	1,95	1,2E-03	P2rx7
1436530_at	1,68	8,9E-03	OTTMUSG00000000971
1452246_at	2,31	1,3E-05	Ostf1
1418674_at	1,85	2,1E-03	Osmr
1427535_s_at	1,97	5,3E-04	Obsl1
1460521_a_at	1,94	9,6E-04	Obfc2a
1452203_at	1,81	4,5E-03	Obfc2a
1419666_x_at	2,24	2,9E-05	Nupr1
1419665_a_at	1,92	1,2E-03	Nupr1
1448651_at	1,90	2,2E-03	Nudt5
1435902_at	1,88	1,5E-03	Nudt18
1418355_at	2,05	3,0E-04	Nucb2
1438684_at	1,91	1,2E-03	Nuak1
1426528_at	1,82	3,2E-03	Nrp2
1450791_at	2,35	4,6E-06	Nppb
1456062_at	2,64	2,3E-08	Nppa
1451827_a_at	2,09	3,1E-04	Nox4
1416473_a_at	1,90	1,5E-03	Nope
1454919_at	2,09	2,4E-04	Nmt2
1424981_at	2,01	8,8E-04	Nln
1448967_at	1,96	1,1E-03	Nipsnap3a
1428600_at	2,08	3,0E-04	Nin
1416808_at	1,91	1,3E-03	Nid1
1454942_at	2,00	8,8E-04	Niban
1417145_at	2,04	4,9E-04	Nfxl1
1428786_at	2,24	1,1E-04	Nckap1l

1448428_at	2,15	4,7E-05	Nbl1
1417773_at	2,13	2,0E-04	Nans
1418031_at	1,88	2,4E-03	Myo9b
1428509_at	1,97	1,6E-03	Myo1e
1435463_s_at	1,96	2,0E-03	Myo1d
1449550_at	2,15	1,4E-04	Myo1c
1419649_s_at	1,97	1,0E-03	Myo1c
1420171_s_at	1,87	2,2E-03	Myh9
1452740_at	2,37	2,8E-06	Myh10
1455736_at	2,41	7,4E-06	Mybpc2
1430539_at	2,09	1,7E-04	Mxra7
1440975_at	1,93	7,4E-04	Mxra7
1456586_x_at	1,95	1,1E-03	Mvp
1420473_at	2,10	5,9E-05	Mtpn
1460550_at	2,10	1,3E-04	Mtmr11
1419254_at	1,96	1,8E-03	Mthfd2
1421814_at	2,42	3,6E-06	Msn
1424754_at	2,21	3,8E-05	Ms4a7
1419599_s_at	1,88	2,3E-03	Ms4a6d
1450234_at	1,87	2,9E-03	Ms4a6c
1418826_at	1,87	3,0E-03	Ms4a6b
1421045_at	2,26	9,4E-05	Mrc2
1421044_at	2,03	5,9E-04	Mrc2
1450430_at	2,11	1,7E-04	Mrc1
1450919_at	1,89	2,1E-03	Mpp1
1415778_at	1,97	4,9E-04	Morf4l2
1454867_at	1,83	3,2E-03	Mn1
1417281_a_at	1,96	9,0E-04	Mmp23
1439364_a_at	1,89	2,1E-03	Mmp2
1416313_at	2,16	4,2E-05	Mllt11
1426817_at	1,95	6,7E-04	Mki67
1455685_at	1,86	3,1E-03	Mical2
1448416_at	2,13	1,4E-04	Mgp
1449082_at	2,57	2,6E-08	Mfap5
1418454_at	2,55	4,2E-08	Mfap5
1424010_at	2,37	2,3E-05	Mfap4
1417595_at	2,33	3,2E-05	Meox1
1416030_a_at	1,79	4,1E-03	Mcm7
1434678_at	1,81	3,7E-03	Mbnl3
1455978_a_at	2,13	7,5E-05	Matn2
1419442_at	2,00	4,6E-04	Matn2
1455346_at	2,40	8,0E-06	Masp1
1437226_x_at	2,06	4,4E-04	Marcks1
1415971_at	2,07	2,3E-04	Marcks
1415973_at	2,03	5,0E-04	Marcks
1456700_x_at	2,02	4,5E-04	Marcks
1437034_x_at	2,01	5,6E-04	Marcks
1415972_at	1,95	1,4E-03	Marcks
1456028_x_at	1,93	7,5E-04	Marcks
1426245_s_at	2,03	5,7E-04	Mapre2
1426244_at	1,84	3,6E-03	Mapre2
1418060_a_at	1,85	2,3E-03	Mapk7
1422615_at	1,85	2,2E-03	Map4k4
1448050_s_at	1,78	4,2E-03	Map4k4
1439323_a_at	1,92	1,4E-03	Map4k1
1417115_at	1,84	2,5E-03	Map3k12
1425359_at	2,11	2,4E-04	Mall

1423547_at	2,13	2,0E-04	Lyz2
1436996_x_at	2,41	3,4E-06	Lyz1
1439426_x_at	2,17	1,2E-04	Lyz1
1422903_at	1,93	2,7E-03	Ly86
1416503_at	2,07	3,8E-04	Lxn
1423607_at	2,20	2,9E-05	Lum
1438312_s_at	2,07	4,1E-04	Ltbp3
1418061_at	2,26	3,9E-05	Ltbp2
1417756_a_at	1,97	1,4E-03	Lsp1
1416053_at	1,78	5,0E-03	Lrrn1
1436714_at	1,92	6,4E-04	Lpp
1455314_at	1,89	1,5E-03	Lpp
1452819_at	1,84	2,5E-03	Lphn3
1424459_at	1,80	4,3E-03	Lpcat1
1448606_at	2,19	1,2E-04	Lpar1
1426110_a_at	1,97	6,2E-04	Lpar1
1418269_at	2,16	3,9E-04	Loxl3
1436063_at	2,28	3,7E-05	Loxl1
1451978_at	2,11	1,3E-04	Loxl1
1426221_at	1,96	1,6E-03	Loh11cr2a
1451318_a_at	2,27	1,7E-05	LOC676654 /// Lyn
1425598_a_at	1,93	1,2E-03	LOC676654 /// Lyn
1448553_at	2,49	8,5E-07	LOC674761 /// Myh7
1445707_at	1,94	7,7E-04	LOC639816 /// Zdhhc6
1426260_a_at	1,97	1,1E-03	LOC632297 /// Ugt1a1 /// Ugt1a10 /// Ugt1a2 /// Ugt1a5 /// Ugt1a6a /// Ugt1a6b /// Ugt1a7c /// Ugt1a9
1416118_at	2,00	9,0E-04	LOC630539 /// Trim59
1439432_x_at	1,96	7,6E-04	LOC433261 /// LOC674828 /// Morf412
1431004_at	2,27	1,8E-05	LOC100047339
1423956_at	2,07	2,5E-04	LOC100046746 /// Smap1
1431744_a_at	1,86	2,1E-03	LOC100046746 /// Smap1
1439253_x_at	2,14	1,0E-04	LOC100046650 /// Prelid1
1448202_x_at	2,23	4,8E-05	LOC100046650 /// LOC675389 /// Prelid1
1426306_a_at	1,95	1,3E-03	LOC100046560 /// Maged2
1460038_at	1,85	2,2E-03	LOC100045707 /// Pou3f1
1448754_at	2,17	7,6E-05	LOC100045055 /// Rbp1
1455839_at	2,02	6,6E-04	LOC100044322 /// Ugcgl1
1417219_s_at	2,30	3,2E-05	LOC100043712 /// LOC100047613 /// Tmsb10
1436902_x_at	2,27	4,1E-05	LOC100043712 /// LOC100047613 /// Tmsb10
1437185_s_at	2,32	8,2E-06	LOC100043712 /// LOC100047613 /// LOC100048142 /// Tmsb10
1449323_a_at	2,23	3,5E-05	LOC100043000 /// Rpl3
1423455_at	2,13	1,6E-04	LOC100041948 /// Ptma
1424169_at	2,08	3,2E-04	LOC100039683 /// LOC100045937 /// Tax1bp3
1455871_s_at	2,11	8,6E-05	LOC100039683 /// LOC100045937 /// Rpl13 /// Tax1bp3
1444008_at	1,83	2,3E-03	LOC100039284
1451120_at	2,11	3,4E-04	LOC100039220 /// Rpo1-3
1450251_a_at	1,77	4,2E-03	Lnx1
1418478_at	1,78	4,5E-03	Lmo1
1457670_s_at	1,99	4,1E-04	Lmna
1450629_at	1,81	4,8E-03	Lima1

1420464_s_at	1,97	8,8E-04	Lilrb3 /// LOC100038909 /// LOC100041146 /// LOC675749 /// Pira1 /// Pira11 /// Pira2 /// Pira3 /// Pira4 /// Pira6 /// Pira7
1419573_a_at	2,06	2,8E-04	Lgals1
1436900_x_at	2,09	2,3E-04	Leprot
1415983_at	2,07	4,6E-04	Lcp1
1451629_at	1,78	5,2E-03	Lbh /// LOC100048380
1426025_s_at	1,86	3,7E-03	Laptm5
1424113_at	2,01	6,9E-04	Lamb1-1
1451241_at	1,99	7,5E-04	Lamb1-1
1424114_s_at	1,87	2,3E-03	Lamb1-1
1424807_at	2,07	4,0E-04	Lama4
1455543_at	1,75	6,6E-03	Klh18
1418280_at	1,90	2,3E-03	Klf6
1439695_a_at	1,90	1,4E-03	Kif20b
1449207_a_at	2,19	3,7E-05	Kif20a
1417205_at	1,99	1,3E-03	Kdelr2
1435525_at	1,86	2,1E-03	Kctd17
1429159_at	2,23	5,5E-05	ltih5
1441946_at	1,87	3,0E-03	ltih5
1425039_at	2,23	8,2E-05	ltgb1
1450678_at	2,01	1,3E-03	ltgb2
1453898_at	2,17	8,7E-05	ltgb1bp3
1460285_at	2,02	4,5E-04	ltga9
1422444_at	2,14	1,3E-04	ltga6
1422445_at	1,83	3,6E-03	ltga6
1455251_at	2,02	6,3E-04	ltga1
1418450_at	2,07	2,5E-04	lslr
1448452_at	1,80	5,8E-03	lrf8
1417380_at	1,96	8,1E-04	lqgap1
1417379_at	1,87	3,1E-03	lqgap1
1441645_s_at	2,09	2,5E-04	lpo9
1423274_at	1,97	1,5E-03	lnts6
1448686_at	2,05	2,8E-04	ll16
1427164_at	1,84	3,1E-03	ll13ra1
1454783_at	1,77	5,8E-03	ll13ra1
1423584_at	2,41	4,8E-06	lgfbp7
1423585_at	2,09	4,2E-04	lgfbp7
1452114_s_at	1,91	2,3E-03	lgfbp5
1423757_x_at	2,01	5,4E-04	lgfbp4
1434413_at	1,96	1,1E-03	lgf1
1427239_at	2,15	1,7E-04	lft122
1441259_s_at	2,15	1,2E-04	lft122
1417460_at	2,08	1,9E-04	lfitm2
1418293_at	1,98	6,6E-04	lfit2
1421551_s_at	1,93	8,2E-04	lfi202b
1454898_s_at	2,34	6,5E-06	lah1
1429119_at	2,02	4,8E-04	lah1
1416028_a_at	2,47	9,4E-07	Hn1
1448180_a_at	1,84	2,9E-03	Hn1
1428242_at	2,00	6,3E-04	Hmha1
1438009_at	1,93	1,1E-03	Hist1h2ab /// Hist1h2ac /// Hist1h2ad /// Hist1h2ae /// Hist1h2ag /// Hist1h2ai /// Hist1h2an /// Hist1h2ao /// RP23- 480B19.10
1430062_at	1,88	2,4E-03	Hhip1
1435241_at	1,90	1,2E-03	Heatr5a

1418350_at	1,92	1,2E-03	Hbegf
1418349_at	1,86	2,4E-03	Hbegf
1448124_at	1,92	1,4E-03	Gusb
1448148_at	2,26	4,6E-05	Grn
1456567_x_at	1,91	1,3E-03	Grn
1449514_at	2,24	4,4E-05	Grk5
1425458_a_at	1,86	2,7E-03	Grb10
1460671_at	1,95	1,1E-03	Gpx1
1418396_at	2,00	9,8E-04	Gpsm3
1426973_at	2,08	3,2E-04	Gpr153
1439256_x_at	2,56	6,7E-07	Gpr137b-ps
1439255_s_at	1,87	2,3E-03	Gpr137b /// Gpr137b-ps /// LOC100044979
1418379_s_at	2,16	1,5E-04	Gpr124
1425942_a_at	1,92	1,1E-03	Gpm6b
1437417_s_at	1,96	1,0E-03	Gpc6 /// LOC100045283
1428774_at	1,93	9,8E-04	Gpc6 /// LOC100045283
1419688_at	1,93	2,1E-03	Gpc6 /// LOC100045283
1452357_at	2,31	9,7E-06	Gp1bb /// Sept5
1419469_at	1,97	1,3E-03	Gnb4
1419470_at	1,93	9,0E-04	Gnb4
1421152_a_at	1,96	1,6E-03	Gnao1
1428645_at	1,97	1,0E-03	Gnai3
1419194_s_at	1,83	6,0E-03	Gmfg
1419027_s_at	1,87	3,1E-03	Gltf
1416598_at	2,09	2,0E-04	Glis2
1418949_at	1,92	2,1E-03	Gdf15
1423569_at	1,88	2,4E-03	Gatm
1455980_a_at	2,42	1,8E-06	Gas2l3
1453416_at	1,99	4,8E-04	Gas2l3
1437244_at	1,89	1,9E-03	Gas2l3
1418533_s_at	1,89	2,4E-03	Fzd2
1437284_at	1,91	8,9E-04	Fzd1
1417343_at	2,10	2,4E-04	Fxyd6
1418296_at	2,53	7,9E-07	Fxyd5
1416109_at	1,80	5,3E-03	Fuca1
1422803_at	2,01	5,2E-04	Fstl3
1448259_at	2,72	7,9E-09	Fstl1
1416221_at	2,71	2,6E-09	Fstl1
1416514_a_at	1,92	1,2E-03	Fscn1
1416516_at	1,78	4,3E-03	Fscn1
1453321_at	2,24	6,7E-05	Fndc1
1426642_at	2,01	1,2E-03	Fn1
1426825_at	1,87	2,2E-03	Fmnl3
1421855_at	2,47	4,9E-07	Fgl2
1421854_at	2,46	4,4E-07	Fgl2
1433964_s_at	1,99	7,0E-04	Fermt3
1427155_at	1,80	4,0E-03	Fchsd1
1448620_at	1,93	1,9E-03	Fcgr3
1435477_s_at	1,92	2,4E-03	Fcgr2b
1425896_a_at	2,27	2,7E-05	Fbn1
1460208_at	2,14	8,9E-05	Fbn1
1423407_a_at	2,18	5,2E-05	Fbln2
1437308_s_at	1,88	2,1E-03	F2r
1448929_at	1,77	8,2E-03	F13a1
1435390_at	1,88	2,4E-03	Exod1
1452163_at	1,77	6,6E-03	Ets1
1433862_at	2,03	3,8E-04	Espl1



1453634_a_at	1,73	7,7E-03	Erp29
1459546_s_at	1,94	1,3E-03	Enpp1
1426541_a_at	1,94	1,1E-03	Endod1
1421624_a_at	2,53	3,5E-07	Enah
1424801_at	2,22	3,5E-05	Enah
1424800_at	2,09	1,5E-04	Enah
1417104_at	2,02	3,1E-04	Emp3
1416529_at	2,66	6,2E-08	Emp1
1416414_at	1,94	2,0E-03	Emilin1
1434976_x_at	1,84	2,4E-03	Eif4ebp1
1417562_at	1,80	4,5E-03	Eif4ebp1
1448406_at	1,85	4,2E-03	Eid1
1439056_at	1,92	1,1E-03	EG636791
1424269_a_at	2,03	3,8E-04	EG433297 /// EG667952 /// Myl6
1431339_a_at	2,10	1,5E-04	Efhd2
1437478_s_at	1,96	4,5E-04	Efhd2
1417018_at	1,89	3,0E-03	Efemp2
1424635_at	1,95	9,7E-04	Eef1a1
1437347_at	2,07	1,8E-04	Ednrb
1424065_at	1,83	3,4E-03	Edem1
1451218_at	1,83	3,7E-03	Edem1
1448613_at	2,30	4,3E-05	Ecm1
1433529_at	1,95	1,7E-03	E430002G05Rik
1436768_x_at	1,90	1,6E-03	E130112L23Rik
1417339_a_at	1,98	2,8E-04	Dynll1 /// EG627788
1456125_a_at	1,94	5,0E-04	Dynll1 /// EG627788
1424947_at	1,88	1,8E-03	Dync1li1
1425608_at	1,85	2,4E-03	Dusp3
1456769_at	1,85	3,9E-03	Dusp3
1434472_at	1,83	3,2E-03	Dusp3
1452594_at	1,82	3,6E-03	Dusp11
1438407_at	2,18	6,4E-05	Dsel
1415877_at	2,18	7,1E-05	Dpysl3
1433770_at	2,30	2,3E-05	Dpysl2
1456533_at	2,14	8,0E-05	Dpy19l1
1433759_at	1,83	3,1E-03	Dpy19l1
1436479_a_at	2,03	7,5E-04	Dpp7
1423376_a_at	2,35	1,4E-05	Dok4
1429028_at	2,38	4,5E-06	Dock11
1460365_a_at	1,99	1,1E-03	Dnm1
1449372_at	1,76	6,2E-03	Dnajc3a
1417312_at	1,89	1,8E-03	Dkk3
1435820_x_at	2,19	3,0E-05	Ddr1
1415797_at	1,78	6,1E-03	Ddr1
1418334_at	1,82	3,4E-03	Dbf4
1451112_s_at	2,36	6,7E-06	Dap
1423805_at	2,02	4,6E-04	Dab2
1450959_at	2,06	4,4E-04	D930014E17Rik
1417953_at	1,95	1,1E-03	D6Wsu176e
1427181_at	1,72	5,2E-03	D18Erttd653e
1438868_at	1,90	1,6E-03	D14Erttd668e
1436736_x_at	1,87	2,8E-03	D0H4S114
1449282_at	1,88	3,1E-03	Cysltr1
1442340_x_at	1,81	4,0E-03	Cyr61
1435616_at	2,06	2,5E-04	Cyp20a1
1422186_s_at	2,15	2,4E-04	Cyb5r3
1422185_a_at	2,02	5,9E-04	Cyb5r3

1448710_at	1,96	2,1E-03	Cxcr4
1433908_a_at	2,11	2,7E-04	Ctnn
1423917_a_at	2,01	5,7E-04	Ctnn
1417868_a_at	2,23	5,8E-05	Ctsz
1417870_x_at	2,17	1,5E-04	Ctsz
1417869_s_at	1,85	3,5E-03	Ctsz
1448591_at	2,11	3,9E-04	Ctss
1450652_at	2,36	1,6E-05	Ctsk
1416953_at	2,22	3,8E-05	Ctgf
1422510_at	1,91	2,8E-03	Ctdspl
1419873_s_at	2,23	3,9E-05	Csf1r
1419872_at	2,13	1,8E-04	Csf1r
1418476_at	2,00	4,2E-04	Crlf1
1416326_at	2,04	1,7E-04	Crip1
1452381_at	2,05	4,4E-04	Creb3l2
1435281_at	1,97	1,2E-03	Cpt1c
1417960_at	2,11	2,8E-04	Cpeb1
1455393_at	1,78	5,4E-03	Cp
1436838_x_at	2,26	5,1E-05	Cotl1
1436236_x_at	1,86	1,5E-03	Cotl1
1455269_a_at	1,86	3,5E-03	Coro1a
1415670_at	1,86	3,3E-03	Copg
1419693_at	2,02	5,3E-04	Colec12
1418440_at	2,77	7,2E-08	Col8a1
1455627_at	2,53	7,7E-07	Col8a1
1447819_x_at	2,33	1,3E-05	Col8a1
1418441_at	1,97	7,0E-04	Col8a1
1424131_at	1,91	8,7E-04	Col6a3
1426947_x_at	2,12	6,6E-05	Col6a2
1452250_a_at	2,04	2,4E-04	Col6a2
1448590_at	1,95	8,4E-04	Col6a1
1422437_at	2,30	1,8E-05	Col5a2
1450625_at	1,94	1,1E-03	Col5a2
1416740_at	2,41	5,9E-06	Col5a1
1434479_at	2,10	3,5E-04	Col5a1
1416741_at	1,86	2,4E-03	Col5a1
1425476_at	1,95	1,3E-03	Col4a5
1440250_at	1,98	7,6E-04	Col4a4
1445328_at	1,80	5,0E-03	Col4a4
1438779_at	2,24	4,8E-05	Col4a3
1424051_at	1,88	1,6E-03	Col4a2
1426348_at	1,88	1,6E-03	Col4a1
1427883_a_at	2,31	8,5E-06	Col3a1
1427884_at	1,94	1,1E-03	Col3a1
1450857_a_at	2,58	3,0E-07	Col1a2
1423110_at	2,48	1,0E-06	Col1a2
1423669_at	2,51	8,4E-07	Col1a1
1455494_at	2,36	3,8E-06	Col1a1
1427986_a_at	2,02	6,1E-04	Col16a1
1448755_at	2,03	4,8E-04	Col15a1
1428455_at	2,36	2,4E-05	Col14a1
1427168_a_at	2,12	1,4E-04	Col14a1
1434411_at	1,97	1,1E-03	Col12a1
1449154_at	1,92	8,8E-04	Col11a1
1456380_x_at	2,08	2,8E-04	Cnn3 /// LOC100047856
1438354_x_at	1,89	1,5E-03	Cnn3
1455399_at	2,12	1,2E-04	Cnksr1

1454849_x_at	2,22	6,2E-05	Clu
1437458_x_at	2,08	3,2E-04	Clu
1456873_at	1,97	5,1E-04	Clic5
1439505_at	1,93	8,4E-04	Clic5
1416656_at	2,01	3,3E-04	Clic1
1419627_s_at	1,90	2,5E-03	Clec4n
1417458_s_at	2,71	7,3E-08	Cks2 /// LOC100039474 /// LOC100044764
1417457_at	2,17	6,7E-05	Cks2 /// LOC100039474 /// LOC100044764
1455019_x_at	1,96	7,4E-04	Ckap4
1434748_at	2,24	2,0E-05	Ckap2
1457296_at	2,29	1,4E-05	Cilp
1452242_at	1,80	5,9E-03	Cep55
1428727_at	1,88	3,4E-03	Cep192
1437154_at	2,01	3,9E-04	Cep170
1415704_a_at	2,23	3,4E-05	Cdv3
1424143_a_at	1,85	2,3E-03	Cdt1
1448314_at	2,13	1,5E-04	Cdc2a
1419589_at	1,83	3,5E-03	Cd93
1416066_at	2,14	2,2E-04	Cd9
1449164_at	2,20	1,0E-04	Cd68
1434376_at	2,22	5,2E-05	Cd44
1423760_at	1,97	7,4E-04	Cd44
1416072_at	2,16	5,6E-05	Cd34
1448919_at	1,99	8,3E-04	Cd302
1436346_at	1,99	3,4E-04	Cd109
1425658_at	1,85	3,1E-03	Cd109
1424727_at	1,85	2,8E-03	Ccr5
1430127_a_at	2,34	9,1E-06	Ccnd2
1416122_at	2,33	1,0E-05	Ccnd2
1448229_s_at	2,17	4,7E-05	Ccnd2
1434745_at	2,09	1,7E-04	Ccnd2
1416123_at	2,00	4,0E-04	Ccnd2
1455956_x_at	1,97	7,9E-04	Ccnd2
1417419_at	1,96	1,1E-03	Ccnd1
1419943_s_at	2,10	1,6E-04	Ccnb1
1417910_at	2,24	2,4E-05	Ccna2
1437216_at	2,20	4,6E-05	Ccdc88a
1436025_at	1,90	1,3E-03	Ccdc88a
1424186_at	2,12	8,2E-05	Ccdc80
1424187_at	1,98	4,9E-04	Ccdc80
1439109_at	2,08	3,8E-04	Ccdc68
1422598_at	1,78	4,6E-03	Casq1
1449297_at	1,97	1,4E-03	Casp12 /// LOC100044205
1415976_a_at	1,87	1,8E-03	Carhsp1 /// LOC100046246
1450355_a_at	2,31	3,8E-06	Capg
1455401_at	1,94	1,2E-03	Camkk2
1415870_at	1,83	3,9E-03	Calu
1424770_at	2,11	1,5E-04	Cald1
1425814_a_at	2,07	7,2E-05	Calcr1
1455542_at	1,83	2,8E-03	C630043F03Rik
1417009_at	1,88	3,3E-03	C1r
1431856_a_at	2,14	2,6E-04	C1qtnf6
1449401_at	1,87	4,3E-03	C1qc
1434366_x_at	2,00	7,2E-04	C1qb
1417063_at	1,90	2,5E-03	C1qb
1424278_a_at	2,07	2,1E-04	Birc5

1437889_x_at	2,65	7,7E-08	Bgn
1448323_a_at	2,63	7,7E-08	Bgn
1416405_at	2,56	5,0E-07	Bgn
1448595_a_at	2,04	3,7E-04	Bex1
1457687_at	2,21	3,4E-05	Bcl2 /// LOC100046608
1437122_at	2,17	8,1E-05	Bcl2 /// LOC100046608
1435330_at	1,75	7,0E-03	BC094916 /// LOC100048304 /// LOC637605 /// Pyhin1
1427966_at	1,86	2,1E-03	BC087945
1436195_at	2,09	2,1E-04	BC046404
1423678_at	1,93	2,3E-03	BC017643
1428572_at	2,02	7,0E-04	Basp1 /// LOC100045716
1423753_at	2,15	8,4E-05	Bambi
1430649_at	1,80	3,6E-03	Baalc
1425128_at	1,86	2,6E-03	B3gnt8
1424511_at	1,90	1,2E-03	Aurka
1456179_at	1,89	1,2E-03	AU019176
1455396_at	1,92	1,1E-03	Atp8b1
1448421_s_at	2,39	1,4E-06	Aspn
1416652_at	2,29	7,9E-06	Aspn
1429189_at	2,03	1,0E-03	Arsb
1451987_at	2,05	2,9E-04	Arrb2
1460444_at	1,91	1,7E-03	Arrb1
1448129_at	1,88	1,8E-03	Arpc5
1448279_at	2,06	4,1E-04	Arpc3
1437148_at	2,21	7,1E-05	Arpc2
1416226_at	2,42	2,7E-06	Arpc1b
1434409_at	1,77	5,1E-03	Armxc6
1456739_x_at	2,15	5,6E-05	Armxc2
1426534_a_at	1,86	2,7E-03	Arfgap3 /// LOC100045474
1417828_at	2,18	6,0E-05	Aqp8
1452870_at	1,83	3,5E-03	Apaf1
1422593_at	2,05	6,2E-04	Ap3s1
1427077_a_at	2,00	1,2E-03	Ap2b1
1416138_at	1,96	1,2E-03	Anxa7
1425567_a_at	2,37	1,5E-05	Anxa5
1424176_a_at	1,91	2,4E-03	Anxa4
1460330_at	1,89	2,8E-03	Anxa3
1419091_a_at	2,47	1,6E-07	Anxa2
1448213_at	2,11	9,4E-05	Anxa1
1451446_at	2,38	5,3E-06	Antxr1
1417082_at	2,20	4,6E-05	Anp32b
1433543_at	1,90	1,6E-03	Anln
1428183_at	2,22	3,3E-05	Ankrd23
1420992_at	2,35	4,0E-06	Ankrd1
1420991_at	2,34	3,9E-06	Ankrd1
1438941_x_at	1,89	1,9E-03	Ampd2
1435260_at	1,86	3,1E-03	Akt3
1418204_s_at	2,21	6,2E-05	Aif1
1436520_at	2,54	3,8E-07	Ahnak2
1450637_a_at	2,12	8,8E-05	Aebp1
1420970_at	2,13	3,0E-04	Adcy7
1456307_s_at	2,06	2,5E-04	Adcy7
1450065_at	2,05	3,7E-04	Adcy7
1442093_at	1,83	2,9E-03	Adc
1429214_at	2,46	2,0E-06	Adamtsl2
1457058_at	2,23	8,2E-05	Adamts2
1435990_at	2,17	7,9E-05	Adamts2

1452587_at	2,18	6,8E-05	Actr2
1428585_at	1,92	1,9E-03	Actn1
1436722_a_at	1,88	1,8E-03	Actb
1427735_a_at	2,63	2,2E-08	Acta1
1428082_at	1,89	2,3E-03	Acsi5
1427034_at	2,01	6,6E-04	Ace
1433985_at	2,08	4,2E-04	Abi2
1440879_at	1,93	1,5E-03	Abca9
1442115_at	1,89	1,4E-03	9430028L06Rik
1428535_at	1,84	2,5E-03	9430020K01Rik /// LOC433157
1426812_a_at	2,02	3,6E-04	9130404D14Rik
1428284_at	1,81	3,2E-03	8430427H17Rik
1452244_at	2,25	1,5E-05	6330406I15Rik
1430030_at	1,91	1,0E-03	5330426P16Rik
1434975_x_at	1,84	2,8E-03	4933439C20Rik
1452092_at	1,80	3,4E-03	4631426J05Rik
1424327_at	1,84	3,9E-03	3200002M19Rik
1429700_at	1,96	1,1E-03	3110040M04Rik
1453646_at	1,86	1,9E-03	3110005L21Rik
1430675_at	1,81	3,6E-03	2900055J20Rik
1435315_s_at	1,95	1,2E-03	2900034E22Rik
1423266_at	2,10	1,5E-04	2810405K02Rik
1444678_at	1,94	4,3E-04	2810403D21Rik
1436673_at	1,78	5,2E-03	2610020H08Rik
1456310_a_at	2,00	8,1E-04	2610002J02Rik
1418719_at	2,07	2,3E-04	2410004L22Rik
1428671_at	2,04	3,1E-04	2200002D01Rik
1452840_at	2,27	1,6E-05	1500009L16Rik
1424524_at	1,97	9,6E-04	1200002N14Rik
1435987_x_at	2,04	6,5E-04	1110059G02Rik
1416805_at	2,10	1,0E-04	1110032E23Rik
1419376_at	1,95	6,1E-04	1110018M03Rik
1454613_at	2,61	9,2E-08	---
1455679_at	2,32	1,5E-05	---
1437811_x_at	2,20	1,5E-04	---
1419829_a_at	2,04	2,4E-04	---
1455697_at	1,96	9,3E-04	---
1439191_at	1,95	1,4E-03	---
1459566_at	1,83	2,5E-03	---
1457119_at	1,83	2,1E-03	---
1456778_at	1,79	5,7E-03	---
1446948_at	1,78	4,1E-03	---
1429234_s_at	2,09	3,6E-04	11-sep
1426802_at	1,84	3,3E-03	08-sep
1423472_at	1,98	6,9E-04	02-sep