

Sensitive Viruses

Virus	Clade	IC50				IC80			
		VRC01	VRC01	PG9	PG16	VRC01	VRC01	PG9	PG16
0260.v5.c36	A	0.529	0.618	2.180	2.100	1.480	1.750	22.800	>50
0330.v4.c3	A	0.064	0.132	0.018	0.008	0.231	0.543	0.083	0.027
3415.v1.c1	A	0.092	0.108	0.149	0.036	0.266	0.310	0.770	0.342
BB201.B42	A	0.343	0.157	0.014	0.003	1.110	0.488	0.046	0.008
BB539.2B13	A	0.094	1.470	0.106	0.012	0.330	16.900	0.422	0.062
B1369.9A	A	0.149	0.052	0.029	0.007	0.657	0.294	0.151	0.037
B5208.B1	A	0.029	0.027	0.031	0.004	0.104	0.098	0.099	0.018
KER2008.12	A	0.563	0.323	0.017	0.006	1.740	1.350	0.085	0.046
KER2018.11	A	0.070	0.167	0.001	<0.0006	0.397	0.541	0.004	0.002
KNH1209.18	A	0.087	0.080	0.367	0.678	0.299	0.310	>50	>50
MB201.A1	A	0.237	0.034	0.024	0.001	0.478	0.214	0.193	0.019
MB201.B10	A	0.132	0.042	0.052	0.020	0.538	0.042	0.218	0.125
MB539.2B7	A	0.544	0.304	0.058	0.025	1.480	0.956	0.383	0.205
MB539.2D1	A	0.060	0.499	0.035	0.009	0.480	0.499	0.122	0.030
MI369.A5	A	0.162	0.072	0.058	0.011	0.769	0.331	0.364	0.082
MS208.A1	A	0.147	0.131	0.071	0.047	0.668	0.455	0.589	31.800
MS208.A3	A	0.050	0.022	0.025	0.006	0.192	0.022	0.086	0.020
Q168.a2	A	0.140	0.059	0.106	0.031	0.374	0.225	0.342	0.106
Q23.17	A	0.086	0.050	0.007	0.002	0.252	0.145	0.020	0.004
Q259.w6	A	0.170	0.028	1.170	2.580	0.543	0.028	>50	>50
Q461.e2	A	0.410	0.390	3.010	4.110	1.310	1.140	29.900	>50
Q769.d22	A	0.015	0.030	0.007	0.010	0.074	0.148	0.033	11.000
Q769.h5	A	0.014	0.007	0.002	0.002	0.070	0.060	0.007	0.020
Q842.d12	A	0.006	0.004	0.005	0.001	0.020	0.023	0.021	0.006
RW020.2	A	0.303	0.100	0.103	0.070	0.868	0.350	0.622	3.510
UG037.8	A	0.035	0.050	0.021	0.001	0.130	0.104	0.065	0.004
3301.V1.C24	AC	0.084	0.038	0.281	0.020	0.188	0.099	1.510	0.307
6041.v3.c23	AC	<0.023	nd	0.244	0.048	0.080	nd	3.639	0.256
3103.v3.c10	ACD	0.930	nd	28.004	25.391	2.490	nd	>50	>50
6095.V1.C10	ACD	0.464	0.781	0.242	<0.023	1.500	2.530	2.250	0.443
3468.V1.C12	AD	0.040	0.057	2.090	2.380	0.121	0.247	>50	>50
C1080.c3	AE	1.500	1.540	0.004	0.001	9.330	21.300	0.011	0.004
C2101.c1	AE	0.097	0.216	0.026	0.009	0.558	1.980	0.289	0.069
C4118.09	AE	0.110	0.092	0.037	0.021	0.574	0.699	0.205	0.240
CNE5	AE	0.228	0.273	0.018	0.008	0.788	1.240	0.051	0.033
CNE55	AE	0.292	0.105	0.146	1.370	0.891	0.327	1.320	>50
CNE59	AE	0.516	0.457	0.091	0.113	1.680	1.860	0.465	>50
M02138	AE	0.742	0.129	0.122	0.022	1.850	1.080	1.360	0.810
R1166.c1	AE	1.774	1.051	1.550	0.587	7.053	5.358	9.238	12.502
R2184.c4	AE	0.052	0.023	0.204	0.280	0.237	0.117	1.750	>50
R3265.c6	AE	0.731	1.680	1.300	0.036	4.280	>50	9.800	0.681
TH966.8	AE	0.331	0.263	0.042	0.008	1.240	0.958	0.183	0.030
211-9	AG	14.280	nd	0.049	0.029	>50	nd	0.243	0.144
235-47	AG	0.049	<0.023	0.322	0.246	0.139	0.048	1.080	3.490
255-34	AG	0.252	0.383	0.015	0.005	0.978	3.900	0.114	0.079
257-31	AG	1.677	0.550	0.029	0.003	5.799	2.843	0.076	0.024
263-8	AG	0.119	0.097	0.353	1.310	0.573	0.297	1.460	>50
271-11	AG	0.052	0.078	0.097	0.102	0.200	0.431	1.414	>50
280-5	AG	0.017	0.036	0.379	0.233	0.081	0.217	1.944	4.527
928-28	AG	0.378	7.930	0.060	0.023	0.960	>50	0.301	0.249
DJ263.8	AG	0.072	0.305	0.100	0.048	0.668	5.390	0.733	1.110
T253-11	AG	0.265	0.074	0.127	4.440	0.772	0.248	1.720	>50
T33-7	AG	<0.023	<0.023	<0.023	<0.023	<0.023	<0.023	0.087	0.279
3988.25	B	2.100	0.250	0.010	0.002	>50	1.730	0.091	0.080
5768.04	B	0.099	0.141	0.073	0.020	0.942	0.825	1.320	>50
1012-11.TC21.3257	B	0.120	nd	0.172	0.030	0.320	nd	0.605	0.219
1056-10.TA11.1826	B	0.920	nd	6.339	0.315	3.280	nd	38.259	1.952
ADA.DG	B	0.424	0.412	0.342	0.023	1.400	1.350	>50	0.458
Bal.01	B	0.102	0.116	0.052	8.000	0.318	0.601	1.520	>50
Bal.26	B	0.047	0.503	0.034	0.136	0.154	5.330	0.365	>50
BX08.16	B	0.281	0.363	0.024	0.062	0.680	1.260	0.273	38.800
CAAN.A2	B	1.060	1.660	13.000	7.430	2.630	4.550	>50	>50
CNE10	B	0.776	0.619	0.243	9.170	1.870	1.900	1.610	>50
HT593.1	B	0.438	0.130	0.271	0.153	1.720	1.010	5.410	13.700
JRC5F.JB	B	0.234	0.162	0.903	0.002	0.804	0.950	0.009	0.016
PVO.04	B	0.398	0.283	6.240	19.800	0.990	0.995	37.100	>50
RELIO.67	B	0.045	0.029	0.005	0.005	0.207	0.140	0.090	0.049
SC05.8C11.2344	B	0.640	nd	0.892	0.070	1.910	nd	4.283	1.616
SC422.8	B	0.132	0.052	0.535	1.200	0.331	0.207	38.600	>50
SS1196.01	B	0.276	0.138	0.293	0.069	0.650	0.356	3.080	2.900
TRJO.58	B	0.079	0.183	0.246	0.393	0.239	0.138	3.220	13.900
TRO.11	B	0.343	0.237	41.500	4.860	1.090	0.926	>50	>50
WITO.33	B	0.112	0.400	<0.023	<0.023	0.267	15.000	0.030	0.006
YU2.DG	B	0.055	0.063	3.690	0.041	0.149	0.193	>50	>50
CH038.12	BC	0.379	0.187	0.500	49.000	1.530	0.616	>50	>50
CH070.1	BC	18.700	0.108	0.006	0.002	>50	1.390	0.024	0.013
CH117.4	BC	0.059	0.040	0.008	0.005	0.334	0.252	0.030	0.028
CH181.12	BC	0.540	0.309	0.008	0.002	1.870	1.120	0.043	0.010
CNE15	BC	0.080	0.054	<0.023	<0.023	0.280	0.244	<0.023	<0.023
CNE40	BC	0.425	0.502	1.160	49.000	4.410	1.610	20.000	>50
CNE7	BC	0.540	16.000	1.660	0.393	1.360	>50	4.500	1.910
288.36	C	0.103	0.167	0.971	0.005	0.379	0.897	0.368	0.018
288.38	C	1.520	0.556	3.140	0.186	5.860	1.940	>50	>50
0013095-2.11	C	0.142	0.181	<0.023	<0.023	0.519	0.396	0.061	0.148
001428-2.42	C	<0.023	<0.023	<0.023	<0.023	0.035	0.034	<0.023	<0.023
25710-2.43	C	0.545	0.517	0.038	<0.023	1.560	2.000	0.179	0.120
25711-2.4	C	0.712	0.578	1.500	0.037	1.700	1.440	5.270	0.573
25925-2.22	C	0.559	0.408	<0.023	<0.023	1.390	1.040	0.063	0.025
26191-2.48	C	0.195	0.219	0.142	1.950	0.646	0.699	0.956	>50
3168.V4.C10	C	0.131	0.163	0.162	0.037	0.279	0.350	0.657	0.515
6644.V2.C33	C	0.164	0.398	0.033	35.300	0.528	2.360	0.120	>50
6785.V5.C14	C	0.332	0.219	<0.023	<0.023	0.869	0.632	0.094	<0.023
BR025.9	C	0.271	19.800	0.044	0.009	1.080	>50	0.215	0.049
CAP244.D3	C	0.857	0.338	0.088	<0.023	2.360	0.838	0.362	0.058
CAP45.G3	C	2.290	46.100	0.003	0.002	>50	>50	0.014	0.007
CNE31	C	0.962	0.336	13.500	2.510	2.240	1.330	>50	>50
CNE58	C	0.124	0.738	<0.023	<0.023	0.313	2.620	0.068	<0.023
DU151.2	C	3.160	0.370	0.012	0.004	46.500	0.099	0.054	0.016
DU156.12	C	0.082	<0.023	<0.023	<0.023	0.244	0.099	0.143	0.019
MW965.26	C	0.038	0.034	1.990	0.961	0.116	0.110	49.900	>50
SO18.18	C	0.071	0.099	0.061	0.023	0.166	0.237	0.227	0.136
TZBD.02	C	0.072	0.089	0.265	0.025	0.228	0.331	1.299	0.178
ZM012.29	C	0.250	0.165	27.000	0.931	0.828	0.623	>50	>50
ZM108.10	C	0.556	0.421	0.097	0.042	1.370	0.195	1.390	2.558
ZM108.9	C	0.248	0.135	0.635	1.100	0.058	0.394	6.580	>50
ZM109.32	C	0.091	0.190	0.099	30.000	0.422	0.055	0.722	>50
ZM109.4	C	0.134	<0.023	0.106	4.930	0.394	0.108	2.640	>50
ZM146.7	C	0.460	0.971	0.635	0.767	1.620	4.910	6.780	>50
ZM176.66	C	0.038	0.103	0.007	0.002	0.246	10.900	0.050	0.010
ZM181.6	C	1.120	11.600	0.005	0.001	6.490	>50	0.013	0.054

ZM197.7	C	0.624	0.830	0.414	0.650	1.550	4.520	1.920	6.670
ZM233.6	C	4.250	39.700	<0.023	<0.023	23.100	>50	0.016	0.004
ZM249.1	C	0.082	0.029	0.033	0.073	0.242	0.116	0.408	9.230
ZM53.12	C	1.310	4.280	0.092	0.009	4.020	1.150	0.330	0.031
ZM53.21	C	1.160	2.650	0.019	0.003	3.590	9.780	0.071	0.009
ZM55.4a	C	0.450	1.530	4.190	0.308	1.500	0.457	41.200	14.500
Z31965.c1	D	0.487	0.213	1.510	4.720	1.550	0.848	>50	>50
P0402.c2.11	G	0.210	nd	0.296	0.025	0.590	nd	2.367	0.411
P1981.C5.3	G	0.460	nd	0.259	0.376	1.260	nd	2.512	>50
X1193.c1	G	0.110	nd	0.105	0.018	0.320	nd	0.304	0.110
X1254.c3	G	0.070	nd	0.085	0.023	0.190	nd	0.304	0.219
X1632.S2.B10	G	0.120	nd	0.107	0.012	0.740	nd	0.934	0.076
X2131.C1.B5	G	0.510	nd	0.084	0.024	1.540	nd	0.286	0.139

#### Resistant Viruses

Virus	Clade	IC50				IC80			
		VRC01	VRCPG04	PG9	PG16	VRC01	VRCPG04	PG9	PG16
266-60	AG	0.353	0.346	24.018	>50	1.351	1.208	>50	>50
6535.3	B	2.160	0.840	0.465	>50	6.270	3.890	2.310	>50
1006-11.C3.1601	B	0.150	nd	0.386	>50	0.390	nd	1.906	>50
6240.08.TA5.4622	B	0.610	nd	1.747	>50	1.820	nd	6.333	>50
HXB2_DG	B	0.040	0.064	0.553	>50	0.077	0.104	10.200	>50
CNE53	C	0.108	0.108	0.147	>50	0.280	0.274	0.809	>50
ZM215.8	C	0.276	0.118	<0.023	>50	0.833	0.458	0.228	>50
ZM55.28a	C	0.144	0.267	0.571	>50	0.532	1.560	11.500	>50
3016.v5.c45	D	0.111	20.800	0.286	>50	0.341	>50	>50	>50
UG024.2	D	0.106	0.114	3.940	>50	0.536	0.888	>50	>50
251-18	AG	3.580	1.220	>50	10.500	10.200	4.210	>50	>50
RHPA.7	B	0.047	0.048	>50	1.320	0.155	0.148	>50	>50
3873.V1.C24	C	0.954	0.203	>50	12.200	0.328	1.210	>50	>50
6952.v1.c20	CD	0.040	nd	>50	21.865	0.120	nd	>50	>50
3718.v3.c11	A	0.218	>50	0.050	0.019	4.990	>50	0.202	0.102
Q259.17	A	0.051	>50	0.045	0.028	0.262	>50	0.229	0.717
3589.V1.C4	AC	0.073	>50	0.025	0.728	0.184	>50	0.102	37.800
C3347.c11	AE	0.037	>50	0.038	0.006	0.198	>50	0.168	0.031
CNE3	AE	3.560	>50	0.079	0.173	>50	>50	1.120	>50
269-12	AG	0.163	>50	1.520	0.281	0.404	>50	5.730	1.440
AC10.29	B	1.430	>50	0.078	<0.023	3.830	>50	0.306	0.088
THRO.18	B	4.420	>50	15.000	0.975	15.100	>50	>50	>50
0077.V1.C16	C	1.040	>50	0.091	<0.023	3.650	>50	0.343	0.075
16055-2.3	C	0.105	>50	0.014	0.005	0.365	>50	0.060	0.016
16845-2.22	C	2.410	>50	2.380	27.800	9.070	>50	36.800	>50
Du123.6	C	18.200	>50	0.047	0.018	>50	>50	0.247	0.168
3326.V4.C3	CD	0.073	>50	<0.023	<0.023	15.200	>50	0.111	0.221
DU172.17	C	>50	0.218	0.262	0.030	>50	1.160	0.899	0.134
3817.v2.c59	CD	>50	3.760	0.007	0.005	>50	41.000	0.008	0.051
0439.v5.c1	A	0.052	0.104	>50	>50	0.238	0.499	>50	>50
398-F1.F8.20	A	0.058	0.016	>50	>50	0.520	0.124	>50	>50
QH209.14M.A2	A	0.024	0.037	>50	>50	0.078	0.247	>50	>50
0815.V3.C3	ACD	0.036	0.073	>50	>50	0.024	0.204	>50	>50
CNE56	AE	0.442	0.574	>50	>50	1.690	2.320	>50	>50
TH976.17	AE	0.066	0.024	>50	>50	0.444	0.151	>50	>50
1054-07.TC4.1499	B	0.710	nd	>50	>50	2.850	nd	>50	>50
6101.10	B	0.108	0.090	>50	>50	0.330	0.528	>50	>50
62357.14.D3.4589	B	0.960	nd	>50	>50	4.680	nd	>50	>50
6244.13.B5.4567	B	0.210	nd	>50	>50	0.530	nd	>50	>50
89.6.DG	B	0.460	0.130	>50	>50	1.575	0.331	>50	>50
BG1168.01	B	0.449	1.050	>50	>50	1.430	3.110	>50	>50
BR07.DG	B	1.666	1.038	>50	>50	4.672	6.379	>50	>50
CNE12	B	0.785	0.268	>50	>50	2.190	0.938	>50	>50
CNE4	B	0.871	0.618	>50	>50	2.360	1.930	>50	>50
CNE57	B	0.535	0.126	>50	>50	1.340	0.316	>50	>50
JRFL JB	B	0.033	0.102	>50	>50	0.117	0.465	>50	>50
QH0515.01	B	0.623	0.619	>50	>50	3.660	4.210	>50	>50
QH0892.42	B	1.160	0.987	>50	>50	3.000	4.300	>50	>50
RZ	B	0.251	0.226	>50	>50	1.470	1.180	>50	>50
SF162.LS	B	0.237	0.089	>50	>50	0.627	0.249	>50	>50
16936-2.21	C	0.109	0.071	>50	>50	0.466	0.228	>50	>50
96ZM651.02	C	0.525	2.950	>50	>50	1.940	16.000	>50	>50
CNE30	C	0.927	0.626	>50	>50	2.590	2.510	>50	>50
ZM214.15	C	0.881	0.411	>50	>50	3.040	3.200	>50	>50
3337.V2.C6	CD	0.063	0.044	>50	>50	0.133	0.076	>50	>50
6405.v4.c34	D	2.630	2.790	>50	>50	7.360	7.370	>50	>50
A03349M1.vrc4a	D	4.660	3.500	>50	>50	28.100	14.600	>50	>50
NKU3006.ec1	D	0.506	0.414	>50	>50	1.780	1.650	>50	>50
00836-2.5	C	0.128	>50	49.000	>50	0.520	>50	>50	>50
247-23	D	24.200	>50	0.195	>50	>50	>50	0.909	>50
6545.V4.C1	AC	>50	>50	0.095	0.068	>50	>50	0.315	0.562
TV1.29	C	>50	>50	0.008	0.002	>50	>50	0.044	0.150
HO86.8	B	>50	>50	0.014	0.001	>50	>50	0.125	0.020
242-14	AG	>50	>50	0.025	<0.023	>50	>50	0.112	0.175
6540.v4.c1	AC	>50	>50	0.035	0.017	>50	>50	0.213	0.154
CAP210.E8	C	>50	>50	0.080	0.021	>50	>50	0.501	0.882
57128.vrc15	D	>50	>50	0.104	0.162	>50	>50	0.665	>50
57128.02	D	>50	>50	0.136	0.076	>50	>50	0.634	38.300
TZA125.17	C	>50	>50	0.231	0.024	>50	>50	1.210	0.779
DU422.01	C	>50	>50	0.303	<0.023	>50	>50	6.060	49.900
278-50	AG	>50	>50	0.813	1.130	>50	>50	9.901	0.001
250-4	AG	>50	>50	<0.0006	<0.0006	>50	>50	9.901	0.001
7165.18	B	>50	>50	>50	3.100	>50	>50	>50	>50
620345.c1	AE	>50	>50	0.393	>50	>50	>50	>50	>50
CNE14	B	0.389	>50	>50	>50	0.973	>50	>50	>50
MN.3	B	0.033	>50	>50	>50	0.070	>50	>50	>50
3637.V5.C3	C	4.090	>50	>50	>50	11.000	>50	>50	>50
ZM135.10a	C	1.280	>50	>51	>50	6.160	>50	>50	>50
ZM135.8a	C	0.374	>50	>52	>50	2.050	>50	>50	>50
UG021.16	D	0.296	>50	>53	>50	0.920	>50	>50	>50
BL01.DG	B	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50
6322.V4.C1	C	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50
6471.V1.C16	C	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50
6631.V3.C10	C	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50
X2088.c9	G	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50

**Figure S1. IC<sub>50</sub> and IC<sub>80</sub> neutralization values for 208 HIV-1 isolates and four mAb.** Red boxes indicate values < 1 µg/ml, orange, 1-10 µg/ml, and yellow, 10-50 µg/ml; nd, not done. Isolates in the "Sensitive" table are neutralized by all 4 mAbs at an IC<sub>50</sub> <50 µg/ml.