

Table S1. Comparison between results with the API 20C AUX commercial kit and DNA sequence identification of some species.

Nº	Strain	API 20 CAUX			Sequencing
		Species	%	T	
1.	UNESP 4B	<i>C. famata</i>	62,6	0,65	<i>C. parapsilosis</i>
		<i>C. guilliermondii</i>	37,2	0,55	
2.	UNESP 4C	<i>C. guilliermondii</i>	84,3	1,0	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	15,6	0,94	
3.	LGMG 4B	<i>C. guilliermondii</i>	60,3	0,83	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	39,6	0,86	
4.	LGMG 4E	<i>C. guilliermondii</i>	60,3	0,83	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	39,6	0,86	
5.	UNESP 1A	<i>C. guilliermondii</i>	60,3	0,83	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	39,6	0,86	
6.	UNESP 1B	<i>C. guilliermondii</i>	84,3	1,0	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	15,6	0,94	
7.	UNESP 1C	<i>C. guilliermondii</i>	84,3	1,0	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	15,6	0,94	
8.	UNESP 1D	<i>C. guilliermondii</i>	84,3	1,0	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	15,6	0,94	
9.	UNESP 4A	<i>C. guilliermondii</i>	84,3	1,0	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	15,3	0,94	
10.	UNESP 6A	<i>C. guilliermondii</i>	60,3	0,83	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	39,6	0,86	
11.	UNESP 6B	<i>C. guilliermondii</i>	60,3	0,83	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	39,6	0,86	
12.	UNESP 6C	<i>C. guilliermondii</i>	60,3	0,83	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	39,6	0,86	
13.	UNESP 7A	<i>C. guilliermondii</i>	60,3	0,83	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	39,6	0,86	
14.	USP H585	<i>C. guilliermondii</i>	84,3	1,0	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	15,3	0,94	
15.	SK 043	<i>C. guilliermondii</i>	84,3	1,0	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	15,6	0,94	
16.	SK 063	<i>C. guilliermondii</i>	60,3	0,83	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	39,6	0,86	
17.	45 Cont A	<i>C. guilliermondii</i>	60,3	0,83	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	39,6	0,86	
18.	USP H1020	<i>C. guilliermondii</i>	60,3	0,83	<i>C. guilliermondii</i>
		<i>C. famata</i>	39,6	0,86	
19.	LGMG3A	<i>C. krusei/</i> <i>inconspicua</i>	98,9	0,91	<i>C. krusei</i>
20.	LGMG3B	<i>C. krusei/</i> <i>inconspicua</i>	98,9	0,91	<i>C. krusei</i>
21.	LGMG3D	<i>C. krusei/</i> <i>inconspicua</i>	98,9	0,91	<i>C. krusei</i>
22.	LGMG 5G	<i>C. krusei/</i> <i>inconspicua</i>	98,9	0,91	<i>C. krusei</i>
23.	SK 088	<i>C. krusei</i> <i>/inconspicua</i>	96,2	1,00	<i>C. krusei</i>
24.	11ANBN A	<i>C. krusei/</i> <i>inconspicua</i>	98,9	0,91	<i>C. krusei</i>
25.	11ANBN B	<i>C. krusei/</i> <i>inconspicua</i>	98,9	0,91	<i>C. krusei</i>
26.	LGMG 8A	<i>C. pelliculosa</i>	79,1	0,69	<i>C. subpelliculosa</i>
27.	LGMG 8B	<i>C. pelliculosa</i>	79,1	0,69	<i>C. subpelliculosa</i>
28.	ATCC 62894	<i>C. guilliermondii</i>	60,3	0,83	<i>C. palmioleophila</i>
		<i>C. famata</i>	39,6	0,86	

% - Designates the similarity between the unknown and the standard sample used when the test was assembled

T - Confiability index; maximum value is 1.